SERIE 2 : exercices pour l'unité

Didactique2 : l'information génétique

Pr .Taha ATANY chaine youtube : S.O.S SVT

EXERCICE 1

À la 60eme heure de la vie, l'embryon humain possède 16 cellules et mesure environ 250 µm de diamètre. Un œuf humain contient 46 chromosomes dans son noyau. Un organisme humain adulte est formé de plusieurs centaines de milliards de cellules.

Les données numériques ci-dessous se rapportent à différentes cellules humaines.

	Volume nucléaire	Quantité d'ADN / cellule
Lymphocytes	100 μm^3	6,5 $ imes 10^{-12}$ g
Cellules épidermiques	250 μm^3	6,5 $ imes 10^{-12}$ g
Neurone	3000 μm^3	6,5 $ imes 10^{-12}$ g

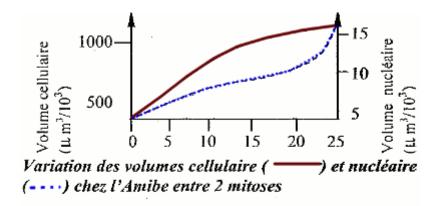
- 1. Combien y a- t-il eu de mitoses depuis la cellule œuf initiale jusqu'au stade 16 cellules? Quelle a été la durée d'un cycle cellulaire?
- 2- Combien y a-t-il de chromosomes dans une cellule nerveuse ?
 Combien y a-t-il de chromosomes dans une cellule de peau ?
 Combien y a-t-il de chromosomes dans une cellule de rein? Justifier.
- 3- Quelles observations peut-on faire quant aux valeurs données dans le tableau?

L'observation d'une culture d'Amibes, montre à tout moment des cellules en division tandis que d'autres sont en croissance. Toutes les Amibes de la culture se trouvant dans les mêmes conditions extérieures, on se demande quel est le (ou les) facteurs (s) interne (s) qui provoque (nt), à un moment donné, l'entrée en division d'une cellule.

1. Les amibes supportant très bien toute intervention de microchirurgie, on réalise l'expérience suivante : Quinze heures après la fin d'une division, on ampute |'amibe d'une partie de son cytoplasme, puis on la laisse croître à nouveau. Dès que le volume cellulaire atterrit la valeur qu'il avait avant l'amputation, on l'ampute à nouveau et ainsi de suite. On constate alors que l'amibe ne se divise pas.

Quelles interprétations peut-on donner de cette expérience ?

Une technique permet de mesurer les volumes cellulaire et nucléaire de tels organismes. On peut ainsi suivre leur croissance entre 2 divisions. Les résultats sont donnés par le graphique du document ci-dessous



- 2. Analysez méthodiquement ce graphique.
- Les hypothèses émises en 1° étaient-elles fondées?
- 4. Quelles autres hypothèses peut-on émettre en observant l'évolution de ces courbes, surtout pendant les quelques heures qui précèdent la mitose?

Voici la séquence (S) d'un des brins d'une chaîne double d'ADN.

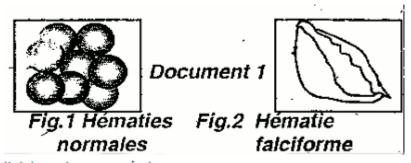


- 1-Etablissez la structure complète de la chaîne double d'ADN pour ce fragment.
- 2. Cette séquence (S) peut permettre la synthèse d'un ARN ; écrivez cette séquence.
- 3. Sur cet ADN, juste avant la réplication et pendant un temps très court, on fait agir une substance qui altère la Cytosine; cette Cytosine altérée ne peut alors s'associer qu'à Adénine.

Écrivez les deux molécules d'ADN issues de la réplication qui a suivi le traitement.

EXERCICE 4

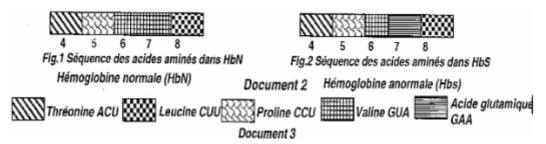
La drépanocytose est une maladie héréditaire liée à la présence d'une hémoglobine anormale appelée « hémoglobine S ». Outre la modification de forme de ses hématies dites « falciformes » (document 1 ci-dessous fiig 1 et 2)



Le sujet atteint montre une anémie grave.

ex

On connaît bien la structure des chaînes protéiques formant une partie de la molécule d'hémoglobine. Vous trouverez sur le document ci-dessous une représentation schématique d'une même portion très limitée d'une chaîne d'hémoglobine normale (HbN) et de la chaîne qui lui correspond dans l'hémoglobine anormale (HhS).



- Préciser, en étudiant l'ensemble des documents 2 et 3, quelle est la différence entre les deux hémoglobines.
- Reconstituer la séquence de l'ARNm en cause dans les deux cas, et déterminer ex de façon précise, quelle est la cause première de cette maladie héréditaire.

EXERCICE 4

La séquence 1 présente la succession de nucléotides le long d'un fragment de brin transcrit d'ADN.

Les séquences 2, 3 et 4 présentent trois mutations de cette séquence initiale.

Sens de transc	ription -	·			-			
	Codon n°		100					
Séquence 1 : C	TAG	CAT	TAT	TAC	GAT	ATT	AGC	C-
Séquence 2 :	TAG	CAT	TAT	AAC	GAT	ATT	AGC	С
Séquence 3 :	TAG	ATT	ATT	ACG	ATA	TTA	GCC	
Séquence 4 :	TAG	CAT	TAT	GTA	CGA	TAT	TAG	CC

- Établissez la séquence polypeptidique codée par la séquence 1 (voir tableau du Code génétique)
- 2. Que devient cette séquence à la suite de chacune des trois mutations envisagées

				Deuxième	nucléo	tide			
		U	4 4	C		A		G	
u	UUU	phényl- alanine	ucu	a delica	UAU	tyrosine	UGU	cystéine	U
u	UUA	leucine	UCA	sérine	UAA	STOP	UGA	STOP tryptophane	G
	CUU	Terrolle e	CCU CCC CCA CCG		CAU	histidine	CGU		U
С	CUA	leucine				CAA	glutamine	CGA	arginine
A	AUU	isoleucine	ACU	thréonine	AAU	asparagine	AGU AGC	sérine	U
^	AUA	méthionine	ACA	threonine	AAA	lysine	AGA AGG	arginine	A
	GUU	then	GCU	alanine	GAU	acide aspartique	GGU	32.44	U
G	GUA	valine	valine GCA GCG		GAA	acide glutamique	GGA	glycine	G

Chez différentes espèces, on a déterminé les quantités de base azotées présentes dans J'ADN. Les résultats de ces mesures (exprimés en unité arbitraire) sont consignés dans le tableau ci-dessous.

Origine de l'ADN	Adénine	Thymine	Guanine	Cytosine
Colibacille (Bactérie)	0,25	0,25	0,25	0,25
Veau (Thymus)	0,29	0,28	0,21	0,22
Levures (Champignon)	0,32	0,33	0,18	0,18
Bactériophage (Virus)	0,25	0,33	0,24	0,18

Ex

- 1-En faisant appel a vos connaissances, quelles conclusions pouvez-vous tirer des résultats présentés dans les trois premières lignes du tableau (colibacille, veau. levure)?
- 2.a En quoi les résultats concernant le bactériophage (virus parasite de bactéries) peuvent-ils paraître surprenant?
- 2.b Proposez une hypothèse pour rendre compte de ces résultats.

EXERCICE 6

Chez l'homme il existe une maladie héréditaire grave, et rare, appelée syndrome de Lesch-Nyhan, caractérisée entre autres symptômes par une sécrétion excessive d'acide urique.

On rappelle que, chez un individu sain, les nucléotides sont essentiellement dégradés (hydrolysés) en libérant des bases azotées. Une partie de ces bases est dégradée selon le schéma :

Nucleotide o Base azotees o Hypoxanthine o Acide urique

- Rappeler la structure d'un nucléotide.
- Les nucléotides sont les unités constituant les acides nucléiques.
- a-Quelles sont, plus particulièrement, les structures des nucléotides composant les deux sortes d'acides ?
- b-Retrouver, en les schématisant, les structures des deux grandes catégories d'acide nucléiques.
- 3- La plus grande partie de l'hypoxanthine est continuellement récupérée pour synthétiser de nouveaux nucléotides. Cette synthèse nécessite l'intervention d'un catalyseur biologique ou enzyme nommée E pour simplifier qui permet la réaction :

Hypoxanthine \xrightarrow{E} Bases azotees \rightarrow Nucleotides

Représenter sur un seul schéma les réactions décrites dans l'ensemble du texte précédent.

- 4- On pense que les malades atteints du syndrome de Lesch-Nyhan ne possèdent pas cette enzyme E. Montrer en quoi l'absence d'enzyme s'accompagne d'une accumulation d'acide urique.
- 5- On cultive, dans un milieu contenant de l'hypoxanthine, deux sortes de cellules, les unes proviennent d'un individu sain et les autres d'un individu malade.

On observe que dans un tel milieu, les cellules provenant d'un individu sain se multiplient alors que celles provenant d'un individu malade ne se multiplient pas. Sachant que la multiplication cellulaire nécessite la synthèse de nouvelles molécules d'ADN.

Trouver une explication aux observations précédentes.

L'hémochromatose héréditaire est une maladie due à une anomalie dans l'absorption intestinale du fer. La maladie se manifeste après 40 ans sous forme de complications hépatiques, cardiaques, cutanées, articulaires et endocriniennes. Cette maladie est liée à une protéine, appelée « Hépcidine », secrétée par le foie dans le sang. Cette protéine régule l'absorption du fer au niveau des intestins.

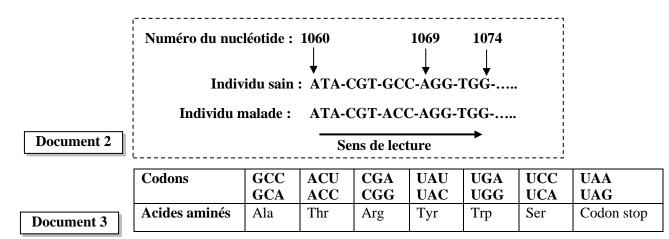
L'analyse du sang chez deux individus, l'un sain et l'autre atteint de cette maladie, a donné les résultats présentés dans le document 1.

	L'Hépcidine	Quantité de fer absorbée par jour au niveau des intestins (mg)	Quantité de fer emmagasinée dans les organes (g)
Individu sain	Normale	1 à 2	5
Individu malade	Anormale	5 à 8	10 à 30

Document 1

- 1- Comparez la quantité du fer absorbée et celle emmagasinée dans les organes entre l'individu sain et l'individu atteint et montrez l'existence d'une relation protéine caractère. (1 pt)
- La synthèse de l'Hépcidine est contrôlée par un gène localisé sur le chromosome 6. Ce gène existe sous deux formes allèliques: l'allèle responsable de la synthèse de l'Hépcidine normale et l'allèle responsable de la synthèse de l'Hépcidine anormale.

Le document 2 présente un fragment du brin d'ADN transcrit pour chacun des deux allèles responsables de la synthèse de l'Hépcidine chez un individu sain et chez un individu malade. Le document 3 présente un extrait du tableau du code génétique.



2- En vous basant sur les documents 2 et 3, **déterminez** la séquence de l'ARNm et celle de la chaîne peptidique qui correspondent aux deux allèles du gène étudié, puis **montrez** l'existence d'une relation

gène - protéine

.

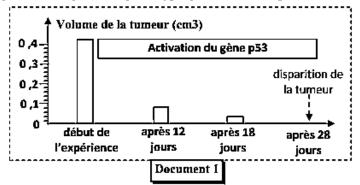
Afin de mettre en évidence la relation gènes- caractères héréditaires et de déterminer quelques mécanismes de l'expression de l'information génétique, on propose les donnés suivants :

• La division cellulaire est l'une des propriétés fondamentales des cellules vivantes. Pour assurer le développement et le bon fonctionnement de l'organisme, les divisions cellulaires doivent être contrôlées. Parmi les gènes qui interviennent dans le contrôle de la division cellulaire, on trouve le gène p53. Dans certains cas, ce contrôle peut être altéré ce qui est à l'origine d'un phénotype qui se manifeste par une

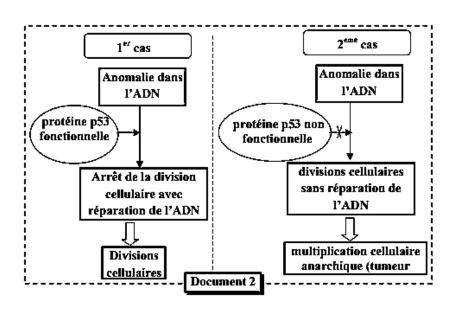
multiplication anarchique des cellules et la

formation de tumeurs.

• Afin de mettre la relation entre le gène p53 et la formation de tumeurs cancéreuses (phénotype) des chercheurs ont irradiés des souris dont le gène p53 est inactif, ce qui déclenche la formation de tumeurs puis ils ont réactivé le gène p53. Le document 1 présente les résultats sont indiqués dans le document1.



- 1. Décrivez les résultats représentés par le document 1, déduisez le rôle du gène p53. (1pt)
- Le gène p53 code pour une protéine du même nom (La protéine p53) qui intervient dans la régulation des divisions cellulaires suite à une anomalie de l'ADN. La figure 2 représente un schéma explicatif qui illustre la relation entre la protéine p53 et le phénotype cellulaire : division normale (premier cas) et la formation d'une turneur cancéreuse (deuxième cas).



2. En exploitant les données du document 2, dégagez la relation entre la protéine p53 et le phénotype cellulaire dans chacune des deux cas, puis montrez la relation protéine caractère. (1pt)

• Des études ont montré que l'altération du gène p53 est retrouvée dans plus de la moitié des cancers humains. Le document 3 présente la séquence nucléotidique d'un fragment du brin transcrit de l'allèle normal du gène p53 et celle de l'allèle anormal de ce gène. Le document 4 présente un extrait du tableau du code génétique.

Allèle p	53 norn	nale ,	GTG-	TAC-T	GC-C1	C-CA	4-CAC	-TCC-(GCG-A	CG
Allèle p5	3 anori	1 '	GTG- Sens de			rc-ca₄	A-CAC	-TCC-T	rcg-ac ►	
										Docui
Codons	GUU	GAG	AGU	AÇA	AUG	CGC	CAC	υgυ	ŲAA	<u> </u>
	GUG	ĢAA	AGC	AÇG		AGG	ÇAŲ	UGC	ŲAĢ	
Acides	Val	Ac,Glu	Ser	Thr	Met	Arg	His	Cyc	Non	1
aminés			1					*	sens	<u> </u>

- 3. En vous basant sur les figures 3 et 4, déterminez la séquence de l'ARNm et celle de la chaîne peptidique correspondants à l'allèle normale et l'allèle anormale du gêne p53. (1pt)
- 4. En vous basant sur les documents précédents, montrez la relation entre la mutation du gène p53 et la formation de la tumeur cancéreuse. (1pt)

RAPPELS:

La présentation des chromosomes d'une cellule, rangés par taille décroissante, constitue son caryotype. Un gène est un fragment d'ADN qui correspond à un caractère héréditaire et constitue l'unité d'information génétique. L'ensemble des gènes d'un individu forme le génome.

L'information génétique est contenue dans l'ADN, qui est une molécule constituée de nucléotides. La séquence de nucléotides est essentielle car elle code, sous forme de gènes, l'information génétique, et ce pour tous les êtres vivants.

CONSIGNES

- 1-Ne pas foncer tête baissée pour résoudre la série d'exercice par la même méthode : les exercices présentés ici peuvent être résolus par une méthode précise.
- 2-Lisez chaque exercice au moins trois fois, respectez l'ordre des taches qu'on vous demande d'exécuter
- 3- La formulation de vos réponses doit être claire et concise : évitez les contre sens
- 4-Il est utile de schématiser certaines réponses pour entre voir l'objectif de la question, cependant il faut vous assurer que vous avez une synthèse correcte de l'exercice en question
- 5-Mettez en exergue la nature chimique de tous les intervenant (précisez l'ADN- ARN -séquence