AGATAGGTGGACTATGCAGTCAATGGACGAACTTCCGCTA-Reference sgRNA

AGATAGGTGGACTATGCAGTCAATGGACGAACTTCCGCTA-80.33% (6912 reads) AGATAGGTGGACTATGCAGTCAATGGAACTGCCGCTA-1.03% (89 reads) AGATAGGTGGACTAT - - - - CAATGGACGAACTTCCGCTA-0.96% (83 reads) AGATAGGTGGACTATGCAGTTCAATGGACGAACTTCCGCT-0.73% (63 reads) AGAGAGGTGGACTATGCAGTCAATGGACGAACTTCCGCTA-0.52% (45 reads) AGATAGGTGGACTATGCA----ATGGACGAACTTCCGCTA-0.43% (37 reads) AGATAGGTGGACTA-----CAATGGACGAACTTCCGCTA-0.42% (36 reads AGATAGGTGGACTATGCAGTCAATGGACGAGCTTCCGCTA-0.38% (33 reads) AGATAGGTGGACTATGCAGTCACTGGACGAACTTCCGCTA-0.35% (30 reads AGATAGGTGGACTATGCAG-CAATGGACGAACTTCCGCTA-0.29% (25 reads) AGATAGGTGGACTATGCA-TCAATGGACGAACTTCCGCTA-0.27% (23 reads AGATAGGTGGACTATGCAGTCAATGGACGAACGTCCGCTA-0.26% (22 reads) AGATAGGTGGACTATGC - - CAATGGACGAACTTCCGCTA-0.26% (22 reads) AGATAGGTGGACTACGCAGTCAATGGACGAACTTCCGCTA-0.26% (22 reads) GGATAGGTGGACTATGCAGTICAATGGACGAACTTCCGCTA-0.22% (19 reads) AGATAGGTGGGCTATGCAGTCAATGGACGAACTTCCGCTA-0.22% (19 reads) AGATAGGTGGACTATGCAGCCAATGGACGAACTTCCGCTA-0.22% (19 reads) AGATAGGTGGACT - - - - - <mark>C</mark>AATGGACGAACTTCCGCTA-0.21% (18 reads)

■ Substitutions
■ Insertions

Deletions

----- Predicted cleavage position