Algoritmos para Análise de Sequências Biológicas

Ficha 2

Objetivo

- Introduzir o tipo de dados string
- Introduzir as instruções condicionais e os ciclos

Conceitos

Strings

- Uma sequência de carateres
- É um objeto, e por isso possui vários métodos

Alguns Métodos sobre strings

```
upper passa para maiúsculas
lower passa para minúsculas
replace substitui uma substring por outra
count conta o nº de ocorrências de uma substring
find devolve o primeiro índice da substring
```

Operadores

- + Concatenação
- in verifica se uma string está contida noutra
- indices sobre strings

Índices

Índices

```
seq[ind] o caratere que está no índice correspondente
seq[ini:fim] os carateres entre seq[ini] e seq[fim - 1]
seq[ini:fim:incr] o mesmo que o anterior com increment incr
```

Exemplos

```
seq[0] O primeiro caratere
seq[-1] O último caratere
seq[:3] os primeiros 3 carateres
seq[-2:] os últimos 2 carateres
seq[:] uma cópia de seq
seq[::-1] a seq invertida
seq[::3] seq[0], seq[3], ...
```

Exemplos

```
>>> seq = "acccgTgat"
>>> len(seq)
9
>>> seq.upper()
'ACCCGTGAT'
>>> seq.count('t')
>>> seq.replace('a','C')
'CcccgTgCt'
>>> 'gat' in seq
True
>>> seq.find('gat')
6
>>> seq.find('x')
-1
>>> seq[::-1]
'tagTgccca'
```

5/7

Sugestões

- Não se esqueça de TESTAR CORRETAMENTE o código que escrever
- Cuidado que em Python, as maiúsculas são diferentes das minúsculas
- O seu código deve funcionar em todos os casos
- Não se esqueça de testar todos os casos, incluindo as condições de fronteira

Problemas

- Escreva uma função que receba uma string e que valide se esta é uma sequência de DNA
- Escreva uma função que recebe uma sequência e imprime, um por linha, o nº de A, C, G e T
- Modifique a função anterior para imprimir também o nº de erros
- Escreva uma função que recebe uma sequência e imprime, uma por linha, a frequência de A, C, G e T
- Sescreva um programa que leia uma cadeia de DNA e imprima a cadeia de RNA correspondente
- Escreva uma função que receba uma string e imprime o nº de vogais seguido do nº de consoantes
- Escreva um programa que leia uma cadeia de DNA e imprima o seu complemento inverso
- Escreva uma função que receba uma string e que devolva um dos 4 possíveis valores: DNA, RNA, AMINO ou ERRO