





# Introdução a Aprendizagem de máquina para Bioinformática

Aula 0

Msc. Amanda Araújo Serrão de Andrade

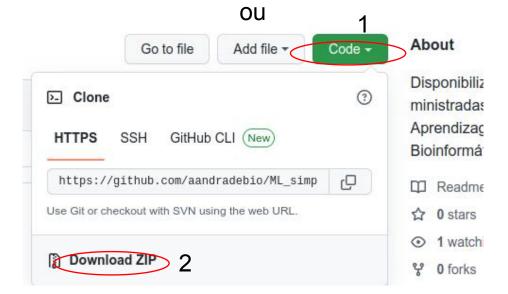
# Instalação do R e do RStudio

- Link para tutoriais:
  - 1) https://www.dataquest.io/blog/tutorial-getting-started-with-r-and-rstudio/
- 2) https://rstudio-education.github.io/hopr/starting.html

## Repositório do minicurso

- https://github.com/aandradebio/ML\_simposioPGGEN
- Foi criado um repositório que contem todas as aulas práticas e conteúdos adicionais relacionado a este minicurso.
- Sugiro o download antes do inicio das aulas:

\$ wget https://github.com/aandradebio/ML\_simposioPGGEN/archive/refs/heads/main.zip



# Instalação das dependências

- Dependências através do script install\_dependencies.R depositado no GitHub ou através do comando abaixo:
- install.packages(c("seqinrR","kmer", "Caret", "MLeval", "ggplot2", "ggtree", "dplyr", "ape", "tidyverse","e1071", "randomForest", "ranger", "tidyr", "adabag", "extraTrees","ISLR","caretEnsemble"))

# Conteúdo das próximas aulas

### Aula 1 (26/09)

- Obtenção dos conjuntos de dados
- Representações numéricas de sequências biológicas
- Filtragem e pré-processamento dos conjuntos de dados
- Desbalanceamento

### Aula 2 (27/09)

- Desbalanceamento
- Validação cruzada
- Classificação
- Clusterização e Regressão

### Aula 3 (28/09)

- Principais métricas de avaliação
- Resultados
- Comparação de performance

### Referências

- https://machinelearningmastery.com/machine-learning-in-r-step-by-step/
- https://topepo.github.io/caret/
- https://github.com/aandradebio/ML\_simposioPGGEN
- https://www.dataquest.io/blog/tutorial-getting-started-with-r-and-rstudio/



