Zusammenfassung - Mustererkennung und Kontextanalyse

Andreas Ruscheinski, Marc Meier

16. Dezember 2015

Korrektheit und Vollständigkeit der Informationen sind nicht gewährleistet. Macht euch eigene Notizen oder ergänzt/korrigiert meine Ausführungen!

Inhaltsverzeichnis

1	Übe	erblick Klassifikation				
	1.1	1	2			
	1.2	Entscheidungsgrenzen	2			
	1.3		2			
	1.4	Entwurf von Mustererkennungssystemem	2			
2	Gri	ındlagen Signalverarbeitung	3			
	2.1		3			
			3			
			3			
	2.2		3			
		v	3			
			4			
		9	4			
	2.3		4			
	2.0		4			
		<u> </u>	4			
			4			
	2.4		5			
	2.1	1020				
3	Mei		5			
	3.1	Statistische Merkmale	5			
		3.1.1 Erwartungswert	5			
		3.1.2 Momente	5			
		3.1.3 Emprische Werte	6			
		3.1.4 Lageparameter	6			
		3.1.5 Streuungsmaße	6			
		3.1.6 Standardisierung	6			
		3.1.7 Korrelation	6			
		3.1.8 Einsatz statistischer Merkmale	7			
	3.2	Merkmalstypen	7			
	3.3	Merkmale für Zeitreihen	7			
		3.3.1 Summarische Merkmale	7			
		3.3.2 Autokorrelation, Grundfrequenz	7			
		3.3.3 Phasendifferenz	7			
	3.4		8			
	ъ		0			
4	Вау 4.1		8			
	4.1		8			
	4.2	·	8			
			8			
		v				
		0	9			
		4.2.4 Klassifikation und Diskriminanten	9			

	4.2.5 Normalverteilung	9
4.3	Diskriminanten für die Normalverteilung	10
4.4	Empirischer Fall	11
4.5	Diskrete Merkmale	11

1 Überblick Klassifikation

1.1 Einführendes Beispiel

- Ziel: Bestimmung von Fischen auf der Basis von Kamerainformationen
- Verwendung der Kamera zum Merkmale (Features) bestimmen des aktuellen Fisches: Länge, Helligkeit und Breite
- Annahme: Die Modelle (Beschreibung) der Fische unterscheiden sich
- Klassifikation: Finde zu gegebenen Merkmalen das am besten passende Modell (Welche Beschreibung der Fische passt am besten zu dem aktuellen Fisch)

1.2 Entscheidungsgrenzen

Komplexe Entscheidungsgrenze \Rightarrow Mehr Parameter werden für die Bestimmung benötigt \Rightarrow Weniger Trainingsdaten stehen zur Bestimmung des einzelnen Parameters zur Verfügung \Rightarrow Parameter wird ungenauer bestimmt und ist anfälliger gegen Schwankungen der Trainingsdaten \Rightarrow . Mehr Features \Rightarrow höhere Dimensionalität des Merkmalsraums \Rightarrow größere inhärente Komplexität der gegebenen Form von Entscheidungsgrenzen \Rightarrow schlechtere Bestimmung der Parameter

1.3 Mustererkennungssysteme

- 1) Sensing: Erfassung der Umwelt mittels Sensoren, z.B: Kamera, Bewegungssensoren, Mikrophon, RFID-Lesegerät, Problem: Eigenschaften und Begrenzungen (Bandbreite, Auflösung, Empfindlichkeit, Verzerrung, Rauschen, Latenz, ...) des Sensors beeinflussen Problemschwierigkeit
- 2) Segmentation: Identifikation der einzelnen Musterinstanzen (Identifikation der für unser Problem relevanten Daten), z.B: Fisch auf dem Fließband
- 3) Merkmalsberechnung: Bestimmung von Features, gesucht sind dabei Features, welche eine Diskrimierungsfähigkeit haben (Zwischen zwei gleichen Klassen ähnlicher Wert, zwischen zwei verschiedenen Klassen großer Werteunterschied) und Invariant gegenüber Signaltransformationen (Rotation, Translation, Skalierung, perspektivische Verzerrung) sind; Problem: Wie kann ich aus einer großen Auswahl an Merkmalen die am besten geeigneten finden?
- 4) Klassifikation: Annahme: Modelle (Grundlegende Eigenschaften) der Klassen (verschiedene Fische) unterscheiden sich; Ziel: Zuweisung von Probleminstanzen aufgrund deren Merkmale zu der am besten entsprechenden Klasse
- **5)** Nachbereitung: Entscheidung auf Basis Klassifikation, Problem: Wie können wir Kontextinformationen nutzen? Können wir verschiedene Klassifikatoren zusammen nutzen?

1.4 Entwurf von Mustererkennungssystemem

- 1) Daten sammlen: Wie kann man wissen, wann eine Menge von Daten ausreichend groß und repräsentativ ist, um das Klassifikationssystem zu trainieren und zu testen?
- 2) Merkmale bestimmen: Gesucht: Einfach zu extrahierende Merkmale mit hoher Diskriminativität, Invariant gegenüber irrelevanten Transformationen, unempfindlich gegenüber Rauschen, Problem: Wie kann ich A-priori-Wissen nutzen?
- 3) Modell auswählen: Wie erkennt man, wann ein Modell sich in der Klassifikation signifikant von einem anderen Modell oder vom wahren Modell unterscheidet? Wie erkennt man, dass man eine Klasse von Modellen zugunsten eines anderen Ansatzes ablehnen sollte? Versuch-und-Irrtum oder gibt es systematische Methoden?
- 4) Klassifikator trainieren: Verwende gesammelte Daten, um Parameter des Klassifikators zu bestimmen
- 5) Klassifikator evaluieren: Wie bewertet man die Leistung? Wie verhindert man Overfitting/Underfitting? Für weitere Informationen sind folgende Referenzen zu konsultieren: [1, S. 3-16]

2 Grundlagen Signalverarbeitung

In diesem Abschnitt werden die Grundlagen der digitalen Signalverarbeitung beschrieben. In der digitalen Signalverarbeitung werden Methoden und Techniken behandelt welche aus anlogen Sensorwerten eine digitale Information erstellen.

2.1 Digitalisierung

Die gemessenen Werte der Sensoren werden durch unterschiedliche Ausgangsspannungen realisiert d.h. in Abhängigkeit von der gemessenen Größe ändert sich die gemessene Spannung am Ausgang des Sensors.

Diese analogen Signale werden im ersten Schritt zeitlich diskretisiert d.h. die kontinuierlichen Signale werden durch Abtastung angenähert. Unter Abtastung versteht man die Erhebung eines Wertes zu einem Zeitpunkt. Die Häufigkeit der Abtastung wird in Herz (Hz) angegeben d.h. Abtastung mit 10 Hz entspricht 10 maliges abtasten des analogen Signales innerhalb von einer Sekunde. Durch diesen Schritt erhalten wir eine Folge von gemessenen Spannungen.

Im nächsten Schritt werden die abgetasteten Werte diskretisiert (Diskretisierung der Amplituden) d.h. jeder Spannung wird ein digitaler Wert zugewiesen. Dies geschieht mittels einem A/D-Wandler, welcher entsprechend von Grenzwerten (1/2 Spannung, 1/4 Spannung, 1/8 Spannung) entsprechende Bits setzt und diese Information ausgibt.

2.1.1 Dithering

Ein Problem bei der Diskretisierung der Amplitude ergibt sich dadurch, dass bei einem sehr geringen Sensorwert das LSB nicht gesetzt wird. Dies hat zur Folge das Informationen verloren gehen. Um dies zu verhindern wird Zufallsrauschen auf den aktuellen Sensorwert addiert. Dadurch wird der Grenzwert manchmal überschritten. So nährt sich der Erwartungswert den Realwert an.

2.1.2 Abtastung

Ein Signal nur dann kann korrekt abgetastet werden, wenn es keine Frequenzanteile enthält, die oberhalb der halben Abtastrate liegen. (Abtasttheorem)

 $f_{max} \le \frac{1}{2} f_{sample}$

Aus dem Abtasttheorem folgt: Wenn wir ein Signal mit f_{max} korrekt abzutasten wollen, müssen wir dieses Signal mit einer Frequenz von $2 * f_{max}$ abtasten.

2.2 Lineare Systeme

Ein lineares System erfüllt folgende Eigenschaften:

Homogenität f(c*a) = c*f(a) d.h eine Veränderung des Input-Signales hat eine identische Änderung des Output-Signals zu folge

Additivität f(a+b) = f(a) + f(b) d.h wenn das Input-Signal aus zwei überlagerten Signalen besteht können wir diese getrennt Auswerten und anschließend die Ergebnisse addieren

Translationsinvarianz $f(n) = y(n) \rightarrow f(n+s) = y(n+s)$ d.h. ein zeitlicher Versatz des Input-Signals hat den selben zeitlichen Versatz im Output-Signal zur Folge

Kommutativität $f(a) = b, g(b) = c \rightarrow g(a) = b, f(b) = c$ d.h. wenn mehrere lineare Systeme in einer Reihe verknüpft sind, können diese vertauscht werden ohne das Ergebnis zu beeinflussen

Aus diesen Eigenschaften folgt: Ein lineares System ist vollständig durch seine Impulsantwort charakterisiert. Eine Impulsantwort erhalten wir durch Eingabe eines Signals, welches genau an einer Stelle einen Wert größer als 0 hat (Deltafunktion). Die daraus resultierende Antwort beinhaltet alle Eigenschaften des linearen Systemes d.h. unter Verwendung der o.g. Eigenschaften können wir nachfolgend auf Basis der Impulsantwort ermitteln, welches Ergebnis aus anderen Input-Signalen resultiert.

2.2.1 Überlagerung

Aus den Eigenschaften des linearen Systems folgt: $f(x) = f(x_1 + x_2 + x_3) = f(x_1) + f(x_2) + f(x_3)$ d.h. wir können das Eingangssignal zerlegen (Decomposition) und die zerlegten Signale wieder zusammenführen (Synthese), ohne dass das Ergebnis der Analyse beeinflusst wird.

Diese Überlegung können wir nutzen um das Eingangssignal in mehrere Deltafunktionen zu zerlegen. Anschließend werden diese analysiert und die Teilergebnisse zusammengefasst. Auf diese Weise wird das Ergebnis aus dem Eingangssignal zu ermitteln.

Des Weiteren ist auch eine Zerlegung das Signal in mehrere Cosinus- und Sinus-Signale interessant(siehe).

2.2.2 Faltung

Um die Faltung zu berechnen benötigen wir ein Eingangssignal und die Impulsantwort des Systemes.

Die Grundidee besteht darin, dass wir das Eingangssignal in einzelne Delta-Impulse zerlegen. Für jeden dieser Delta-Impulse wird die entsprechende verschobene und skalierte Kopie der Impulsantwort berechnet. Anschließend werden alle Impulsantworten addiert.

Hierfür ergibt sich somit folgende Formel: $y[i] = \sum_{j=1}^{M} h[j] * x[i-j]$ mit h ist Impulsantwort und x das Eingangssignal.

Durch eine geeignete Wahl der Impulsantwort können Filter, Ableitungen und Integrale realisiert werden. Im nächsten Abschnitt wird ein Verfahren beschrieben, welches die Faltung nutzt um eine Korrelation zu berechnen.

2.2.3 Korrelation

Das Ziel in der Korrelation ist die Erkennung eines bekannten Signales t innerhalb eines verrauchten Signales x.

Für die Berechnung der Korrelation nutzen wir die Faltung mit der gespiegelten Impulsantwort y[n] = x[n] * t[-n]. Als Ergebnis dieser Faltung erhalten wir ein Ausgangssignal y, welches signifikate Ausschläge im übereinstimmenden Bereich hat.

2.3 Fourier-Transformation

2.3.1 Allgemein

Mittels einer Fourier-Transformation können wir unser Eingangssignal in eine Summe von Sinus- und Kosinus-Funktionen zerlegen.

Hierfür müssen folgende Bedingungen gelten (Dirichlet-Bedingungen):

- 1. Anzahl der Unstetigkeiten innerhalb einer Periode ist endlich
- 2. Anzahl der Maxima und Minima innerhalb einer Periode ist endlich
- 3. Funktion ist in jeder Periode integrierbar (d.h. die Fläche unter dem Betrag der Funktion ist in jeder Periode endlich)

Die Sinus- und Kosinus-Funktionen werden auch Basisfunktionen genannt und bilden einen Vektorraum.

2.3.2 Fourier-Transformation Grundideen

Nachfolgend werden die Grundideen der Fourier-Transformationen erläutert.

Die Ausgangsidee ist dass jedes Signal durch eine Summe von phasenverschobenen Kosinus-Funktionen beschreiben werden kann. Wir sprechen von einer Phasenverschiebung falls zwei Kosinus-Funktionen unterschiedliche Nullstellen haben (d.h. eine Verschiebung auf der x-Achse). Hierfür ergibt sich folgende Formel: $s[i] = \sum_{k=0}^{N/2} M_k * cos(2 * \pi * k * i/N + \phi_k)$ wobei $i = 0, ..., N-1, M_k$.

Die zweite Idee ist dass jede phasenverschobene Kosinus-Funktion $M*cos(x+\phi)$ kann durch eine Summe von Kosinus- und Sinus-Funktion ohne Phasenverschiebung repräsentiert werden: $M*cos(x+\phi) = A*cos(x) + B*sin(x)$ mit $A = M*cos(\phi)$ und $B = M*sin(\phi)$ wobei M ist die Amplitude und ϕ die Phasenverschiebung. Dies erhalten wir durch den Übergang von Kartesischen-Koordinaten in Polar-Koordinaten in der komplexen Zahlenebene. Dadurch bestehen die Polarkoordinaten aus einen Imaginär und einen Realteil.

Da wir uns im diskreten Bereich befinden gilt folgende Eigenschaft: Das Signal aus N Werten ist ein N-dimensionaler Vektor. Wie vorher beschrieben bilden die gesuchten Basisfunktionen einen Vektorraum. Für einen N-dimensionalen Vektorraum benötigen wir also eine Basis mit N orthogonalen Vektoren (d.h. das Skalarprodukt zweier Basis-Vektoren muss 0 sein).

Die diskreten Sinus und Kosinus-Funktionen $c_k[i] = sin(2*\pi*k*i/N)$ bzw. $c_k[i] = cos(2*\pi*k*i/N)$ sind alle zueinander orthogonal. Da die Summe von 0 bis N/2 läuft erhalten wir genau N/2+1 phasenverschobene Kosinus-Funktionen, welche jeweils in eine Sinus und eine Kosinus Funktion zerlegt wird. Somit erhalten wir 2*(N/2+1) = N+2 Basisfunktionen. Da $s_0 = sin(0)$ und $s_{N/2} = sin(2*pi*N/2*i/N) = sin(\pi*i)$ jeweils Nullvektoren sind, können diese Verworfen werden wodurch wir N Basisfunktionen erhalten.

Unter einer diskreten Fourier-Transformation verstehen wir die Transformation des Signalsvektors in ihre Sinusund Kosinus-Basis.

2.3.3 Diskrete Fourier-Transformation

Man unterscheidet bei der diskreten Fourier-Transformation zwischen der Zeit-Domäne und der Frequenz-Domäne. Der Übergang von der Zeit-Domäne in die Frequenz-Domäne wird Diskrete-Fourier-Transformation (DFT) genannt. Der rückwärtige Übergang wird Invers-Diskrete-Fourier-Transformation (IDFT) genannt.

Die Zeit-Domäne x besteht aus N-Samples, welche von 0 bis N-1 nummeriert sind. Die Frequenz-Domäne beinhaltet die durch die DFT erhaltenen Real- ReX[] und Imaginär-Teile ImX[], welche jeweils aus N/2+1Elementen besteht. Die Real-Teile beschreiben Amplituden der Kosinus-Wellen, wobei die Imaginär-Teile die Amplituden der Sinus-Wellen bechreiben.

Die Basisfunktionen d.h. die Funktionen die ein Signal x zerlegen:

$$c_k[i] = cos(2 * \pi * k * i/N)$$

$$s_k[i] = sub(2 * \pi * k * i/N)$$

wobei k die Wellenzahl ist. c_k bzw. s_k ist das Signal der Kosinus- bzw. Sinusfunktion die mit der Amplitude in der Fourierzerlegung auftritt. Alle Basisfunktionen müssen genau so lang wie das Signal sein. Der Parameter kgibt die Anzahl der Zyklen innerhalb der Signallänge an. $c_0 = Re[0]$ ist der Gleichstrom-Versatz (DC-Offset). $s_0 = Im[0]$ und $s_{N/2} = ImN/2$ sind überall 0, also irrelevant für die gesuchte Basis.

Bisher wissen wir welche Basisfunktionen in dem Signal enthalten seien können. Jedoch fehlt uns der Anteil der Basisfunktion in dem Ausgangssignal d.h. uns fehlt noch die konkrete Berechnung der Real- bzw. Imaginar-Teile (Amplituden der Sinus- bzw. Kosinus-Funktionen). Bevor wir uns damit befassen ist noch eine Vorüberlegung notwendig.

Da wir wissen wollen wie ähnlich unser Eingangssignal zu unser Basis ist berechnen wir nachfolgend die Korrelation. Die allgemeine Formel ergibt sich wie folgt:

$$\sum_{i=0}^{N-1} x[i] * y[i]$$

mit x als Eingangssignal und y unsere Basis.

Ausgehend von dieser Beobachtung und unseren vorher ermittelten Basisfunktionen ergeben sich nachfolgend die Formeln für die Amplituden:

$$ReX[k] = \sum_{i=0}^{N-1} x[i] * cos(2 * \pi * k * i/N)$$

bzw.

$$ImX[k] = \sum_{i=0}^{N-1} x[i] * sin(2*\pi*k*i/N)$$

für k = 0, ..., N/2.

2.4 **TODO**

Merkmale 3

3.1 Statistische Merkmale

Erwartungswert 3.1.1

Der Erwartungswert einer diskreten Zufallsvariable x mit den möglichen Werten x_i und zugehörigen Wahrscheinlichkeiten $P(x_i)$ ist: $E[x] = \sum_{i=1}^{n} (x_i * P(x_i)).$

Der Erwartungswert einer kontinuierlichen Zufallsvariable x mit Wertebreich X und zugehöriger Wahrscheinlichkeitsdichte p(x) ist: $E[x] = \int_X (x * p(x)) dx$.

Der Erwartungswert einer Zufallsvariable wird auch als Mittelwert μ bezeichnet.

Für gleichverteilte diskrete Zufallsvariablen x mit Werten x_1, x_2, \dots, x_n gilt: $P(x_i) = 1/n$ und somit: E[x] = 1/n

 $\sum_{i=1}^{n} (x_i * \frac{1}{n}) = \frac{1}{n} * \sum_{i=1}^{n} x_i.$ Für die Erwartungswerte von Funktionen einer Zufallsvariablen, f(x) gilt: $E[f(x)] = \sum_{i=1}^{n} (f(x_i) * P(x_i))$ bzw. $E[f(x)] = \int_X (f(x) * p(x) dx.$

3.1.2 Momente

Der r-te Moment einer Zufallsvariable x ist $E[x^r]$. Der erste Moment mit $r=1:E[x]\mu$ heißt auch Mittelwert. Der r-te zentrale Moment ist: $\mu_r = E[(x - E[x])^r] = E[(x - \mu)^r].$

Das zweite zentrale Moment $\mu_2 = E[(x - \mu)^2] = \sigma^2$ heißt auch Varianz; $\sqrt{\sigma^2}$ heißt Standardabweichung σ . Die Schiefe einer Verteilung ist ein Maß für ihre Asymmetrie: $skew(x) = \frac{\mu_3}{\sigma^3} = \frac{E[(x - \mu)^3]}{\sigma^3}$. Wenn skew(x) > 0linkssteil (rechtsschief) bzw. skew(x) < 0 rechtssteil (linksschief).

Die Wölbung einer Verteilung ist ein Maß für ihrere Spitzheit: $kurt(x) = \frac{\mu_4}{\sigma^4}$. Wenn kurt(x) < 3 flach bzw. kurt(x) > 3 spitz. Falls x normal verteilt gitl: kurt(x) = 3.

3.1.3 Emprische Werte

Die vorliegenden Messwerte x_1, \ldots, x_n stellen eine Stichprobe aus der Zufallsvariablen x zugrunde liegenden Verteilung dar. Überlichweise sind die wahren Parameter (μ, σ) dieser Verteilung nicht bekannt. Mann muss daher diese Parameter auf Basis der Stichprobe schätzen.

Der empirische Mittelwert: $\overline{x} = \frac{1}{n} * \sum_{i=1}^{n} x_i$ wobei $E[\overline{x}] = \mu$. Die empirische Varianz ist: $s^2 = \frac{1}{n-1} * \sum_{i=1}^{n} (x_i - \overline{x})^2$ wobei $E[s^2] = \sigma^2$.

3.1.4 Lageparameter

Lageparameter treffen allgemeine Aussagen über die Position der Verteilung und stellen in gewisser Weise die Lage ihres Schwerpunkts dar. Verschiedene Lagemaße sind dabei unterschiedlich robust, zeigen sich also mehr oder weniger empfindlich gegenüber Ausreißerwerten. Beispiele: Mittelwert, Median, Modus.

Der Median ist der kleinste Wert x_m , bei dem die kumultative Verteiltungsfunktion $F_p(x) = \int_{-\inf}^x p(z)dz$ einen Wert von ≥ 0.5 liefert d.h. er teilt die Verteilungsfunktion in zwei (flächenmäßig) gleich große Teile.

Für eine geordnete Stichprobe $x_1 \leq \cdots \leq x_n$ ist der Median der Wert $x_{(n+1)/2}$ (falls n ungerade) bzw. der Wert $1/2*(x_{n/2}+x_{n/2+1})$. Daraus folgt dass der Median als Lagemaß wesentlich unempfindlicher ist gegenüber Ausreißer als der Mittelwert.

Der Modus einer Verteilung ist der Wert mit der größten Wahrscheinlichkeit. Gibt es nur einen Modus nur einen Modalwert nennt man die Verteilung unimodal, sonst besitzt Verteilung mehre Modalwerte und nennt sie desshhalb bimodal.

Es gilt:

- links-steile, rechts-schiefe Verteilung: Modus < Median < Mittelwert
- rechts-steile, links-schiefe Verteilung: Modus > Median > Mittelwert

3.1.5 Streuungsmaße

Streuungsmaße beschreiben die Breite bzw. die Ausdehnung einer Verteilung und somit die Abweichung vom Schwerpunkt. Sie sind somit ein Maß für die Variabilität der Daten. Beispiel: Varianz, Quatile, Interquartilsabstand.

- Quartile: drei Quartile teilen die geordnete Datenmenge in vier gleich große Segmente, wobei das zweite Quartil gleichzeitig den Median darstellt
- Interquartilabstand bezeichnet den Abstand zwischen den 1. und den 3. Quartil und umfasst also die Hälfte der Daten und ist analog zum Median, robuster gegen Ausreißer als die Varianz-

3.1.6 Standardisierung

- \bullet Problem: Normalverteilung $N(\mu, \sigma^2)$ hat nicht zwangsläufig eine Fläche von 1 unter der Kurve
- Lösung: Transformation mit $z = \frac{x-\mu}{sigm}$ dadurch Normalverteilung N(0,1) als Ergebnis
- Mahalanobis-Abstand: $r = \frac{|x-\mu|}{\sigma}$ (Z-Score) (Musst die Distanz zwischen x und μ in Einheiten der Standardabweichung)
- wenn $z = \frac{x-\mu}{\sigma}$ dann gilt:

$$-\ skew(x) = \frac{E[(x-\mu)^3]}{\sigma^3} = E[(\frac{x-\mu}{\sigma})^3] = E[z^3]$$

$$- kurt(x) = \frac{E[(x-\mu)^4]}{\sigma^4} = E[(\frac{x-\mu}{\sigma})^4] = E[z^4]$$

-d.h. Schiefe und Wölbung von ${\bf x}$ sind das 3 bzw. 4 Moment der standardisierten Verteilung ${\bf x}$

6

• für multivarianten Fall mit Σ die Kozarianzmatrix gilt: $z = \Sigma^{-1/2} * (x - \mu)$ d.h. aus $N(\mu, \Sigma)$ wird N(0, I)

3.1.7 Korrelation

- x,y Zufallsvariablen und μ_x, μ_y die Erwartungswerte und σ_x, σ_y die Standardabweichung
- \bullet Korreleationkoeffizient p_{xy} ist ein Maß für die lineare Abhängigkeit

•
$$p_{xy} = \frac{E[(x-\mu_x)*(y-\mu-y)]}{\sigma_x*\sigma_y}$$

 \bullet wenn $|p_{xy}|=1$ denn lineare Abhängigkeit zwischen x und y

- wenn x und y unabhängig $\rightarrow p_{xy} = 0$ anders rum nicht
- emprische Korreleation r_{xy} zweier Stichproben $x=x_i,y=y_i$ misst die Abhängigkeit zweier Stichproben: $r_{xy}=\frac{x'*y'}{||x'||*||y'||}$ mit $x_i'=x_i-\overline{x},y_i'=y_i-\overline{y}$

3.1.8 Einsatz statistischer Merkmale

• problemunabhängig d.h. können immer eingesetzt werden da kein Vorwissen über die Problemstruktur

3.2 Merkmalstypen

Niveau	Operationen	Lageparameter	Beispiel
nominal	$\{=,\neq\}$	Modus	Geschlecht
ordinal	+{>,<}	+Median	Bundesligatabelle
intervall	+{-,+}	+Erwartungswert	Geburtsjahr
ratio	+{/,*}	+geom. Mittel	Wohnfläche

- Intervall und Ratio Saklen sind metrisch d.h. Abstandsbegriff ist sinnvoll
- Addition auf Intervallsaklen für Abstände sinnvoll
- Ratioskalen haben Nullpunkt
- Nominal- und Ordinalskalen sind immer diskret

3.3 Merkmale für Zeitreihen

3.3.1 Summarische Merkmale

- Gegeben ein Signal $x = x_1, \dots, x_n$
- Zero Crossing Rate (im Ortsbereich): $zcr(x) = \frac{1}{n-1} \sum_{i=2}^{n} \Im\{x_i * x_{i-1} < 0\}$ mit $\Im\{A\} = 1$ falls A wahr
- Energie (im Orts- und im Frequenzbereich): $en(x) = \sum_{i=1}^n x_i^2$
- Entropie (im Orts- und im Frequenzbereich); $ent(x) = -\sum_{i=1}^n x_i^* * log(x_i^*)$ wobei $x_i^* = \frac{x_i}{\sum_{j=1}^n x_j}$
- Schwerpunkt (spectral centroid) (Frequenzbereich): $sc(x) = (\sum_{k=1}^K f_k * |x_k|^2)/(\sum_{k=1}^k |x_k|^2)$
- Bandbreite (bandwidth)(Frequenzbereich) $bw(x) = (\sum_{k=1}^k (f_k sc)^2 * |x_k|^2)/(\sum_{k=1}^k |x_k|^2)$

3.3.2 Autokorrelation, Grundfrequenz

- Signal $x = x_1, \dots, x_n$
- Autokorrelation: $R_x(\tau) = (x \star x)(\tau) = \sum_i^n x_i * x_{i-\tau}$
- $\tau = \text{Verz\"{o}gerungsparameter (Lag)}$
- üblich Autokorrelation: $ACF_x(\tau) = \frac{R_x(\tau)}{R_x(0)}$
- \bullet Verwendung: Bestimmung der Grundfrequenz->das zweite Maximum der ACF liefert die $1/f_0$ Periodendauer
- ullet d.h. Tau als Parameter \to durch probieren bis zweite Maximum gefunden, Begründung: au=0 ist immer das erste Maxima
- Maximum des Fourierspektrums nicht geeignet da im niedriegen Frequenzbereich nur eine grobe Auflösung

3.3.3 Phasendifferenz

- zwei Sinus Signale: $x_i = sin(w*i), y_i = sin(w*i+\phi)$ d.h. gleiche Frequenz aber Phasenverschiebung
- $\phi = arccos(r_{xy})$

3.4 Merkmale für kinetische Systeme????

4 Bayessche Entscheidungstheorie

4.1 Einfürhung

- Natur hat einen Zustand ω aus einer Wertemenge $\Omega = \{\omega_1, \omega_2, \dots\}$
- Beispiel ω : Fisch ist Wolfsbarsch (ω_1) oder Lachs (ω_2)
- $\bullet~\omega$ ist meistens unbekannt d.h. eine Zufallsvariable
- Wenn es gleich viele Lachse und Wolfsbarsche gibt, ist es gleichwahrscheinlich die eine oder andere Art zu tippen
- a priori Wahrscheinlichkeit = Vorwissen
- P("Barsch") + P("Lachs) = 1
- wenn wir nur die a priori Wahrscheinlichkeitne kennen ist die Wahl mit der größten Wahrscheinlichkeit immer die beste
- Typischerweise haben wir mehr Informationen d.h. zusätzlichen Wissen für unsere Entscheidung
- Beispiel: die Helligkeit (Merkmal $x \in \mathbb{R}$) hängt von der Fischart ω ab d.h. wir haben klassenabhängige Wahrscheinlichkeiten
- $p(x|\omega)$ ist die klassenabhängige Wahrscheinlichkeit des Merkmals x
- uns interessiert $P(\omega_i|x)$ also die Wahrscheinlichkeit dass die Welt den Zustand ω_i hat nachdem wir x beobachtet haben
- Verwendung: Satz von Bayes: $P(\omega_i|x) = \frac{p(x|\omega_i)*P(\omega_i)}{p(x)}$ mit $p(x) = \sum_{i=1}^2 p(x|\omega_i)P(\omega_i)$ (für unseren Fall von zwei Fischen)
 - $-P(\omega_i|x)$: Die Wahrscheinlichkeit des wahren Zustands, nachdem wir den Beweis haben (Posteriori)
 - $-p(x|\omega_i)$: Die Passfähigkeit des Beweises x zum möglichen wahren Zustand ω (Likelihood)
 - $-P(\omega_i)$: Die Wahrscheinlichkeit des wahren Zustands bevor wir den Beweis gesehen haben
- Nun Entscheidung für ω mit der größten Posteriori $P(\omega_i|x)$

4.2 Bayes'sche Entscheidungstheorie

4.2.1 Definitionen

- \bullet Merkmalsvektor x als Element eines d-dimensionalen Euklidischen Merkmalsraums R^d d.h. $x \in R^d$
- $\Omega = \{\omega_i, \omega_2, \dots, \omega_c\}$ eine endliche Menge von möglichen Zuständen (Klassen, Kategorien)
- $A = \{\alpha_1, \dots, \alpha_a\}$ eine endliche Menge von möglichen Aktionen
- Eine Kostenfunktion $\Lambda(\alpha_i|\omega_j)$ die angiebt welche Kosten die Aktion α_i verursacht wenn der Zustand ω_j ist

4.2.2 Bayes'sche Entscheidungstheorie - formal

- $p(x|\omega_j)$ und $P(\omega_j)$ sind wie vorher die klassenbedingte Wahrscheinlichkeit von x gegeben ω_j bzw. die a-priori Wahrscheinlichkeit von ω_j
- Es gilt analog für die a-posteriori-Wahrscheinlicht: $p(\omega_j|x) = \frac{p(x|\omega_j)*P(\omega_j)}{p(x)}$ wobei $p(x) = \sum_{i=1}^c p(x|\omega_i)P(\omega_i)$
- gegeben ein Merkmalsvektor x. Nun soll eine Aktion α_i durchzuführen. Welche kosten entstehen dabei?
- Wenn Zustand ω_i ist sind die Kosten von α_i nach Def: $\Lambda(\alpha_i|\omega_i)$
- Zustand ω_j ist jedoch nicht gegeben, wir kennen nur $P(\omega_j|x)$. Können aber den Erwartungswert der Kosten d.h. das bedingte Risiko $R(\alpha_i|x)$ bestimmen: $R(\alpha_i|x) = E_{\omega|x}[\Lambda(\alpha_i|\omega)] = \sum_{j=1}^{c} \Lambda(\alpha_i|\omega_j)P(\omega_j|x)$
- Bayessche Entscheidungsregel besagt nun: wenn x gegeben, wähle Aktion α_i für die das bedingte Risiko $R(\alpha_i|x)$ minimal ist

- sei $\alpha(x)$ eine Entscheidungsregel welche für ein gegebenes x eine Aktion α_i auswählt
- dann ist das Gesamtrisiko unter dieser Entscheidungsregel: $R_{\alpha} = \int R(\alpha(x)|x)p(x)dx$
- R_{α} wird minimal wenn man für jeden Punkt x das Minimum wählt d.h. die Aktion α_i für die $R(\alpha_i|x)$ minimal ist
- \bullet das minimale unvermeidbare Risiko R^* heißt Bayes-Risiko

4.2.3 Anwendung

• ???

4.2.4 Klassifikation und Diskriminanten

- Klassifikatoren können durch Diskriminantenfunktionen repräsentiert erden
- Klassifikator für die Klassen $\omega_1, \ldots, \omega_c$ besteht aus einer Menge von Diskriminantenfunktionen $g_i(x), i \in \{1, \ldots, c\}$
- dieser Klassfikator weisst x einer Klasse ω_i gdw. $g_i(x) > g_j(x), \forall j \neq i$
- Bayes-Klassifikator für den allgemeinen Fall mit Risiko kann wie folgt definiert werden: $g_i(x) = -R(\alpha_i|x)$
- für die Klassifikation mit minimalen Fehler vereinfacht sich dies zu: $g_i(x) = P(\omega_i|x) \propto p(x|\omega_i)P(\omega_i)$
- für eine gegebene Menge von Diskriminanten $g_i(x)$ liefert eine Transformation mit einer monoton wachsenden Funktion f() eine äquivalente Menge von Diskriminanten $f(g_i(x))$
- dadurch alternative Formulierungen:

$$-g_i(x) = P(\omega_i|x) = \frac{p(x|\omega_i) * P(\omega_i)}{p(x)}$$
$$-g_i(x) = p(x|\omega_i) * P(\omega_i)$$
$$-g_i(x) = ln(p(x|\omega_i)) * ln(P(\omega_i))$$

- Ein Klassifikator (Entscheidungsregel) für c Klassen zerlegt den Merkmalsraum \mathbb{R}^d in maximal c Entscheidungsregionen $R_i, i \in \{1, \dots, c\}$
- Falls für einen Merkmalsvektor x gilt $g_i(x) > g_j(x), \forall j \neq i$ dann liegt x in der Entscheidungsregion R_i und x wird als ω_i klassifiziert
- verschiedene Entscheidungsregionen werden durch Entscheidungsgrenzen voneinander getrennt
- Entscheidungsgrenzne sind die Bereiche in denen die beiden größten Diskriminanten denselben Wert annehmen

4.2.5 Normalverteilung

- Formel (univariant): $p(x) = N(x; \mu, \sigma^2) = \frac{1}{\sqrt{2*\pi}\sigma} \exp\left[-\frac{1}{2}(\frac{x-\mu}{\sigma})^2\right]$
- Mittelwert (erster Moment): μ , Varianz (zweite zentrale Moment): σ^2
- Der zentrale Grenzwertsatz: Die Summe von
n unabhängigen Zufallsvariablen kovergiert gegen Normalverteilung mit $n \to \infty$. Da viele natürliche Vorgänge einer großen Zahl unabhängiger Störfaktoren unterliegen, ist die Normalverteilungsdannahme sinnvoll.
- hat hohe Entropie d.h. die Verteilung mit der größten Unsicherheit über die Werte einer Zufallsstichprobe
- Formel (multivariant): $N(x; \mu, \Sigma) = \frac{1}{(2*\pi)^{d/2} |\Sigma|^{1/2}} * \exp[-\frac{1}{2} * (x \mu)^t \Sigma^{-1} (x \mu)]$
 - $-x = (x_1, \dots, x_d)^t$ ein d-dimensionaler Spaltenvektor
 - $-\mu = (\mu_1, \dots, \mu_d)^t$ ein d-dimensialer Mittelwert-Vektor
 - $-\Sigma$ ist eine $d \times d$ Kovarianzmatrix, $|\Sigma|$ die Diskriminante, Σ^{-1} Inverse Matrix
 - $-\mu = E[x] = \int x * p(x) dx$ (können Komponentenweise bestimmt werden $\mu_i = E[x_i]$)
 - $-\Sigma = E[(x \mu)(x \mu)^{t}]) = \int (x \mu)(x \mu)^{t} p(x) dx \ (\sigma_{ij} = E[(x_i \mu_i)(x_j \mu_j)])$
- $\bullet\,$ für Kovarianzmatrix Σ gilt:

- $-\sigma_{ii}$ sind die Varianzen der entsprechenden x_i also σ_i^2
- $-\sigma_{ij}$ sind Kovarianzen von x_i und x_j , Wenn x_i und x_j unabhängig dann gilt $\sigma_{ij}=0$
- falls alle nicht-diagonalelemente Null sind, ist die multivariante Verteilung einfach das Produkt der d univarianten Verteilungen der Komponenten von x
- die Kovarianzmatrix ist symmetrisch und positiv (semi-) definit (M positiv definit: $x^t M x > 0 \forall x \neq 0$)
- Stichproben aus multivarianter Gaußverteilungen bilden typischerweise eine Häufung deren Mittelpunk von μ und deren Form von Σ definiert wird
- Orte gleicher Wahrscheinlichkeitsdichte liegen auf Hyperellipsoiden für die $(x-\mu)^t \Sigma^{-1}(x-\mu)$ konstant
- \bullet die Hauptachsen der Hyperellipsoide sind die Eigenvektoren von Σ , die Eigenwerte geben die Länge dieser
- $r^2 = (x \mu)^t \Sigma^{-1}(x \mu)$ ist die quadrierte Mahalanobis-Distanz; Konturen konstanter Dichte sind Hpyerellipsoide konstanter Mahalanobis-Distanz zu μ

Diskriminanten für die Normalverteilung 4.3

- vorher gezeigt dass Diskriminante $g_i(x) = ln(p(x|\omega_i)) * ln(P(\omega_i))$ Klassifikation mit minimaler Fehlerrate
- wenn $p(x|\omega_i) = N(\mu_i, \Sigma_i)$ einsetzen in $g_i(x) : g_i(x) = -\frac{1}{2}(x \mu_i)\Sigma_i^{-1}(x \mu_i) \frac{d}{2}ln(2\pi) \frac{1}{2}ln(|\Sigma_i|) + \frac{1}{2}ln(|\Sigma_i|)$ $ln(P(\omega_i)) \to \text{Entfernung von } -\frac{d}{2}ln(2\pi)$ da konstant und nicht von der Klasse abhängt
- Also erhalten wir: $g_i(x) : g_i(x) = -\frac{1}{2}(x \mu_i)^t \Sigma_i^{-1}(x \mu_i) \frac{1}{2}ln(|\Sigma_i|) + ln(P(\omega_i))$
- Entscheidungsgrenzen:
 - $-\Sigma_i = \sigma^2 I$ d.h. Alle Merkmale unabhängig, gleiche Varianzen, auf der Hauptdiagonalen stehen die gleichen Werte; Die Klassen bilden kugelförmige Häufungen gleicher Größe um ihre jeweiligen Mittelpunkte.
 - * es gilt: $\Sigma_i^{-1} = (1/\sigma^2)I$ und $|\Sigma_i| = \sigma^{2d}$
 - * einsetzen in Formel: $g_i(x) = -\frac{1}{2\sigma^2}(x-\mu_i)^t(x-\mu_i) \frac{1}{2}ln(\sigma^{2d}) + ln(P(\omega_i))$ * Konstanten entfernen: $g_i(x) = -\frac{1}{2\sigma^2}(x-\mu_i)^t(x-\mu_i) + ln(P(\omega_i))$

 - * Euklidische Distanz: $(x \mu_i)^t (x \mu_i) = ||x \mu_i||^2$
 - * Also: $g_i(x) = -\frac{||x \mu_i||^2}{2\sigma^2} + \ln(P(\omega_i))$

 - * Expandieren: $g_i(x) = -\frac{1}{2\sigma^2}(x^tx 2\mu_i^tx + \mu_i^t\mu) + \ln(P(\omega_i))$ * Also erhalten wir eine lineare Diskriminante: $g_i(x) = w_i^t * x + w_{i0}$ (lineare Maschine, w_{i0} ist Schwellwert)
 - * d.h. die Entscheidungsgrenzen zwischen den Regionen werden durch die lineare Gleichung: $g_i(x) =$ $g_i(x)$ definiert (Hyperebenen)
 - * die Hyperebene ist orthogonal zum Vektor w, der Verbindungsline zwischen den beiden Mittelwertvektoren
 - * Line wird in x_0 geschnitten falls die a-priori-Wahrscheinlichkeiten gleich sind, liegt x_0 zwischen μ_i und μ_i
 - $-\Sigma_i = \Sigma$ d.h. alle Klassen haben gleiche Kovarianzmatrix d.h. Die Klassen bilden hyperellipsoide Häufungen gleicher Größe, Form und Orientierungen um ihre jeweiligen Mittelpunkte.
 - * wieder einsetzen in g_i : $g_i(x) = -\frac{1}{2}(x \mu_i)^t \Sigma_i^{-1}(x \mu_i) \frac{1}{2}ln(|\Sigma_i|) + ln(P(\omega_i))$
 - * Konstanten entfernen: $g_i(x) = -\frac{1}{2}(x-\mu_i)^t \Sigma_i^{-1}(x-\mu_i) + \ln(P(\omega_i))$
 - * Ausmultiplizieren und Symmetrie von Σ liefert wieder lineare Maschine
 - * nicht mehr orthogonal zur Verbindungslinie der Mittelwerte, bei gleicher a-priori-Wahrscheinlicht x_0 immer noch auf halben Wege zwischen μ_i und μ_j
 - $-\Sigma_i = beliebig$
 - * einsetzen und ausmultiplizieren ergibt Quadratische-Diskriminante
 - * beliebige Normalverteilungen führen zu Entscheidungsgrenzen welche allgemeine Hyperquadriken
 - * Bereits kleine Anzahl von Klassen können die Entscheidungsgrenzen komplexe Formen annehmen lassen

4.4 Empirischer Fall

- im Anwendungsfall eher unrealisitisch das man alle Parameter kennt d.h. muss diese auf Basis von Traningsdaten schätzen
- wenn man Normalverteilung annehmen möchte:

$$- \hat{P}(\omega_i) = \frac{n_i}{n}
- \hat{\mu}_i = \frac{1}{n_i} \sum_{j=1}^{n_i} x_{ij}
- \hat{\Sigma} = \frac{1}{n-c} \sum_{i=1}^{c} \sum_{j=1}^{n_i} (x_{ij} - \hat{\mu}_i)(x_{ij} - \hat{\mu}_i)^t$$

- mit n_i Anzahl der Traningsdatensätze für die Klassei,
n Anzahl aller Traningsdatensätze und x_{ij} Traningsdatensatz Nummer j
 für Klasse i
- dies nennt man Lineare Diskriminazanalyse
- für Fall 3:

$$- \hat{P}(\omega_i) = \frac{n_i}{n}
- \hat{\mu}_i = \frac{1}{n_i} \sum_{j=1}^{n_i} x_{ij}
- \hat{\Sigma}_i = \frac{1}{n_i - 1} \sum_{j=1}^{n_i} (x_{ij} - \hat{\mu}_i) (x_{ij} - \hat{\mu}_i)^t$$

- dies nennt man Quadratische Diskriminazanalyse
- Bias/Variance Tradeoff = ???

4.5 Diskrete Merkmale

• Integrale durch Summen ersetzen, sonst alles wie bisher

Literatur

[1] Richard O Duda, Peter E Hart, and David G Stork. Pattern classification. John Wiley & Sons, 2012.