



gi_51338669_sp	-----	-----	RS	LD	GRLQVSHRKG	LPHVIYCRLW	RWPD	LH	SHHE
gi_60414603_sp	-----	-----	RS	LD	GRLQVSHRKG	LPHVIYCRLW	RWPD	LH	SHHE
gi_117949830_sp	VDQWD	TTGLY	SF	SEQ	TRS	LD	GRLQVSHRKG	LPHVIYCRLW	RWPD
gi_13633871_sp	VDQWD	TTGLY	SF	SEQ	TRS	LD	GRLQVSHRKG	LPHVIYCRLW	RWPD
gi_13633914_sp	IDQWD	TTGLY	SF	SEQ	TRS	LD	GRLQVSHRKG	LPHVIYCRLW	RWPD
gi_75041393_sp	IDQWD	TTGLY	SF	SEQ	TRS	LD	GRLQVSHRKG	LPHVIYCRLW	RWPD
gi_110826300_sp	IDQWD	TTGLY	SF	SEQ	TRS	LD	GRLQVSHRKG	LPHVIYCRLW	RWPD
gi_21264050_sp	IEQWD	TSGLY	SY	PDQ	TRS	LD	GRLQVSHRKG	LPHVIYCRLW	RWPD
Consistency	0000000000	000000	****	*****	*****	*****	8*	*****	7****

	.....	160.	.....	170.	.....	180.	.....	190.	.....	200
gi_13633932_sp	LKPLEC	CEFP	FGSK	QKEVCI	NPYHYKRVES	PVLPPV	LVPR	HSEYNP	QHSL	
gi_118573879_sp	LKPLEC	CEFP	FGSK	QKEVCI	NPYHYKRVES	PVLPPV	LVPR	HSEYNP	QHSL	
gi_13633915_sp	LKPLEC	CEFP	FGSK	QKEVCI	NPYHYKRVES	PVLPPV	LVPR	HSEYNP	QHSL	
gi_341942042_sp	LKPLEC	CEFP	FGSK	QKEVCI	NPYHYKRVES	PVLPPV	LVPR	HSEYNP	QHSL	
gi_13959533_sp	LKPLDI	CEFP	FGSK	QKEVCI	NPYHYKRVES	PVLPPV	LVPR	HNEFNP	QHSL	
gi_13959566_sp	LKPLDI	CEFP	FGSK	QKEVCI	NPYHYKRVES	PVLPPV	LVPR	HNEFNP	QHSL	
gi_13959559_sp	LKPLDI	CEFP	FGSK	QKEVCI	NPYHYKRVES	PVLPPV	LVPR	HNEFNP	QHSL	
gi_82121811_sp	LKPLDI	CEFP	FGSK	QKEVCI	NPYHYKRVES	PVLPPV	LVPR	HSEFNP	QHSL	
gi_21264062_sp	LKPLEV	CEYP	FGSK	QKEVCI	NPYHYKRVES	PVLPPV	LVPR	HSEFNP	QHSL	
gi_13633872_sp	LKPLEC	CEFP	FGSK	QKEVCI	NPYHYKRVES	PVLPPV	LVPR	HSEYNP	QHSL	
gi_13959539_sp	LKPLEC	CEFP	FGSK	QKEVCI	NPYHYRRVET	PVLPPV	LVPR	HSEYNP	QLSL	
gi_21264049_sp	LKALEC	CEFP	FGSK	QKDVCI	NPYHYKRVDS	PVLPPV	LVPR	NSEFN	AKLSM	
gi_66774168_sp	LKPLEC	CEFP	FGSK	QKEVCI	NPYHYRRVET	PVLPPV	LVPR	HSEYNP	QLSL	
gi_13959527_sp	LKPLEC	CEFP	FGSK	QKEVCI	NPYHYRRVET	PVLPPV	LVPR	HSEYNP	QLSL	
gi_51338669_sp	LRAMEL	CEFA	FNMK	KDEV	CV	NPYHYQ	RVET	PVLPPV	LVPR	HTEIPA
gi_60414603_sp	LRAMEM	CEYA	FNMK	KDEV	CV	NPYHYQ	RVET	PVLPPV	LVPR	HTEIPA
gi_117949830_sp	LKAIE	NCEYA	FN	LKKDEV	CV	NPYHYQ	RVET	PVLPPV	LVPR	HTEIL
gi_13633871_sp	LKAIE	NCEYA	FN	LKKDEV	CV	NPYHYQ	RVET	PVLPPV	LVPR	HTEIL
gi_13633914_sp	LKAIE	NCEYA	FN	LKKDEV	CV	NPYHYQ	RVET	PVLPPV	LVPR	HTEIL
gi_75041393_sp	LKAIE	NCEYA	FN	LKEDEV	CV	NPYHYQ	RVET	PVLPPV	LVPR	HTEIL
gi_110826300_sp	LKAIE	NCEYA	FN	LKKDEV	CV	NPYHYQ	RVET	PVLPPV	LVPR	HTEIL
gi_21264050_sp	LRAIET	CEYA	FN	LKKDEV	CV	NPYHYQ	RVET	PVLPPV	LVPR	HTEIL
Consistency	*96884	**86	*66	*769	**9	*****7	**97	*****	97*	6568565

	.....	210.	.....	220.	.....	230.	.....	240.	.....	250
gi_13633932_sp	LAQFR	NLG-Q	NEPH	MPLN	NAT	FPDS	FQ	QPNS	HPFP	HSPN
gi_118573879_sp	LAQFR	NLG-Q	NEPH	MPLN	NAT	FPDS	FQ	QPNS	HPFP	HSPN
gi_13633915_sp	LAQFR	NLG-Q	NEPH	MPLN	NAT	FPDS	FQ	QPNS	HPFP	HSPN
gi_341942042_sp	LAQFR	NLG-Q	NEPH	MPLN	NAT	FPDS	FQ	QPNS	HPFP	HSPN
gi_13959533_sp	LVQFR	NLS-H	NEPH	MPLN	NAT	FPDS	FH	QPNS	TPFP	LSPN
gi_13959566_sp	LVQFR	NLS-H	NEPH	MPLN	NAT	FPDS	FH	QPNS	TPFP	LSPN
gi_13959559_sp	LVQFR	NLS-H	NEPH	MPLN	NAT	FPDS	FH	QPNS	APFP	LSPN
gi_82121811_sp	LVQFR	NLS-H	NEPH	MPLN	NAT	FPDS	FQ	QPNS	TPFS	ISPN
gi_21264062_sp	LVQFR	NLS-H	NEPH	MPLN	NAT	FPDS	FQ	QHSG	GSSF	PISP
gi_13633872_sp	LAQFR	NLG-Q	NEPH	MPLN	NAT	FPDS	FQ	QPHS	HPFA	QYPN
gi_13959539_sp	LAKFR	SASLH	SEPL	MPLN	NAT	YPDS	FQ	QPPC	SALP	PPSP
gi_21264049_sp	LPRFR	NPLHQ	TEPP	MPLN	NAT	FPDS	FQ	QPPA	NALP	FTPN
gi_66774168_sp	LAKFR	SASLH	SEPL	MPLN	NAT	YPDS	FQ	QSLC	PAP	
gi_13959527_sp	LAKFR	SASLH	SEPL	MPLN	NAT	YPDS	FQ	QSLG	PAP	
gi_51338669_sp	LDDY	-----	-SHS	IPENTN	FPAGI	-EPQS	NI	-PETP	---	-----
gi_60414603_sp	LDDY	-----	-SHS	IPENTN	FPAGI	-EPQS	NYI	PETP	---	-----
gi_117949830_sp	LDDY	-----	-THS	IPENTN	FPAGI	-EPQS	NYI	PETP	---	-----
gi_13633871_sp	LDDY	-----	-THS	IPENTN	FPAGI	-EPQS	NYI	PETP	---	-----
gi_13633914_sp	LDDY	-----	-THS	IPENTN	FPAGI	-EPQS	NYI	PETP	---	-----
gi_75041393_sp	LDDY	-----	-THS	IPENTN	FPAGI	-EPQS	NYI	PETP	---	-----
gi_110826300_sp	LDDY	-----	-THS	IPENTN	FPAGI	-EPQS	NYI	PETP	---	-----
gi_21264050_sp	LDDY	-----	-TNS	IPENTN	FPTGI	-EPPN	NYI	PETP	---	-----
Consistency	*468	332202	36548	*4	*77	9*5772	8746	4446357	200	0000211212

	.....	260.	.....	270.	.....	280.	.....	290.	.....	300
gi_13633932_sp	PGSS	SSTYPH	SPAS	-SDPGS	PFQM	PADTPP	PAYL	PPEDQM	THDT	SQPM
gi_118573879_sp	PGSS	SSTYPH	SPTS	-SDPGS	PFQM	PADTPP	PAYL	PPEDPM	TQDG	SQPM
gi_13633915_sp	PGSS	SSTYPH	SPTS	-SDPGS	PFQM	PADTPP	PAYL	PPEDPM	TQDG	SQPM
gi_341942042_sp	PGSS	SSTYPH	SPTS	-SDPGS	PFQM	PADTPP	PAYL	PPEDPM	AQDG	SQPM
gi_13959533_sp	PA--	SSTYPN	SPAS	-SGPGS	PFQL	PADTPP	PAYM	PPDDQM	GQDN	SQPM
gi_13959566_sp	PA--	SSTYPN	SPAS	-SGPGS	PFQL	PADTPP	PAYM	PPDDQM	GQDN	SQPM
gi_13959559_sp	PA--	SSTYPN	SPAS	-SGPGS	PFQL	PADTPP	PAYM	PPDDQM	APDN	SQPM
gi_82121811_sp	PA--	SSTYPS	SPAS	-SGPSS	PFQL	PADTPP	PAYM	PPDDQM	GQDN	SQSM
gi_21264062_sp	SPAS	SGTYPN	SPAS	-SGPSS	PFQL	PADTPP	PAYM	PPDEQM	GQDG	SQSM
gi_13633872_sp	PGSS	SSTYPH	SPTS	-SDPGS	PFQM	PADTPP	PAYL	PPEDPM	AQDG	SQPM
gi_13959539_sp	PC--	TASYPH	SPGS	PSEPES	PYQH	SVDTPP	LPYH	ATEASE	TQSG	QPV
gi_21264049_sp	GTGS	TATFPH	SPSS	-SDPGS	PFQM	PADTPP	PAYM	PPPEPM	TQDC	QPV
gi_66774168_sp	-----	-----	-----	PSS	PGHV	FQSPC	PTS	YPHSPGS	PSES	DS
gi_13959527_sp	-----	-----	-----	PSS	PGHV	FQSPC	PTS	YPHSPGS	PSES	DS



gi_51338669_sp_	- - - - -	- - - - -	P P G	Y L S E D G E T S D	H Q M N H S M D A G	S P N - L S P N P
gi_60414603_sp_	- - - - -	- - - - -	P P G	Y L S E D G E T S D	H Q M N P S M D A G	S P N - L S P N P
gi_117949830_sp_	- - - - -	- - - - -	P P G	Y I S E D G E T S D	Q Q L N Q S M D T G	S P A E L S P T T
gi_13633871_sp_	- - - - -	- - - - -	P P G	Y I S E D G E T S D	Q Q L N Q S M D T G	S P A E L S P T T
gi_13633914_sp_	- - - - -	- - - - -	P P G	Y I S E D G E T S D	Q Q L N Q S M D T G	S P A E L S P T T
gi_75041393_sp_	- - - - -	- - - - -	P P G	Y I S E D G E T S D	Q Q L N Q S M D T G	S P A E L S P T T
gi_110826300_sp_	- - - - -	- - - - -	P P G	Y I S E D G E T S D	Q Q L N Q S M D T G	S P A E L S P T T
gi_21264050_sp_	- - - - -	- - - - -	P P G	Y I S E D G E A S D	Q Q M N Q S M D T G	S P A E L S P S T
Consistency	2 1 0 0 2 2 2 2 1	2 2 1 2 0 2 1	* 5 7	5 5 6 4 5 5 7 8 6 5	5 5 5 4 6 5 5 7 4 4	5 5 5 3 4 6 8 5 5 3

	310	320	330	340	350
gi_13633932_sp	N--M-MAPGI	HPDIHRGDVQ	AVAYEEPKHW	CSIVYYELNN	RVGEAFHASS
gi_118573879_sp	N--M-MAPSL	PSEINRGDVQ	AVAYEEPKHW	CSIVYYELNN	RVGEAFHASS
gi_13633915_sp	N--M-MAPPL	PSEINRGDVQ	AVAYEEPKHW	CSIVYYELNN	RVGEAFHASS
gi_341942042_sp	N--M-MAPPL	PAEISRGDVQ	AVAYEEPKHW	CSIVYYELNN	RVGEAFHASS
gi_13959533_sp	S--NNMIPQI	MPSISSRDVQ	PVAYEEPKHW	CSIVYYELNN	RVGEAFHASS
gi_13959566_sp	S--NNMIPQI	MPSISSRDVQ	PVAYEEPKHW	CSIVYYELNN	RVGEAFHASS
gi_13959559_sp	S--SNMIPQT	MPSISSRDVQ	PVAYEEPKHW	CSIVYYELNN	RVGEAFHASS
gi_82121811_sp	S--NTMIPQI	MPNISTRDVQ	PVAYEEPKHW	CSIVYYELNN	RVGEAFHASS
gi_21264062_sp	G--SSLAPQ-	--NMPRGDVQ	PVEYQEP SHW	CSIVYYELNN	RVGEAYHASS
gi_13633872_sp	NMTNMTAPT L	PAEINRGDVQ	AVAYEEPKHW	CSIVYYELNN	RVGERFHASS
gi_13959539_sp	----ADRHV	VLSIPNGDFR	PVCYEEPQHW	CSVAYYELNN	RVGETFQASS
gi_21264049_sp	N--LLAPNLP	LEISNRTDVH	PVAYQEPKHW	CSIVYYELNN	RVGEAFLASS
gi_66774168_sp	-----	----SDFR	PVCYEEPQHW	CSVAYYELNN	RVGETFQASS
gi_13959527_sp	-----	----SDFR	PVCYEEP LHW	CSVAYYELNN	RVGETFQASS
gi_51338669_sp	-----M	SPAHNNDLQ	PVTYCEPAFW	CSISYYELNQ	RVGETFHASQ
gi_60414603_sp	-----M	SPAHNNDLQ	PVTYCEPAFW	CSISYYELNQ	RVGETFHASQ
gi_117949830_sp	-----L	SPVNHSLDLQ	PVTYSEPAFW	CSIAYYELNQ	RVGETFHASQ
gi_13633871_sp	-----L	SPVNHSLDLQ	PVTYSEPAFW	CSIAYYELNQ	RVGETFHASQ
gi_13633914_sp	-----L	SPVNHSLDLQ	PVTYSEPAFW	CSIAYYELNQ	RVGETFHASQ
gi_75041393_sp	-----L	SPVNHSLDLQ	PVTYSEPAFW	CSIAYYELNQ	RVGETFHASQ
gi_110826300_sp	-----L	SPVNHSLDLQ	PVTYSEPAFW	CSIAYYELNQ	RVGETFHASQ
gi_21264050_sp	-----L	SPVNHGMDLQ	PVTYSEPAFW	CSIAYYELNQ	RVGETFHASQ
Consistency	1001011215	3433443*78	7*5*6**56*	**96*****7	****697**7

																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																					</
--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	----

	.....	410.....	420.....	430.....	440.....	450
gi_13633932_sp	EVYAECLSDS	SIFVQSRNCN	YHHGFGHPTTV	CKIPSGCSLK	IFNNQEFAQL	
gi_118573879_sp	EVYAECLSDS	SIFVQSRNCN	YHHGFGHPTTV	CKIPSGCSLK	IFNNQEFAQL	
gi_13633915_sp	EVYAECLSDS	SIFVQSRNCN	YHHGFGHPTTV	CKIPSGCSLK	IFNNQEFAQL	
gi_341942042_sp	EVYAECLSDS	SIFVQSRNCN	YHHGFGHPTTV	CKIPSGCSLK	IFNNQEFAQL	
gi_13959533_sp	EVYAECLSDS	SIFVQSRNCN	FHHGFGHPTTV	CKIPSSCSLK	IFNNQEFAQL	
gi_13959566_sp	EVYAECLSDS	SIFVQSRNCN	FHHGFGHPTTV	CKIPSSCSLK	IFNNQEFAQL	
gi_13959559_sp	EVYAECLSDS	SIFVQSRNCN	FHHGFGHPTTV	CKIPSSCSLK	IFNNQEFAQL	
gi_82121811_sp	EVYAECLSDS	SIFVQSRNCN	YHHGFGHPTTV	CKIPSGCSLK	IFNNQEFAQL	
gi_21264062_sp	EVYAECLSDT	SIFVQSRNCN	YHHGFGHPTTV	CKIPSGCSLK	IFNNQEFAQL	
gi_13633872_sp	EVYAECLSDS	SIFVQSRNCN	YHHGFGHPTTV	CKIPSGCSLK	IFNNQEFAQL	
gi_13959539_sp	EVYAE CVSDS	SIFVQSRNCN	YQHGFHPATV	CKIPSGCSLK	VFNNQLFAQL	
gi_21264049_sp	EVYAECLSDS	SIFVQSRNCN	YHHGFGHPTTV	CKIPSRC SLK	IFNNQEFAEL	
gi_66774168_sp	EVYAE CVSDS	SIFVQSRNCN	YQHGFHPATV	CKIPSGCSLK	VFNNQLFAQL	
gi_13959527_sp	EVYAE CVSDS	SIFVQSRNCN	YQHGFHPATV	CKIPSGCSLK	VFNNQLFAQL	

gi_51338669_sp	EVFAECLSDS	AIFVQSPNCN	QRYGWHPATV	CKIPPGCNLK	IFNNQEF AAL
gi_60414603_sp	EVFAECLSDS	AIFVQSPNCN	QRYGWHPATV	CKIPPGCNLK	IFNNQEF AAL
gi_117949830_sp	EVFAECLSDS	AIFVQSPNCN	QRYGWHPATV	CKIPPGCNLK	IFNNQEF AAL
gi_13633871_sp	EVFAECLSDS	AIFVQSPNCN	QRYGWHPATV	CKIPPGCNLK	IFNNQEF AAL
gi_13633914_sp	EVFAECLSDS	AIFVQSPNCN	QRYGWHPATV	CKIPPGCNLK	IFNNQEF AAL
gi_75041393_sp	EVFAECLSDS	AIFVQSPNCN	QRYGWHPATV	CKIPPGCNLK	IFNNQEF AAL
gi_110826300_sp	EVFAECLSDS	AIFVQSPNCN	QRYGWHPATV	CKIPPGCNLK	IFNNQGF AAL
gi_21264050_sp	EVFAECLSDS	AIFVQSPNCN	QRYGWHPATV	CKIPPGCNLK	IFNNQEF AAL
Consistency	**8***9**9	8*****6***	567*7**7**	*****68*7**	9*****7**6*

	.....	460.....	470.....	480.....	490.....	500
gi_13633932_sp	----	LAQSVN	HGFETVYEELT	KMCTLRMSFV	KGWGAEYHRQ	DVTSTPCWIE
gi_118573879_sp	----	LAQSVN	HGFETVYEELT	KMCTIRMSFV	KGWGAEYHRQ	DVTSTPCWIE
gi_13633915_sp	----	LAQSVN	HGFETVYEELT	KMCTIRMSFV	KGWGAEYHRQ	DVTSTPCWIE
gi_341942042_sp	----	LAQSVN	HGFETVYEELT	KMCTIRMSFV	KGWGAEYHRQ	DVTSTPCWIE
gi_13959533_sp	----	LAQSVN	HGFEAVYEELT	KMCTIRMSFV	KGWGAEYHRQ	DVTSTPCWIE
gi_13959566_sp	----	LAQSVN	HGFEAVYEELT	KMCTIRMSFV	KGWGAEYHRQ	DVTSTPCWIE
gi_13959559_sp	----	LAQSVN	HGFEAVYEELT	KMCTIRMSFV	KGWGAEYHRQ	DVTSTPCWIE
gi_82121811_sp	----	LAQSVN	HGFEAVYEELT	KMCTIRMSFV	KGWGAEYHRQ	DVTSTPCWIE
gi_21264062_sp	----	LAQSVN	HGFEAVYEELT	KMCTIRMSFV	KGWGAEYHRQ	DVTSTPCWIE
gi_13633872_sp	----	LAQSVN	HGFETEYEELT	KMCTIRMSFV	KGWGAEYHRQ	DVTSTPCWIE
gi_13959539_sp	----	LAQSVH	HGFEVVYEELT	KMCTIRMSFV	KGWGAEYHRQ	DVTSTPCWIE
gi_21264049_sp	----	LAQSVN	HGFEAVYEELT	KMCTIRMSFV	KGWGAKYHRQ	DVTSTPCWIE
gi_66774168_sp	----	LAQSVH	HGFEVVYEELT	KMCTIRMSFV	KGWGAEYHRQ	DVTSTPCWIE
gi_13959527_sp	LAQL	LAQSVH	HGFEVVYEELT	KMCTIRMSFV	KGWGAEYHRQ	DVTSTPCWIE
gi_51338669_sp	----	LAQSVN	QGFEAVYQLT	RMCTIRMSFV	KGWGAEYRRQ	TVTSTPCWIE
gi_60414603_sp	----	LAQSVN	QGFEAVYQLT	RMCTIRMSFV	KGWGAEYRRQ	TVTSTPCWIE
gi_117949830_sp	----	LAQSVN	QGFEAVYQLT	RMCTIRMSFV	KGWGAEYRRQ	TVTSTPCWIE
gi_13633871_sp	----	LAQSVN	QGFEAVYQLT	RMCTIRMSFV	KGWGAEYRRQ	TVTSTPCWIE
gi_13633914_sp	----	LAQSVN	QGFEAVYQLT	RMCTIRMSFV	KGWGAEYRRQ	TVTSTPCWIE
gi_75041393_sp	----	LAQSVN	QGFEAVYQLT	RMCTIRMSFV	KGWGAEYRRQ	TVTSTPCWIE
gi_110826300_sp	----	LAQSVN	QGFEAVYQLT	RMCTIRMSFV	KGWGAEYRRQ	TVTSTPCWIE
gi_21264050_sp	----	LAQSVN	QGFEAVYQLT	RMCTIRMSFV	KGWGAEYRRQ	TVTSTPCWIE
Consistency	0000	*****8	7***79*8**	8***9*****	*****9*7**	6*****

	.....	510.....	520.....	.....
gi_13633932_sp	IHLH	GPLQWL	DKVLTQMGSP	HNPISSVS
gi_118573879_sp	IHLH	GPLQWL	DKVLTQMGSP	HNPISSVS
gi_13633915_sp	IHLH	GPLQWL	DKVLTQMGSP	HNPISSVS
gi_341942042_sp	IHLH	GPLQWL	DKVLTQMGSP	HNPISSVS
gi_13959533_sp	IHLH	GPLQWL	DKVLTQMGSP	LNPISSVS
gi_13959566_sp	IHLH	GPLQWL	DKVLTQMGSP	LNPISSVS
gi_13959559_sp	IHLH	GPLQWL	DKVLTQMGSP	LNPISSVS
gi_82121811_sp	IHLH	GPLQWL	DKVLTQMGSP	LNPISSVS
gi_21264062_sp	VHLH	GPLQWL	DKVLTQMGSP	LNPISSVS
gi_13633872_sp	IHLH	GPLQWL	DKVLTQMGSP	HNPISSVS
gi_13959539_sp	IHLH	GPLQWL	DKVLTQMGSP	HNPISSVS
gi_21264049_sp	IHLH	GPLQWL	DKVLTQMGSP	HNPISSVS
gi_66774168_sp	IHLH	GPLQWL	DKVLTQMGSP	HNPISSVS
gi_13959527_sp	IHLH	GPLQWL	DKVLTQMGSP	HNPISSVS
gi_51338669_sp	LHLN	GPLQWL	DKVLTQMGSP	SIRCSSVS
gi_60414603_sp	LHLN	GPLQWL	DKVLTQMGSP	SIRCSSVS
gi_117949830_sp	LHLN	GPLQWL	DKVLTQMGSP	SVRCSSMS
gi_13633871_sp	LHLN	GPLQWL	DKVLTQMGSP	SVRCSSMS
gi_13633914_sp	LHLN	GPLQWL	DKVLTQMGSP	SVRCSSMS
gi_75041393_sp	LHLN	GPLQWL	DKVLTQMGSP	SVRCSSMS
gi_110826300_sp	LHLN	GPLQWL	DKVLTQMGSP	SVRCSSMS
gi_21264050_sp	LHLN	GPLQWL	DKVLTQMGSP	SVRCSSMS
Consistency	8**7	*****	*****	4566**8*