```
AGATAGGTGGACTATGCAGTCAATGGAACTGCCGCTA-Reference sgRNA
```

AGATAGGTGGACTATGCAGTCAATGGACGAACTGCCGCTA-88.93% (39470 reads) AGATAGGTGGACTATGCAGTCACTGGAACTGCCGCTA-0.33% (147 reads) AGAGAGGTGGACTATGCAGTCAATGGACGAACTGCCGCTA-0.32% (141 reads) GGATAGGTGGACTATGCAGTCAATGGACGAACTGCCGCTA-0.29% (127 reads) AGATAGGTGGACTATGCAGTCAATGGACGAGCTGCCGCTA-0.26% (115 reads) AGATAGGTGGACTATGCAGTICAATGGGGCGAACTGCCGCTA-0.25% (109 reads) AGATAGGTGGACTATGCGGTCAATGGACGAACTGCCGCTA-0.24% (108 reads) AGATAGGTGGGCTATGCAGTCAATGGACGAACTGCCGCTA-0.24% (106 reads) AGGTAGGTGGACTATGCAGTCAATGGACGAACTGCCGCTA-0.24% (105 reads) AGATAGGTGGACTATGCAGTCAATGGACGGACTGCCGCTA-0.23% (101 reads) AGATAGGTGGACTATGCAGTCAGTGGACGAACTGCCGCTA-0.22% (96 reads) AGATAGGTGGACTACGCAGTCAATGGACGAACTGCCGCTA-0.21% (94 reads)

bold Substitutions

- Insertions
- Deletions
- ----- Predicted cleavage position