TFM

PREPARACION

FASE I: Clasificación entre: ALIVE, DEATH, NO-DATA y MD/GR

- En esta fase, se ha realizado una clasificacion de los datos dados ${\rm seg} \tilde{A}^{o} n$ 4 resultados finales:
- Fallecidos o con discapacidades severas (SD-D)
- Con discapacidad moderada o buena recuperacion (MR-GR)
- Vivos (pero sin resultados finales)
- Sin datos
- Para este procesado se han tenido en cuenta principalmente las siguientes variables:
- EO Outcome
- EO Symptoms
- TH_Outcome
- TH_Symptoms
- GOS5
- GOS8

Cuando las variables de GOS5 y GOS8 tienen datos

• Si las filas ya contenian datos en las columnas de GOS5 y GOS8, directamente se han clasificado -segun estas variables-. De lo contrario, se ha tenido que analizar las otras variables.

head(datos.modelo[,c(17,18,27,28,29,30)])

##		E0_Outcome	EO_Symptoms	TH_Outcome	TH_Symptoms	GOS5	GOS8
##	1	4	1	NA	NA	<na></na>	<na></na>
##	2	4	3	NA	NA	<na></na>	MD+
##	3	4	2	NA	NA	SD*	<na></na>
##	4	4	2	NA	NA	<na></na>	GR+
##	5	4	1	NA	NA	<na></na>	<na></na>
##	6	4	2	NA	NA	<na></na>	SD-

Cuando las variables de GOS5 y GOS8 no tienen datos

• Si las variables de Outcome contenian el valor de 1 (fallecimiento) o las variables de Symptoms contenian el valor de 6, directamente esas filas del dataset pasaban a clasificarse como fallecidos.

##		${\tt EO_Outcome}$	EO_Symptoms	${\tt TH_Outcome}$	TH_Symptoms	GOS5	GOS8	TH_Cause
##	22	1	6	NA	NA	<na></na>	<na></na>	NA
##	38	1	6	NA	NA	<na></na>	<na></na>	NA
##	50	1	6	NA	NA	<na></na>	<na></na>	NA
##	55	1	6	NA	NA	<na></na>	<na></na>	NA
##	61	1	6	NA	NA	<na></na>	<na></na>	NA
##	85	1	6	NA	NA	<na></na>	<na></na>	NA

• Si las variables de Outcome contenian el valor de 4 (alta) y las de Symptoms el valor de 1, entonces se han clasificado como "Vivos (pero sin resultados finales)".

##		E0_Outcome	EO_Symptoms	TH_Outcome	TH_Symptoms	GOS5	GOS8	TH_Cause
##	1	4	1	NA	NA	<na></na>	<na></na>	NA
##	5	4	1	NA	NA	<na></na>	<na></na>	NA
##	18	4	1	NA	NA	<na></na>	<na></na>	NA
##	20	4	1	NA	NA	<na></na>	<na></na>	NA
##	36	4	1	NA	NA	<na></na>	<na></na>	NA
##	51	4	1	NA	NA	<na></na>	<na></na>	NA

• Se clasificaran como "Sin datos" todas aquellas filas que no contengan valores ni en las columnas de Symptomps. Se tienen en cuenta los transferidos a otros hospitales.

##		EO_Outcome	EO_Symptoms	${\tt TH_Outcome}$	TH_Symptoms	GOS5	GOS8	TH_Cause
##	384	NA	NA	NA	NA	<na></na>	<na></na>	NA
##	417	NA	NA	NA	NA	<na></na>	<na></na>	NA
##	985	NA	NA	NA	NA	<na></na>	<na></na>	NA
##	997	NA	NA	NA	NA	<na></na>	<na></na>	NA
##	2270	NA	NA	NA	NA	<na></na>	<na></na>	NA
##	2292	NA	NA	NA	NA	<na></na>	<na></na>	NA

• Si los Symptoms son de 4 o de 5 (Discapacidad Severa), entonces se clasificaran como "Fallecidos o con discapacidades severas"

##		${\tt EO_Outcome}$	EO_Symptoms	${\tt TH_Outcome}$	TH_Symptoms	GOS5	GOS8	TH_Cause
##	160	5	5	NA	NA	<na></na>	<na></na>	NA
##	241	5	5	NA	NA	<na></na>	<na></na>	NA
##	317	5	5	NA	NA	<na></na>	<na></na>	NA
##	336	5	5	NA	NA	<na></na>	<na></na>	NA
##	357	5	5	NA	NA	<na></na>	<na></na>	NA
##	573	5	5	NA	NA	<na></na>	<na></na>	NA

• Asi mismo, si las variables de Outcome contenian el valor de 4 y las de Symptoms el valor de 9, significa que el paciente ha sido dado de alta, pero no se tiene ningun dato sobre el estado final, por lo tanto, se han incluido en la clasificación de "Vivos (pero sin resultados finales)".

##	EO_Outcome	EO_Symptoms	TH_Outcome	TH_Symptoms	GOS5	GOS8	\mathtt{TH} _Cause
## 409	4	9	NA	NA	<na></na>	<na></na>	NA
## 1000	4	9	NA	NA	<na></na>	<na></na>	NA
## 4859	4	9	NA	NA	<na></na>	<na></na>	NA

• Se han visto 3 elementos de NODATA, cuyos pacientes obtienen un estado de symptoma 4, por lo que se envia a estado de fallecido, son datos anomalos.

##		E0_Outcome	EO_Symptoms	TH_Outcome	TH_Symptoms	GOS5	GOS8	TH_Cause
##	52	2	4	NA	4	<na></na>	<na></na>	3
##	699	2	4	NA	4	<na></na>	<na></na>	NA
##	3025	2	4	NA	4	<na></na>	<na></na>	1

DATOS FINALES:

• Fallecidos o con discapacidades severas

[1] 3559

• Con discapacidad moderada o buena recuperacion

[1] 5997

- Vivos (pero sin resultados finales)
- ## [1] 127
 - Sin datos
- ## [1] 86
 - Con NA
- ## [1] 239

FASE II: Clasificación entre: ESCANEADOS y NO ESCANEADOS

• En primer lugar, se han encontrado ciertos datos anomalos, en los que aparecen datos escaneados (1) y no tienen los datos del escaner, entonces deberiamos ponerlo como no escaneado (2).

##		EO_Head.CT.scan	E0_1.or.m	more.PH EO]_Subarachnoid	l.bleed	
##	201	1		NA		NA	
##	314	1		NA		NA	
##	1277	1		NA		NA	
##	3234	1		NA		NA	
##	3687	1		NA		NA	
##	4256	1		NA		NA	
##		EO_Obliteration	.3rdVorBC	EO_Midlin	ne.shift5mm	EO_Non.	evac.haem
##	201		NA		NA		NA
##	314		NA		NA		NA
##	1277		NA		NA		NA
##	3234		NA		NA		NA
##	3687		NA		NA		NA
##	4256		NA		NA		NA
##		EO_Evac.haem					
	201	NA					
##	314	NA					
##	1277	NA					
##	3234	NA					
##	3687	NA					
##	4256	NA					

- A continuaci \tilde{A}^3 n se van a clasificar los datos como:
- Escaneados

```
##
      EO_Head.CT.scan EO_1.or.more.PH TH_Head.CT.scan TH_1.or.more.PH outcome
## 2
                                                     <NA>
                                                                        NA
                                                                              MDGR
## 7
                     1
                                      2
                                                     <NA>
                                                                        NA
                                                                              MDGR
## 8
                     1
                                      1
                                                     <NA>
                                                                        NA
                                                                              MDGR
## 14
                                      2
                                                                         2
                     1
                                                        1
                                                                                  D
## 17
                                      1
                                                     <NA>
                                                                        NA
                                                                              MDGR
## 22
                                                     <NA>
                                                                        NA
                                                                                  D
```

• No escaneados

##		EO_Head.CT.scan	EO_1.or.more.PH	TH_Head.CT.scan	TH_1.or.more.PH	outcome
##	3	2	NA	<na></na>	NA	D
##	4	2	NA	<na></na>	NA	MDGR
##	6	2	NA	<na></na>	NA	D
##	9	2	NA	<na></na>	NA	MDGR
##	10	2	NA	<na></na>	NA	MDGR

11 2 NA <NA> NA MDGR

• En analisis

```
##
       EO_Head.CT.scan EO_1.or.more.PH TH_Head.CT.scan TH_1.or.more.PH
## 192
                    <NA>
                                        NA
                                                        <NA>
                                                                            NA
## 227
                    <NA>
                                                        <NA>
                                                                            NA
                                        NA
## 240
                                                        <NA>
                                                                            NA
                    <NA>
                                        NA
                                                                             2
## 267
                    <NA>
                                        NA
                                                           1
## 329
                    <NA>
                                        NA
                                                           1
                                                                             2
## 354
                    <NA>
                                        NA
                                                           1
                                                                             1
##
       outcome
## 192
              D
## 227
              D
## 240
              D
## 267
              D
## 329
              D
## 354
```

• Si el Outcome es 2 (el paciente se ha transferido a otro hospital), se ha escaneado en dicho hospital (TH_SCAN) y no se tiene ninguna información en los escÃ;neres, se clasificaran como "En anÃ;lisis".

##		E0_Outcome	TH_Head.CT.scan	TH_1.or.more.PH	TH_Subarachnoid.bleed
##	52	2	<na></na>	NA	NA
##	128	2	<na></na>	NA	NA
##	135	2	<na></na>	NA	NA
##	188	2	<na></na>	NA	NA
##	193	2	<na></na>	NA	NA
##	207	2	<na></na>	NA	NA

• Sobre el dataset NOSCANEADO: Si el Outcome es 2 (el paciente se ha transferido a otro hospital) y no se ha realizado ningun escaner pero si contiene datos en el escaner, entonces se clasificara como "Escaneado".

##		EO_Outcome	TH_Head.CT.scan	TH_1.or.more.PH	TH_Subarachnoid.bleed
##	201	2	1	2	2
##	217	2	1	2	1
##	257	2	1	1	2
##	314	2	1	1	2
##	318	2	1	2	2
##	1184	2	1	2	2

• Sobre el dataset NOSCANEADO: Nos hemos dado cuenta que existen datos anomalos, que contienen varios escaneres, pero sin embargo, no se indica como escaneado, son los registros: 2628,3276,3279,8469,8655, etc. (En total son 12)

##		<pre>EO_Head.CT.scan</pre>	EO_1.or.more.PH	EO_Subarachnoid.bleed	
##	2628	2	2	2	
##	3276	2	2	2	
##	3279	2	2	2	
##	3720	2	2	2	
##	7286	2	2	2	
##	8469	2	2	2	

• Sobre el dataset ENANALISIS: Nos hemos dado cuenta de que existen datos anomalos. Para las variables de los pacientes que se han transferido a otro hospital (TH), existen variables de escaner (TH_Head.CT.scan) que se encuentran vacias, junto con el resto de variables del escaner en particular. Por lo tanto, se ha asignado el valor de 2 a la variable de escaner (TH_Head.CT.scan) y se han incluido

en los escaneados, puesto que en todos ellos, en la variable EO_Head.CT.scan si que existe un valor de 1 (escaneados) y no se han encontrado mas anomalias en dichos datos.

##		${\tt EO_Head.CT.scan}$	$E0_1.or.more.PH$	${\tt EO_Outcome}$	TH_Head.CT.scan
##	681	1	2	2	<na></na>
##	1639	1	2	2	<na></na>
##	5743	1	2	2	<na></na>
##	8434	1	2	2	<na></na>
##	8972	1	2	2	<na></na>
##		${\tt TH_1.or.more.PH}$	TH_Subarachnoid	bleed	
##	681	NA		NA	
##	1639	NA		NA	
##	5743	NA		NA	
##	8434	NA		NA	
##	8972	NA		NA	

• Sobre el dataset SCANEADO: Se van a eliminar todas las filas que no tengan informacion en el TH_Major.EC.injury y en el EO_Major.EC.injury

```
EO_Outcome TH_Major.EC.injury
##
## 76
                 2
## 90
                 2
                                     NA
                 2
## 315
                                     NA
## 361
                 2
                                     NA
                 2
## 510
                                     NA
## 565
                 2
                                     NA
```

• Sobre el dataset SCANEADO: Comprobamos que las variables: EO_Cause y EO_Symptoms, no contengan valores nulos.

##		${\tt EO_Cause}$	<pre>EO_Major.EC.injury</pre>
##	177	3	2
##	211	NA	1
##	242	NA	2
##	255	2	2
##	293	NA	2
##	321	NA	1

DATOS FINALES:

• Vivos y escaneados

[1] 4158

• Vivos y no escaneados

[1] 1535

• Vivos en análisis

[1] 304

• Fallecidos y escaneados

[1] 2830

• Fallecidos y no escaneados

[1] 439

• Fallecidos en análisis

FASE III: Eliminacion y centralizacion de variables

- Se va a centralizar las variables de PUPIL_REACT_LEFT y PUPIL_REACT_RIGHT

##		PUPIL_REACT_LEFT	PUPIL_REACT_RIGHT	ESTADOESCANER
##	1	1	1	SCANEADO
##	2	1	1	SCANEADO
##	3	1	1	SCANEADO
##	4	1	1	SCANEADO
##	5	1	1	SCANEADO
##	6	1	1	SCANEADO

• Both reactive

[1] 5664

• No response unilateral

[1] 497

• No response

[1] 634

• Unable to assess

[1] 193

• Ahora vamos a ver si podemos prescindir o aunar las variables de EO_Cause y TH_Cause. Para ello veremos en que caso, ambas variables difieren:

##		EO_Cause	TH_Cause
##	2308	1	3
##	2814	3	1
##	3286	2	3
##	4022	3	1

• Como se puede observar, podriamos prescindir de la variable TH_Cause, puesto que recoge la misma información que EO_Cause.