Checklist de base : Machine Learning

# Analyse de forme

Variable target : y (the consumer has subscribed to a contract)

Lignes/colonnes : 41188/21

Types des variables : 10 quantitatives, 11 qualitatives (objects)

Analyse des valeurs manquantes : Aucune, le dataset est complet, pas besoin de drop/dropna ou fillna

# Analyse de fond

Visualisation de la target :

* 36.548 no : 89 %
* 4640 yes : 11 % (très déséquilibré !)

Très important lors de l’exploration de données : TRACER les histogrammes des variables continues

Signification des variables :

* Variables qualitatives :
  + contact (cell or phone)
  + day of week contacted (regular Monday to Friday)
  + all kind of education followed (represents the percentage of the population for each category)
  + housing doesn’t seems to matter as it’s almost a 50/50 X
  + large amount of people doesn’t have a loan X
  + married/single/divorced
  + month (sept to december/january very busy, than ok : MAY, JULY, AUG.)
  + poutcome X
  + every kind of job is represented ~
* Variables parfois standardisées généralement asymétriques
* Variables quantitatives :
  + emp.var.rate
  + cons.price.idx
  + cons.conf.idx
  + euribor3m
  + nr.employed

Relation variables/target :

* Tester le couples (variables, target)
  + Cell/Phone probablement pas d’impact
  + Couple target/education
  + Target/etude
  + Target/month
  + Target price/conf and employment rate, check if correlated ?
  + Age/contact ?

🡪 Eventuellement tester d’autres couples : age/contact, education/employment … ?

# Analyse plus détaillée

Relation variables/target :

* Tester le couples (variables, target)
  + Cell/Phone probablement pas d’impact :
  + Couple target/education :
  + Target/etude :
  + Target/month :
  + Target price/conf and employment rate, check if correlated ? :
  + Age/contact ? :
* NaN analyse : viral 1350 (92%/8%), blood 600 (87%/13%), précédemment : 90%

**Hypothèse nulle (H0) :**

* Les individus atteints du covid-19 ont des taux de Leucocyte, Monocyte et plaquettes significativement différents de ceux ne l’étant pas
  + H0 = Les taux moyens sont EGAUX chez les individus positifs et négatifs
* Les individus atteints d’une maladie quelconque ont des taux de significativement différents de ceux ne l’étant pas

**Conclusions initiales :**

* Beaucoup de données manquantes : 20% du dataset exploitable
* 2 groupes de données intéressantes : blood/viral
* Les tests sanguins ne permettent pas avec certitude de prédire les cas de Covid19
* Il va falloir remplir les valeurs manquantes, si on les supprime : 99 lignes au lieu de 5644
* Blood\_column : 600 valeurs, viral\_column : 1354 (plus intéressants, mais il faut conserver les deux, car les tests sanguins sont aussi utils)

Si on sélectionne les données virales, il y a le même taux de positifs/négatifs qu’auparavant ; pareillement avec les données sanguines, les taux sont même plus équilibrés !