## テンソル同時分解の拡張による オミクスデータの統合

阿部興<sup>1</sup> · 島村徹平<sup>2</sup>

2023年6月3日

<sup>1</sup>東京医科歯科大学難治疾患研究所

<sup>&</sup>lt;sup>2</sup>名古屋大学医学系研究科·東京医科歯科大学難治疾患研究所

#### 動機:分析対象

モダリティ

DNA 転写 RNA 翻訳 protein phenotype

proteomics | -omics

- オミクス (omics) データを統合して分析したい 積極的理由:データを補い合い普遍的な特徴を抽出 消極的理由:対応のあるサンプルなので非独立
- 難しさ

genomics

- semi-paired なデータが多い
- モダリティごとに分布が変わる

transcriptomics

## 動機:データ統合

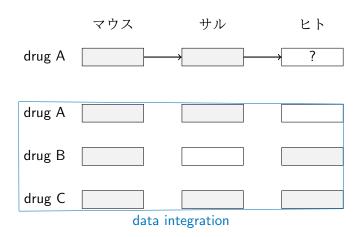


Fig: データ統合により情報を補完しあう

#### 動機:分析手法

mι	multi-dimensional array			tidy format			
	feature		sample	feature	annotation		
		<b></b> -   □	1	1			
	• †		2	1			
ale le			5	4			
sample			1	2	•		
				- 1			
		†	5	2	•		
			1	3	†		
				- 1	- 1		
1			5	7	†		
feat	modality		sample	modality	feature :		
			2	1			
			÷		Ħ		
			9	1			
			1	2	-		
sample			- 1				
2			6	2	-		
			1	3	-		
			:	-			

tidy-format の利便性を生かしたまま行列分解ができないか?

## 3階のテンソルの場合

Data:

$$Y = (y_{ijk}), \quad y = (y_n) = \text{vec}(Y)$$

CP 分解:

$$y_{ijk} \approx \sum_{l} v_{il}^{(1)} v_{jl}^{(2)} v_{kl}^{(3)}.$$

提案法:

$$y_n \approx \sum_{l} \prod_{d=1}^{D} v_{dl}^{x_{nd}} \tag{1}$$

ここで,

$$V = (v_{dl}) = \begin{pmatrix} v^{(1)} \\ v^{(2)} \\ v^{(3)} \end{pmatrix}$$

#### 内積としての解釈

$$\begin{split} y_n &\approx \sum_{l=1}^L \prod_{d=1}^D v_{dl}^{x_{nd}} = v_{11}^{x_{n1}} v_{21}^{x_{n2}} \cdots v_{D1}^{x_{nD}} + \cdots + v_{1L}^{x_{n1}} v_{2L}^{x_{n2}} \cdots v_{DL}^{x_{nD}} \\ &= \underbrace{\left(v_{d1}^{x_{nd}} \ \dots \ v_{dL}^{x_{nd}}\right) \left(\prod_{d' \neq d} v_{d'L}^{x_{nd'}}\right)}_{\text{inner product}} \end{split}$$

inner product of 
$$\left(\begin{array}{c} \\ \\ \end{array}\right)$$
 > inner product of  $\left(\begin{array}{c} \\ \\ \end{array}\right)$ 

 $Fig: y_n$  の値が大きいとき V の X で指定される成分どうしの値が似る

#### アンサンブルとしての解釈

$$y_n \approx \sum_{l=1}^{L} \prod_{d=1}^{D} v_{dl}^{x_{nd}} = \frac{1}{L} \sum_{l=1}^{L} L \exp \left( \sum_{d=1}^{D} x_{nd} \cdot \log v_{dl} \right)$$
$$f_{nl}$$

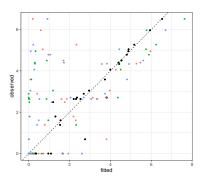


Fig: x軸: 推定値, y軸: 実測値, 色付きの点:  $Lf_{nl}$ , 黒い点:  $\sum_{l}f_{nl}$ 

## モデル (準備)

式 
$$1(y_n \approx \sum_l \prod_{d=1}^D v_{dl}^{x_{nd}})$$
 より

$$y_n \mid V, \lambda \sim \mathcal{N}\left(y_n \mid \sum_{l=1}^L \prod_{d=1}^D v_{dl}^{x_{nd}}, \lambda^{-1}\right)$$
 (2)

$$v_{dl} \sim \mathcal{N}(v_{dl}|0, \tau^{-1})$$
 (3)  
 $\lambda \sim \mathcal{G}(\lambda|a, b)$ 

ここで  $\mathcal{N}(x|\mu,\sigma^2)$  は正規分布(平均  $\mu$ , 分散  $\sigma^2$ )  $\mathcal{G}(x|a,b)$  はガンマ分布(形状パラメータ a, レートパラメータ b).

- さらに修正・拡張
  - 解釈性のため:非負制約
  - マルチオミクスデータの分析のため:分布を変える

事前分布: 非負制約

$$v_{dl} \sim \mathcal{TN}(v_{dl}|0,\tau^{-1})$$
$$\propto \mathcal{N}(v_{dl}|0,\tau^{-1}) \mathbb{1}_{(0,\infty)}(v_{dl})$$

ここで、 $\mathbb{1}_A(x)$  は指示関数  $(x \in A \text{ のとき 1, さもなくば 0})$ .

Note: 原理的には、非負制約の有無は変数ごとに選ぶこともできるが、今回の我々の実装では煩雑さを避けるためすべて非負とした.

## 中間変数:分布を変える

y<sub>n</sub> が実数(連続値):

$$A(x) = x$$
.

y<sub>n</sub> が非負:

$$A(x) = \begin{cases} x, & x > 0 \\ 0 & x \le 0 \end{cases}.$$

• y<sub>n</sub> が 2 値 (0 or 1):

$$A(x) = \mathbb{1}_{(0,\infty)}(x).$$

y<sub>n</sub> が非負の整数:

$$A(x) = \begin{cases} \lceil x \rceil, & x > 0 \\ 0 & x \le 0 \end{cases}.$$

#### 切断, Rectified, 離散化

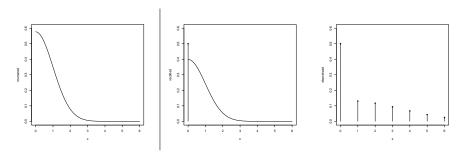


Fig: 左: 潜在変数の事前分布. 右: 観測されるデータのモデル.

観測されるデータのモデルは 0 の一点で確率を持つ (cf. zero-inflated モデル)

Note: モデルの密度が 0 になることは対数尤度に  $-\infty$  の罰則をつけることと同じであるため、分布の台が最も大きい影響を持つと考えた.

モデル

$$y_n = A_{m(n)}(z_n), \quad z_n \sim \mathcal{N}\left(\sum_{l=1}^L \prod_{d=1}^D v_{dl}^{x_{nd}}, \lambda^{-1}\right)$$
 (4)

ここで m(n) は n をモダリティを区別する添字に写す関数.

分析者が設定する要素 (チューニングパラメータ):

潜在変数 V の次元 L

中間的関数 A(x)

計画行列 X

## 対数尤度

$$\ell(v_{dl}) = \sum_{n=1}^{N} \log p(z|V, X) = \sum_{n=1}^{N} \left( -\frac{\lambda}{2} \left\{ z_n - \sum_{l=1}^{L} \prod_{d=1}^{D} v_{dl}^{x_{nd}} \right\}^2 \right) + C$$

$$= -\frac{h_{dl}}{2} \left( v_{dl}^2 - 2v_{dl} \frac{\eta_{dl}}{h_{dl}} \right) + C,$$

ここで,

$$\eta_{dl} = \sum_{n} x_{nd} \prod_{d' \neq d} v_{dl}^{x_{nd}} \left( z_n - \sum_{l' \neq l} \prod_{d' \neq d} v_{dl}^{x_{nd}} \right)$$
 (5)

$$h_{dl} = \sum_{n} \lambda x_{nd} \prod_{l',l'} v_{dl}^{2x_{nd}}.$$
 (6)

 $v_{dl}$  に依存しない定数をまとめて C とした.

## 変分 EM アルゴリズム (一般論)

データ: 
$$\mathcal{D} = (\mathcal{D}_1, \mathcal{D}_2, \dots, \mathcal{D}_n)$$

 $\mathcal{D}$  全体に影響する global な潜在変数: V

 $\mathcal{D}_n$  に影響する local な潜在変数:  $z_n$  ( $z=(z_1,\ldots,z_N)'$ )

$$D_{KL}(q||p) = \int q(z) \log \frac{q(z)}{p(z_n|\mathcal{D}, w)} dz$$
$$= E_q[\log q(z)] - E_q[\log p(z_n|\mathcal{D}, w)]$$

 $q(z) \propto \exp(E_q[\log p(z_n|\mathcal{D}, w)])$  のとき最小.

#### 変分 EM アルゴリズム

E-step:  $q(z_n) \propto \exp(E_q[\log p(z_n|\mathcal{D}, w)])$  を更新

M-step:  $q(w) \propto \exp(E_q[\log p(w|\mathcal{D},z)])$  を更新

# 提案モデル; local な潜在変数

変分事後分布からサンプリング:

rectified

$$q(-z_n) = \begin{cases} \mathcal{TN}(-z_n| - f_n, \sigma_n^2) & y_n = 0, \\ z_n = y_n \text{ with probability } 1 & y_n > 0 \end{cases}$$
 (7)

binary

$$q(-z_n) = \begin{cases} \mathcal{T}\mathcal{N}(-z_n|-f_n, \sigma_n^2) & y_n = 0, \\ \mathcal{T}\mathcal{N}(z_n|f_n, \sigma_n^2) & y_n = 1 \end{cases}$$
(8)

nonnegative integer

$$q(-z_n) = \begin{cases} \mathcal{T}\mathcal{N}(-z_n|-f_n,\sigma_n^2) & y_n = 0, \\ \mathcal{T}\mathcal{N}(z_n|f_n,\sigma_n^2) & y_n = 1 \end{cases}$$
(9)

# 提案モデル; global な潜在変数

解析的に期待値計算:

$$q(v_{dl}) = \begin{cases} \mathcal{N}(\mu_{dl}, \sigma_{dl}) & \text{if the prior of } v_{dl} \text{ is not truncated} \\ \mathcal{T}\mathcal{N}(\mu_{dl}, \sigma_{dl}) & \text{if the prior of } v_{dl} \text{ is truncated}, \end{cases}$$
(10)

ここで,

$$\mu_{dl} = \frac{E_q[\eta_{dl}]}{E_q[h_{dl}] + \tau/E_q[\lambda]},$$
  
$$\sigma^2 = (\tau + E_q[h_{dl}])^{-1}.$$

λ の変分事後分布は,

$$q(\lambda) = \mathcal{G}((N/2)E_q[\eta_{dl}], (E_q[h_{dl}] + \tau)/2).$$
 (11)

# データ分析

まとめ

今後の発展:大規模メタアナリシス,因果推論,時空間の相関を考慮