台湾大学林轩田机器学习技法课程学习笔记14 -- Radial Basis Function Network

作者:红色石头

微信公众号: AI有道(ID: redstonewill)

上节课我们主要介绍了Deep Learning的概念。Deep Learing其实是Neural Networ的延伸,神经元更多,网络结构更加复杂。深度学习网络在训练的过程中最核心的问题就是pre-training和regularization。pre-training中,我们使用denoising autoencoder来对初始化权重进行选择。denoising autoencoder与统计学中经常用来进行数据处理的PCA算法具有很大的关联性。这节课我们将介绍Radial Basis Function Network,把之前介绍的adial Basis Function和Neural Network联系起来。

RBF Network Hypothesis

之前我们介绍过,在SVM中引入Gaussian Kernel就能在无限多维的特征转换中得到一条"粗壮"的分界线(或者高维分界平面、分界超平面)。从结果来看,Gaussian SVM 其实就是将一些Gaussian函数进行线性组合,而Gaussian函数的中心就位于Support Vectors上,最终得到预测模型 $g_{sym}(x)$ 。

$$g_{\text{SVM}}(\mathbf{x}) = \text{sign}\left(\sum_{\text{SV}} \alpha_n \mathbf{y}_n \exp\left(-\gamma \|\mathbf{x} - \mathbf{x}_n\|^2\right) + b\right)$$

Gaussian SVM: find α_n to combine Gaussians centered at \mathbf{x}_n ; achieve large margin in infinite-dimensional space, remember? :-)

Gaussian kernel的另一种叫法是Radial Basis Function(RBF) kernel,即径向基函数。这个名字从何而来?首先,radial表示Gaussian函数计算结果只跟新的点x与中心点 x_n 的距离有关,与其它无关。basis function就是指Gaussian函数,最终的矩 $g_{sym}(x)$ 就是由这些basis function线性组合而成。

从另外一个角度来看Gaussian SVM。首先,构造一个函数 $g_n(x)$:

$$g_n(x) = y_n e^{-\gamma ||x-x_n||^2}$$

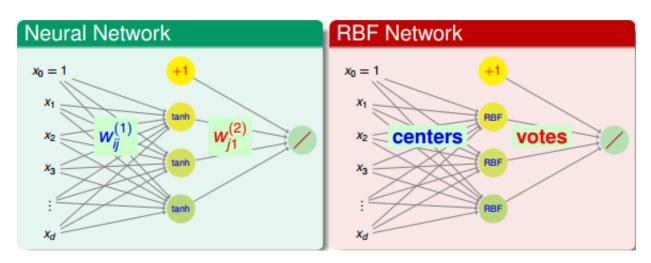
上式中,指数项表示新的点x与 x_n 之间的距离大小。距离越近,即权重越大,相当于对 y_n 投的票数更多;而距离越远,权重越小,相当于对 y_n 投的票数更少。其物理意义是新的点与 x_n 的距离远近决定了 $g_n(x)$ 与 y_n 的接近程度。如果距离越近,则 y_n 对 $g_n(x)$ 的权重影响越大;如果距离越远,则 y_n 对 $g_n(x)$ 的权重影响越小。那么整体来说, $g_{svm}(x)$ 就由所有的SV组成的 $g_n(x)$ 线性组合而成,不同 $g_n(x)$ 对应的系数是 α_n

,最后由sign函数做最后的选择。这个过程很类型我们之前介绍的aggregation中将所有较好的hypothesis线性组合,不同的 $g_n(x)$ 有不同的权重 α_n 。我们把 $g_n(x)$ 叫做 radial hypotheses,Gaussian SVM就是将所有SV对应的radial hypotheses进行线性组合(linear aggregation)。

- Gaussian kernel: also called Radial Basis Function (RBF) kernel
 - radial: only depends on distance between x and 'center' x_n
 - · basis function: to be 'combined'
- let $g_n(\mathbf{x}) = y_n \exp(-\gamma \|\mathbf{x} \mathbf{x}_n\|^2)$: $g_{\text{SVM}}(\mathbf{x}) = \text{sign}(\sum_{\text{SV}} \alpha_n g_n(\mathbf{x}) + b)$
 - —linear aggregation of selected radial hypotheses

那么, Radial Basis Function(RBF) Network其实就是上面Gaussian SVM概念的延伸,目的就是找到所有radial hypotheses的linear aggregation,得到更好的网络模型。

之所以叫作RBF Network是因为它的模型结构类似于我们之前介绍的Neural Network。



Neural Network与RBF Network在输出层基本是类似的,都是上一层hypotheses的线性组合(linear aggregation)。但是对于隐藏层的各个神经元来说,Neural Network是使用内积(inner-product)加上tanh()函数的方法,而RBF Network是使用距离(distance)加上Gaussian函数的方法。总的来说,RBF Network是Neural Network的一个分支。

- hidden layer different: (inner-product + tanh) versus (distance + Gaussian)
- output layer same: just linear aggregation

至此, RBF Network Hypothesis以及网络结构可以写成如下形式:

$$h(\mathbf{x})$$

$$= \text{Output}\left(\sum_{m=1}^{M} \beta_m \text{RBF}(\mathbf{x}, \mu_m) + b\right)$$

$$\text{key variables:}$$

$$\text{centers } \mu_m; \text{ (signed) votes } \beta_m$$

$$RBF \text{ Network}$$

$$x_0 = 1$$

$$x_2 \text{ centers}$$

$$x_3 \text{ RBF}$$

$$x_3 \text{ RBF}$$

上式中, μ_m 表示每个中心点的位置,隐藏层每个神经元对应一个中心点; β_m 表示每个RBF的权重,即投票所占比重。

对应到Gaussian SVM上,上式中的RBF就是Gaussian函数。由于是分类问题,上式中的Output就是sign函数。其中,RBF的个数M就等于支持向量的个数SV, μ_m 就代表每个SV的坐标 x_m ,而 β_m 就是在Dual SVM中推导得到的 $\alpha_n y_m$ 值。那我们学习的目标就是根据已知的RBF和Output,来决定最好的中心点位置 μ_m 和权重系数 β_m 。

g_{SVM} for Gaussian-SVM

- RBF: Gaussian; Output: sign (binary classification)
- M = #SV; μ_m : SVM SVs \mathbf{x}_m ; β_m : $\alpha_m y_m$ from SVM Dual

learning: given RBF and Output, decide μ_m and β_m

在之前介绍SVM的时候,我们就讲过Mercer定理:一个矩阵是Kernel的充分必要条件是它是对称的且是半正定的,条件比较苛刻。除了Gaussian kernel还有Polynomial kernel等等。Kernel实际上描述了两个向量之间的相似性,通过转换到z空间计算内积的方式,来表征二者之间的相似性。而RBF实际上是直接使用x空间的距离来描述了一种相似性,距离越近,相似性越高。因此,kernel和RBF可以看成是两种衡量相似性(similarity)的方式。本文介绍的Gaussian RBF即为二者的交集。

```
kernel: similarity via \mathcal{Z}-space inner product —governed by Mercer's condition, remember? :-) Poly(\mathbf{x}, \mathbf{x}') = (1 + \mathbf{x}^T \mathbf{x}')^2 Gaussian(\mathbf{x}, \mathbf{x}') = \exp(-\gamma \|\mathbf{x} - \mathbf{x}'\|^2) Truncated(\mathbf{x}, \mathbf{x}') = [\|\mathbf{x} - \mathbf{x}'\| \le 1] (1 - \|\mathbf{x} - \mathbf{x}'\|)^2 RBF: similarity via \mathcal{X}-space distance —often monotonically non-increasing to distance
```

除了kernel和RBF之外,还有其它衡量相似性的函数。例如神经网络中的神经元就是 衡量输入和权重之间的相似性。

经过以上分析,我们知道了RBF Network中distance similarity是一个很好的定义特征转换的方法。除此之外,我们还可以使用其它相似性函数来表征特征转换,从而得到更好的机器学习模型。

RBF Network Learning

我们已经介绍了RBF Network的Hypothesis可表示为:

$$h(\mathbf{x}) = \text{Output}\left(\sum_{m=1}^{M} \beta_m \text{RBF}(\mathbf{x}, \mu_m)\right)$$

其中 μ_m 表示中心点的位置。 μ_m 的个数M是人为决定的,如果将每个样本点 x_m 都作为一个中心点,即M=N,则我们把这种结构称为full RBF Network。也就是说,对于full RBF Network,每个样本点都对最终的预测都有影响(uniform influence),影响的程度由距离函数和权重 β_m 决定。如果每个样本点的影响力都是相同的,设为1, $\beta_m=1\cdot y_m$,那么相当于只根据距离的远近进行投票。最终将x与所有样本点的RBF距离线性组合,经过sign函数后,得到最终的预测分类结果。这实际上就是aggregation的过程,考虑并计入所有样本点的影响力,最后将x与所有样本点的distance similarity进行线性组合。

- full RBF Network: M = N and each $\mu_m = \mathbf{x}_m$
- physical meaning: each \mathbf{x}_m influences similar \mathbf{x} by β_m
- e.g. uniform influence with $\beta_m = 1 \cdot y_m$ for binary classification

$$g_{\text{uniform}}(\mathbf{x}) = \operatorname{sign}\left(\sum_{m=1}^{N} y_{m} \exp\left(-\gamma \|\mathbf{x} - \mathbf{x}_{m}\|^{2}\right)\right)$$

-aggregate each example's opinion subject to similarity

full RBF Network的矩可以表示为:

$$g_{\text{uniform}}(\mathbf{x}) = \operatorname{sign}\left(\sum_{m=1}^{N} \mathbf{y_m} \exp\left(-\gamma \|\mathbf{x} - \mathbf{x}_m\|^2\right)\right)$$

我们来看上式中的Gaussian函数项,当 \mathbf{x} 与样本点 \mathbf{x}_m 越接近的时候,其高斯函数值越大。由于Gaussian函数曲线性质,越靠近中心点,值越大;偏离中心点,其值会下降

得很快。也就是说,在所有N个中心样本点中,往往只有距离x最近的那个样本点起到关键作用,而其它距离x较远的样本点其值很小,基本可以忽略。因此,为了简化运算,我们可以找到距离x最近的中心样本点,只用这一个点来代替所有N个点,最后得到的矩 $g_{nbor}(x)$ 也只由该最近的中心点决定。这种模型叫做nearest neighbor model,只考虑距离x最近的那一个"邻居"。

当然可以对nearest neighbor model进行扩展,如果不是只选择一个"邻居",而是选择距离x最近的k个"邻居",进行uniformly aggregation,得到最终的矩 $g_{nbor}(x)$ 。这种方法通常叫做k近邻算法(k nearest neighbor)。

- $\exp(-\gamma \|\mathbf{x} \mathbf{x}_m\|^2)$: maximum when \mathbf{x} closest to \mathbf{x}_m —maximum one often dominates the $\sum_{m=1}^{N}$ term
- take y_m of maximum exp(...) instead of voting of all y_m
 —selection instead of aggregation
- physical meaning:

$$g_{\text{nbor}}(\mathbf{x}) = \mathbf{y}_{m}$$
 such that \mathbf{x} closest to \mathbf{x}_{m}

- -called nearest neighbor model
- can uniformly aggregate k neighbors also: k nearest neighbor

k nearest neighbor通常比nearest neighbor model效果更好,计算量上也比full RBF Network要简单一些。值得一提的是,k nearest neighbor与full RBF Network都是比较"偷懒"的方法。因为它们在训练模型的时候比较简单,没有太多的运算,但是在测试的时候却要花费更多的力气,找出最相近的中心点,计算相对复杂一些。

接下来,我们来看一下Full RBF Network有什么样的优点和好处。考虑一个squared error regression问题,且每个RBF的权重为 eta_m 而不是前面简化的 $m{y}_m$ 。目的是计算最优化模型对应的 $m{\beta}_m$ 值。该hypothesis可表示为:

full RBF Network for squared error regression:

$$h(\mathbf{x}) = \text{Definit}\left(\sum_{m=1}^{N} \beta_{m} \text{RBF}(\mathbf{x}, \mathbf{x}_{m})\right)$$

很明显,这是一个简单的线性回归问题,每个RBF都可以看成是特征转换。特征转换后的向量 z_n 可表示为:

$$z_n = [RBF(x_n, x_1), \ RBF(x_n, x_2), \ \cdots, \ RBF(x_n, x_N)]$$

那么,根据之前线性回归介绍过的最优化解公式,就能快速地得到 $oldsymbol{eta}$ 的最优解为:

$$\beta = (Z^T Z)^{-1} Z^T y$$

上述解的条件是矩阵 Z^TZ 是可逆的。

矩阵Z的大小是NxN,是一个方阵。而且,由于Z中每个向量 z_n 表示该点与其它所有点的RBF distance,所以从形式上来说,Z也是对称矩阵。如果所有的样本点 x_n 都不一样,则Z一定是可逆的。

just linear regression on RBF-transformed data

$$\mathbf{z}_n = [\mathsf{RBF}(\mathbf{x}_n, \mathbf{x}_1), \mathsf{RBF}(\mathbf{x}_n, \mathbf{x}_2), \dots, \mathsf{RBF}(\mathbf{x}_n, \mathbf{x}_N)]$$

- optimal β ? $\beta = (Z^TZ)^{-1}Z^Ty$, if Z^TZ invertible, remember? :-)
- size of Z? N (examples) by N (centers)
 —symmetric square matrix
- theoretical fact: if x_n all different, Z with Gaussian RBF invertible

根据Z矩阵的这些性质,我们可以对 β 的解进行化简,得到:

$$eta = Z^{-1}y$$

将 β 的解代入矩的计算中,以 x_1 为例,得到:

$$g_{RBF}(x_1) = eta^T z_1 = y^T Z^{-1} z_1 = y^T \ [1 \ 0 \ \cdots \ 0]^T = y_1$$

结果非常有趣,模型的输出与原样本 y_1 完全相同。同样,对任意的 x_n ,都能得到 $g_{RBF}(x_n)=y_n$ 。因此, $E_{in}(g_{RBF})=0$ 。看起来,这个模型非常完美了,没有 error。但是,我们之前就说过,机器学习中, $E_{in}=0$ 并非好事,很可能造成模型复杂度增加及过拟合。

full Gaussian RBF Network for regression:
$$\beta = Z^{-1}y$$

$$g_{\text{RBF}}(\mathbf{x}_1) = \boldsymbol{\beta}^T \mathbf{z}_1 = \mathbf{y}^T \mathbf{Z}^{-1} \text{ (first column of Z)} = \mathbf{y}^T \begin{bmatrix} 1 & 0 & \dots & 0 \end{bmatrix}^T = y_1$$

 $-g_{\text{RBF}}(\mathbf{x}_n) = y_n, \text{ i.e. } E_{\text{in}}(g_{\text{RBF}}) = 0, \text{ yeah!! :-)}$

当然,这种方法在某些领域还是很有用的。比如在函数拟合(function approximation)中,目标就是让 $E_{in}=0$,使得原所有样本都尽可能地落在拟合的函数曲线上。

为了避免发生过拟合,我们可以引入正则项 λ ,得到 β 的最优解为:

$$eta = (Z^TZ + \lambda I)^{-1}Z^Ty$$

- called exact interpolation for function approximation
- but overfitting for learning? :-(
- how about regularization? e.g. ridge regression for β instead
 —optimal β = (Z^TZ + λI)⁻¹Z^Ty
- seen Z? Z = [Gaussian(x_n, x_m)] = Gaussian kernel matrix K

我们再来看一下Z矩阵,Z矩阵是由一系列Gaussian函数组成,每个Gaussian函数计算的是两个样本之间的distance similarity。这里的Z与之前我们介绍的Gaussian SVM中的kernel K是一致的。当时我们得到kernel ridgeregression中线性系数*β*的解为:

$$eta = (K + \lambda I)^{-1} y$$

比较一下kernel ridgeregression与regularized full RBF Network的 解,形式上相似但不完全相同。这是因为regularization不一样,在kernel ridgeregression中,是对无限多维的特征转换做regularization,而在regularized full RBF Network中,是对有限维(N维度)的特征转换做regularization。因此,两者的公式解有细微差别。

effect of regularization in different spaces:

kernel ridge regression: $\beta = (K + \lambda I)^{-1}y$; regularized full RBFNet: $\beta = (Z^TZ + \lambda I)^{-1}Z^Ty$

除此之外,还有另外一种regularization的方法,就是不把所有N个样本点都拿来作中心点,而是只选择其中的M个样本点作为中心点。类似于SVM中的SV一样,只选择具有代表性的M个中心点。这样减少中心点数量的同时也就减少了权重的数量,能够起到regularization的效果,避免发生过拟合。

recall:

$$g_{\text{SVM}}(\mathbf{x}) = \text{sign}\left(\sum_{\text{SV}} \alpha_m y_m \exp\left(-\gamma \|\mathbf{x} - \mathbf{x}_m\|^2\right) + b\right)$$

—only '≪ N' SVs needed in 'network'

- next: *M* ≪ *N* instead of *M* = *N*
- effect: regularization
 by constraining number of centers and voting weights
- physical meaning of centers μ_m : prototypes

下一部分,我们将讨论如何选取M个中心点作为好的代表。

k-Means Algorithm

之所以要选择代表,是因为如果某些样本点很接近,那么就可以用一个中心点来代表它们。这就是聚类(cluster)的思想,从所有N个样本点中选择少数几个代表作为中心点。

```
if \mathbf{x}_1 \approx \mathbf{x}_2,

\Longrightarrow no need both RBF(\mathbf{x}, \mathbf{x}_1) & RBF(\mathbf{x}, \mathbf{x}_2) in RBFNet,

\Longrightarrow cluster \mathbf{x}_1 and \mathbf{x}_2 by one prototype \mu \approx \mathbf{x}_1 \approx \mathbf{x}_2
```

聚类(clustering)问题是一种典型的非监督式学习(unsupervised learning)。它的优化问题有两个变量需要确定:一个是分类的分群值 S_m ,每一类可表示为 S_1,S_2,\cdots,S_M ;另外一个是每一类对应的中心点 μ_1,μ_2,\cdots,μ_M 。那么对于该聚类问题的优化,其error function可使用squared error measure来衡量。

- clustering with prototype:
 - partition {x_n} to disjoint sets S₁, S₂, · · · , S_M
 - choose μ_m for each S_m
 - —hope: $\mathbf{x}_1, \mathbf{x}_2$ both $\in S_m \Leftrightarrow \mu_m \approx \mathbf{x}_1 \approx x_2$
- cluster error with squared error measure:

$$\textit{E}_{in}(\textit{S}_{1},\cdots,\textit{S}_{\textit{M}};\mu_{1},\cdots,\mu_{\textit{M}}) = \frac{1}{N}\sum_{\textit{n}=1}^{N}\sum_{\textit{m}=1}^{\textit{M}}[\![\textbf{x}_{\textit{n}}\in\textit{S}_{\textit{m}}]\!]\|\textbf{x}_{\textit{n}}-\mu_{\textit{m}}\|^{2}$$

那么,我们的目标就是通过选择最合适的 S_1,S_2,\cdots,S_M 和 μ_1,μ_2,\cdots,μ_M ,使得 E_{in} 最小化。对应的公式可表示为:

with S_1, \dots, S_M being a partition of $\{\mathbf{x}_n\}$,

$$\min_{\{\mathcal{S}_1,\cdots,\mathcal{S}_M;\mu_1,\cdots,\mu_M\}} \sum_{n=1}^N \sum_{m=1}^M [\![\mathbf{x}_n \in \mathcal{S}_m]\!] \|\mathbf{x}_n - \mu_m\|^2$$

- · hard to optimize: joint combinatorial-numerical optimization
- two sets of variables: will optimize alternatingly

从这个最小化公式,我们能够发现这是一个组合最佳化的问题,既要优化分群值 S_m ,又要求解每一类的中心点 u_m 。所以,这个最小化问题是比较复杂、难优化的。通常的办法是对S和 μ 分别进行最优化求解。

首先,如果 μ_1,μ_2,\cdots,μ_M 是固定的,目标就是只要对所有的 x_n 进行分群归类。这个求解过程很简单,因为每个样本点只能属于一个群S,不能同时属于两个或多个

群。所以,只要根据距离公式,计算选择离 x_n 最近的中心点 μ 即可。

if μ_1, \dots, μ_M fixed, for each \mathbf{x}_n

- $[x_n \in S_m]$: choose one and only one subset
- $\|\mathbf{x}_n \boldsymbol{\mu}_m\|^2$: distance to each prototype

optimal chosen subset S_m = the one with minimum $\|\mathbf{x}_n - \mu_m\|^2$

for given μ_1, \dots, μ_M , each \mathbf{x}_n 'optimally partitioned' using its closest μ_m

然后,如果 S_1,S_2,\cdots,S_M 是固定的,目标就是只要找出每个类的中心点 μ 。显然,根据上式中的error function,所有的 x_n 分群是已知的,那么该最小化问题就是一个典型的数值最优化问题。对于每个类群 S_m ,利用梯度下降算法,即可得到 μ_m 的解。

if S_1, \dots, S_M fixed, just unconstrained optimization for each μ_m

$$\nabla_{\boldsymbol{\mu}_{m}} \boldsymbol{E}_{\text{in}} = -2 \sum_{n=1}^{N} [\![\boldsymbol{x}_{n} \in \boldsymbol{S}_{m}]\!] (\boldsymbol{x}_{n} - \boldsymbol{\mu}_{m}) = -2 \left(\left(\sum_{\boldsymbol{x}_{n} \in \boldsymbol{S}_{m}} \boldsymbol{x}_{n} \right) - |\boldsymbol{S}_{m}| \boldsymbol{\mu}_{m} \right)$$

optimal prototype $\mu_m = \text{average of } \mathbf{x}_n \text{ within } S_m$

for given S_1, \cdots, S_M , each μ_n 'optimally computed' as consensus within S_m

如上图所示,中心点 μ_m 就等于所有属于类群 S_m 的平均位置处。

经过以上的推导,我们得到了一个非常有名的一种unsupervised learning算法,叫做k-Means Algorithm。这里的k就是代表上面的M,表示类群的个数。

k-Means Algorithm的流程是这样的:首先,随机选择k个中心点 μ_1,μ_2,\cdots,μ_k ;然后,再由确定的中心点得到不同的类群 S_1,S_2,\cdots,S_k ;接着,再由确定的类群计算出新的不同的k个中心点;继续循环迭代计算,交互地对 μ 和S值进行最优化计算,不断更新 μ 和S值,直到程序收敛,实现 E_{in} 最小化。具体算法流程图如下所示:

k-Means Algorithm

- 1 initialize $\mu_1, \mu_2, \dots, \mu_k$: say, as k randomly chosen \mathbf{x}_n
- 2 alternating optimization of E_{in}: repeatedly
 - 1 optimize $S_1, S_2, ..., S_k$: each \mathbf{x}_n 'optimally partitioned' using its closest μ_i
 - 2 optimize $\mu_1, \mu_2, \dots, \mu_k$: each μ_n 'optimally computed' as consensus within S_m

until converge

有一个问题是,k-Means Algorithm的循环迭代一定会停止吗?或者说一定能得到最优解吗?答案是肯定的。因为每次迭代更新, μ 和S值都会比上一次的值更接近最优解,也就是说 E_{in} 是不断减小的。而 E_{in} 的下界是0,所以, E_{in} 最终会等于0, μ 和S最终能得到最优解。

k-Means Algorithm已经介绍完毕。接下来,我们把k-Means Algorithm应用到RBF Network中去。首先,使用k-Means,得到原始样本的k个中心点。原始样本到k个中心点组成了RBF特征转换 $\Phi(x)$ 。然后,根据上面介绍过的线性模型,由最优化公式解计算得到权重 β 值。最后,将所有的 $\Phi(x)$ 用 β 线性组合,即得到矩 $g_{RBFNET}(x)$ 的表达式。具体的算法流程如下所示:

RBF Network Using *k*-Means

- 1 run k-Means with k = M to get $\{\mu_m\}$
- 2 construct transform $\Phi(\mathbf{x})$ from RBF (say, Gaussian) at μ_m

$$\Phi(\mathbf{x}) = [RBF(\mathbf{x}, \mu_1), RBF(\mathbf{x}, \mu_2), \dots, RBF(\mathbf{x}, \mu_M)]$$

- 3 run linear model on $\{(\Phi(\mathbf{x}_n), y_n)\}$ to get β
- 4 return $g_{RBFNET}(\mathbf{x}) = LinearHypothesis(\beta, \Phi(\mathbf{x}))$

值得一提的是,这里我们使用了unsupervised learning(k-Means)与我们上节课介 绍的autoencoder类似,同样都是特征转换(feature transform)的方法。

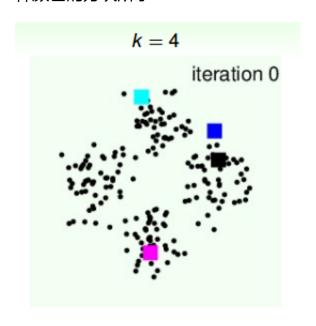
在最优化求解过程中,参数有k-Means类群个数M、Gaussian函数参数 λ 等。我们可以采用validation的方法来选取最佳的参数值。

- using unsupervised learning (k-Means) to assist feature transform—like autoencoder
- parameters: M (prototypes), RBF (such as γ of Gaussian)

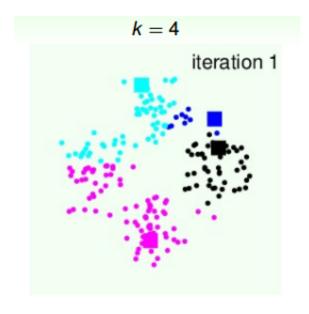
RBF Network: a simple (old-fashioned) model

k-means and RBF Network in Action

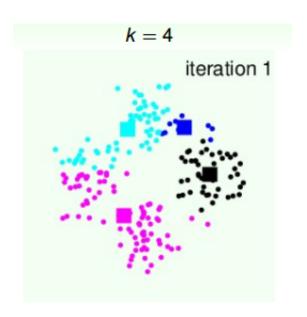
下面这部分,我们将举几个例子,看一下k-Means Algorithm是如何处理分类问题的。第一个例子,平面上有4个类群,k=4。首先,我们随机选择4个中心点,如下图中四种颜色的方块所示:



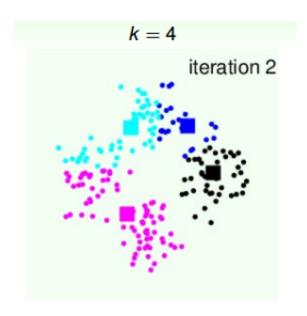
第一次迭代,由初始中心点,得到4个类群点的分布:



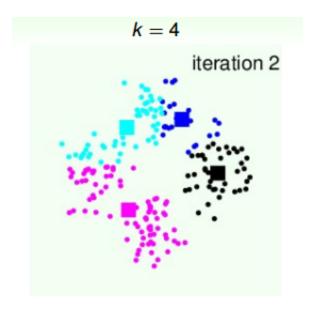
4个类群点确定后,再更新4个中心点的位置:



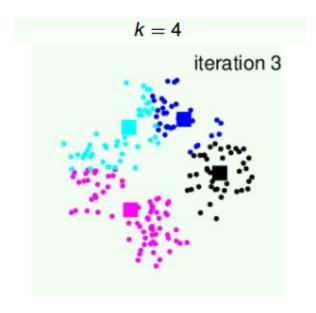
第二次迭代,由上面得到的4个中心点,再计算4个类群点的分布:



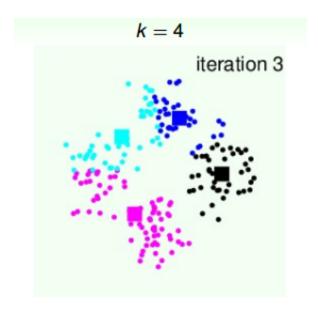
4个类群点确定后,再更新4个中心点的位置:



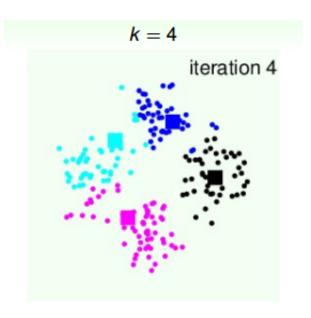
第三次迭代,由上面得到的4个中心点,再计算4个类群点的分布:



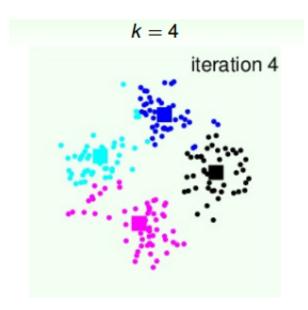
4个类群点确定后,再更新4个中心点的位置:



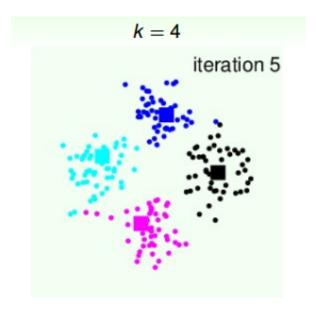
第四次迭代,由上面得到的4个中心点,再计算4个类群点的分布:



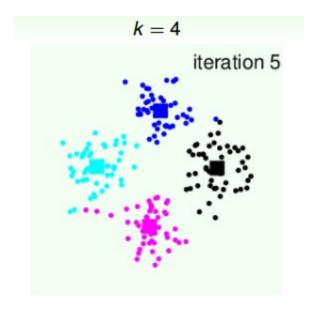
4个类群点确定后,再更新4个中心点的位置:



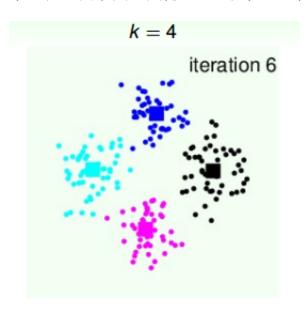
第五次迭代,由上面得到的4个中心点,再计算4个类群点的分布:



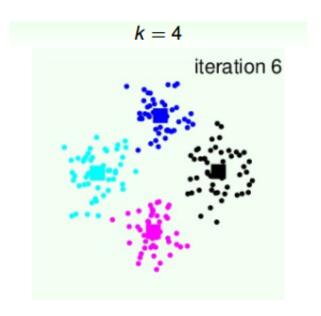
4个类群点确定后,再更新4个中心点的位置:



第六次迭代,由上面得到的4个中心点,再计算4个类群点的分布:



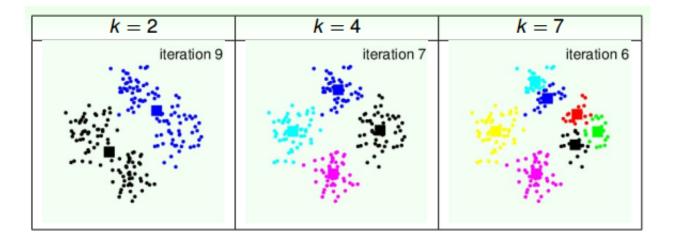
4个类群点确定后,再更新4个中心点的位置:



从上图我们可以看到,经过六次迭代计算后,聚类的效果已经相当不错了。从另外一个角度来说,k值的选择很重要,下面我们来看看不同的k值对应什么样的分类效果。

k = 2	k = 4	k = 7
iteration 0	iteration 0	iteration 0

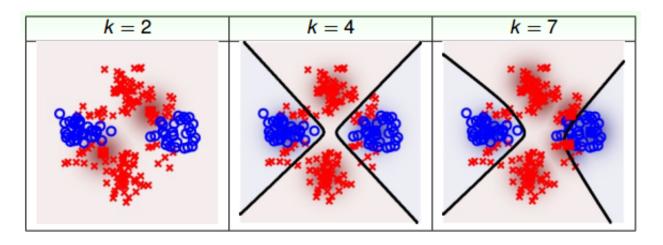
如上图所示,初始时,我们分别设定k为2,4,7,随机选择中心点位置。在经过多次 迭代后,得到的聚类结果如下:



通过上面这个例子可以得出,不同的k值会得到不同的聚类效果。还有一点值得注意的是,初始中心点位置也可能会影响最终的聚类。例如上图中k=7的例子,初始值选取

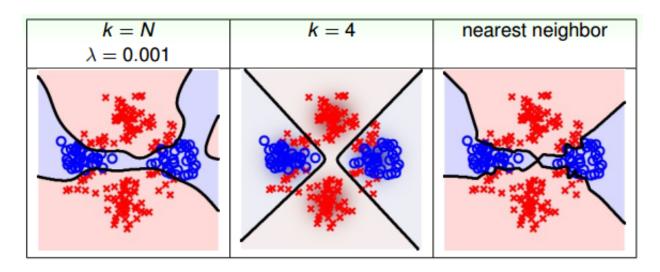
的右边三个中心点比较靠近,最后得到的右边三个聚类中心点位置也跟初始位置比较相近。所以,k值大小和初始中心点位置都会影响聚类效果。

接下来,我们把k-Means应用到RBF Network中,同样分别设定k为2,4,7,不同模型得到的分类效果如下:



很明显,k=2时,分类效果不是太好;k=4时,分类效果好一些;而k=7时,分类效果更好,能够更细致地将样本准确分类。这说明了k-Means中k值设置得是否合理,对RBF Network的分类效果起到重要的作用。

再来看一个例子,如果使用full RBF Network进行分类,即k=N,如下图左边所示,设置正则化因子 $\lambda=0.001$ 。下图右边表示只考虑full RBF Network中的nearest neighbor。下图中间表示的是k=4的RBF Network的分类效果。



从上图的比较中,我们可以发现full RBF Network得到的分类线比较弯曲复杂。由于full RBF Network的计算量比较大,所以一般情况下,实际应用得不太多。

总结

本节课主要介绍了Radial Basis Function Network。RBF Network Hypothesis就是计算样本之间distance similarity的Gaussian函数,这类原型替代了神经网络中的神经

元。RBF Network的训练学习过程,其实就是对所有的原型Hypotheses进行linear aggregation。然后,我们介绍了一个确定k个中心点的unsupervised learning算法,叫做k-Means Algorithm。这是一种典型的聚类算法,实现对原始样本数据的聚类分群。接着,将k-Means Algorithm应用到RBF Network中,选择合适数量的中心点,得到更好的分类模型。最后,我们列举了几个在实际中使用k-Means和RBF Network的例子,结果显示不同的类群k值对分类的效果影响很大。

注明:

文章中所有的图片均来自台湾大学林轩田《机器学习技法》课程