

ANDRÉS ARREDONDO CRUZ

Licenciado en Ciencias Agrogenómicas con experiencia en bioinformática y programación en R, Python y Bash. Se emplear técnicas de biología molecular y microbiología para la identificación de microorganismos bajo la norma ISO 9001:2015. Experiencia en bioestadística, análisis de datos, e implementación de bases de datos biológicas. Me interesa la divulgación científica, la agricultura y la enseñanza.



EDUCACIÓN

06/2024
|
06/2019

- **Licenciatura en Ciencias Agrogenómicas**
ENES León, UNAM 📍 Leon, México
 - Tesis titulada "Estudio del Metabolismo Especializado en Metagenomas de Océanos contaminados con Hidrocarburos"¹
 - Servicio y prácticas en el Laboratorio de Investigación Interdisciplinaria LII bajo la norma ISO 9001 2015
 - Protocolo de aislamiento e identificación de hongos fitopatógenos.
- **Estancia**
Laboratorio de Bioinformática Centro de Ciencias Matemáticas UNAM 📍 Morelia, México
 - Desarrollo de un paquete de R para identificar enzimas del metabolismo especializado en datos metagenómicos
 - Entrenamiento en Bioestadística para el análisis del microbioma.

EXPERIENCIA LABORAL

Presente
|
01/2024

- **Prácticas profesionales**
C3 📍 Virtual
 - Desarrollo de app para el Museo de Matemáticas²
 - Revisor de contenidos para media.
- **Analista de datos Metagenómicos**
Betterlab 📍 Irapuato, Guanajuato
 - Implementación de software a datos metagenómicos
 - Cursos de extracción de ADN y PCR
 - Construir protocolo de búsqueda de productos naturales

CONTACTO

- ✉ andres.arredondoc@comunidad.unam.mx
✉ andresabstract@gmail.com
👤 andrespan
🐦 a_arredondoc
📅 Cédula 14665861

HABILIDADES

Técnicas de laboratorio, Microbiología y Biología Molecular. Programación, diseño de páginas web con Quarto. Microsoft Office, Canvas, Illustrator, Git. Escucha activa, adaptabilidad, atención al detalle.

INTERESES

Minería genómica - Desarrollo en R. -Divulgación
Microbiomas -Metagenómica - Agricultura - Degradación de hidrocarburos -Pangenómica.

PROGRAMACIÓN

Experiencia: R, Bash, Python
Familiaridad: Perl, css

PREMIOS Y ARTÍCULOS

- 01/2025 ● **MIBiG 4.0: advancing biosynthetic gene cluster curation through global collaboration³**
Laboratorio de Bioinformática CCM 📍 Morelia, México
 - Curación de la base de datos de productos naturales MIBIG 4.0
- 08/2024 ● **“Introduction to genome mining”⁴**
Laboratorio de Bioinformática CCM 📍 The Carpentries
 - Redacción del capítulo de la lección “Genome Mining in Prokaryotes”
 - Revisión y mantenimiento de la lección
- 6/2024 ● **Primer lugar en concurso de Wikipedia**
ISCB conference 2024 📍 Virtual
 - Por la creación del artículo “Minería Genómica”⁵
- 07/2023 ● **Hackathon CAMDA 2023**
Poster 📍 Morelia, México
 - 1er lugar en el concurso de la conferencia de Predicción de la Resistencia Antimicrobiana y Forense del ISCB⁶
- 11/2022 ● **Segundo lugar en editathon de Wikipedia**
ISCB-LA SolBio BioNetMX 2022 📍 Queretaro, México
 - Por el artículo “Variante de secuencia del amplicón”⁷
- 11/2022 ● **“Clustering Protein Sequences”⁸**
Laboratorio de Bioinformática CCM 📍 The Carpentries
 - De la lección de The Carpentries “Pangenome Analysis in Prokaryotes”

PLÁTICAS Y CARTELES

- 11/2024 ● **“Comandos de navegación y como acceder a un servidor”**
Charla para curso de Bash del RSG México 📍 Virtual
 - Curso para principiantes en el uso de comandos de bash impartido por el student council del ISCB region México
- 09/2024 ● **“Estudio del Metabolismo Especializado en Metagenomas de Océanos contaminados con Hidrocarburos”**
Charla 📍 Virtual
 - Encuentro Académico Estudiantil ICML 2024
- 01/2024 ● **Taller de Minería Genómica**
Instructor invitado y ayudante 📍 Virtual
 - Impartido por el Nodo Nacional de Bioinformática

- 08/2023 ● “Documentacion de paquetes de R con roxygen2”
Charla • Taller de análisis de “Creando paquetes de R/Bioconductor para análisis transcriptómicos de célula única”⁹  CDSB 2023
- 06/2023 ● Conferencia Anual de Bioconductor
Poster • MetaEvoMining: una herramienta para la exploración de nuevas rutas biosintéticas aplicado a datos metagenómicos de un océano contaminado  Virtual
- 01/2023 ● “Lenguajes de programación: bash, R y Python”
Departamento de Educación Continua Coordinación General de Estudios de Posgrado UNAM • Curso intersemestral “Introducción a la bioinformática”  Virtual
- 2023 ● MetaEvoMining: a tool for the exploration of unknown enzymes in metagenomic data
Curso Intersemestral “Análisis de metagenomas” del ICMyl • Virtual • Ayudante y ponente Invitado
- 11/2022 ● Conferencia Internacional en Bioinformática de la ISCB
Poster • “Estudio del Metabolismo Especializado en Metagenomas de Océanos contaminados con Hidrocarburos”  Queretaro, México

CURSOS

- 8/2024 ● Segundo Taller Latinoamericano de Minería Genómica de Productos Naturales
CIMAT • Revisor de la lección y ayudante.  Guanajuato, México
- 11/2022 ● Taller de Pangenómica
Centro de Ciencias Matemáticas  Morelia, México
- 9/2022 ● Primer Taller Latinoamericano de Minería Genómica de Productos Naturales
CIMAT  Guanajuato, México
- 6/2022 ● Análisis avanzado de metagenomas “Creando tus flujos de análisis con R/Bioconductor”
Comunidad de desarrolladores de software en Bioinformática  Virtual

 LINKS

- 1: <https://hdl.handle.net/20.500.14330/TES01000857500>
- 2: <https://mumat.matcuer.unam.mx/#intro>
- 3: <https://scholar.google.com.mx/citations?hl=es&user=roRyAKQAAAJ>
- 4: <https://carpentries-incubator.github.io/genome-mining/01-introduction/index.html>
- 5: https://es.wikipedia.org/wiki/Miner%C3%ADa_gen%C3%B3mica
- 6: <https://www.gaceta.unam.mx/tag/trofeo-camda-2023/>
- 7: https://es.wikipedia.org/wiki/Variante_de_secuencia_de_amplic%C3%B3n
- 8: https://carpentries-incubator.github.io/pangenomics/06-get_homologues/index.html
- 9: <https://comunidadbioinfo.github.io/es/post/cdsb-2023-workshop/>

Made with the R package [pagedown](#).

The source code is available at
[andrespan/CV](#)
and is powered by [nstrayer/cv](#).

Last updated on 2025-01-20.