AGATAGGTGGACTATGCAGTCAATGGAACTGCCGCTA-Reference sgRNA

```
AGATAGGTGGACTATGCAGTCAATGGACGAACTGCCGCTA-85.92% (17759 reads)
AGATAGGTGGACTATGC - - CAATGGACGAACTGCCGCTA-0.58% (120 reads)
AGATAGGTGGACTAT----CAATGGACGAACTGCCGCTA-0.58% (119 reads)
AGATAGGTGGACTATGCA----ATGGACGAACTGCCGCTA-0.36% (75 reads)
AGATAGGTGGACTATGCAGT: AATGGACGAACTGCCGCTA-0.32% (67 reads)
AGATAGGTGGACTATGCAG-CAATGGACGAACTGCCGCTA-0.27% (55 reads)
AGGTAGGTGGACTATGCAGTCAATGGACGAACTGCCGCTA-0.23% (47 reads)
AGATAGGTGGACTATGCAGCICAATGGACGAACTGCCGCTA-0.23% (47 reads)
AGATAGGTGGACTATGCAGTCAAGGGGACGAACTGCCGCTA-0.22% (46 reads)
AGATAGGTGGACTATGCAGTCAATGGACGAACCGCCGCTA-0.21% (44 reads)
AGATAGGCGGACTATGCAGTCAATGGACGAACTGCCGCTA-0.21% (44 reads)
AGATAGGTGGACTATGCGGTCAATGGACGAACTGCCGCTA-0.21% (44 reads)
AGATAGGTGGACTATGCAGTCAATGGACGAACTGCCGCGA-0.21% (43 reads)
AGATAGGTGGACTATGCAGTCAATGGACGGACTGCCGCTA-0.20% (42 reads)
```

**bold** Substitutions

- Insertions
- Deletions
- ----- Predicted cleavage position