



2020**小学期金融科技课程设计**

**智能风控方向**

**信用违约预测模型**

**小组成员**

范源颢 3180103574

余若涵 3180105412

**2020** 年**8** 月**7** 日

# 研究背景与意义

商业银行风险管理问题是商业银行经营管理的核心，风险管理的质量优劣直接关系到商业银行的生死存亡。而客户信用评级预估又是银行风险管控非常重要的组成部分，银行借给债务人的借款如果无法按时收回，银行的资产将面临不必要的风险，同时债务人的信用也会受到影响。为此，银行需要在借款之前根据数据估计客户的还款能力，评价信用风险等级。

为了扩大无贷款经验人群的金融包容性，确保有还款能力的客户可以获得贷款，银行需要利用各种替代数据（包括电信、交易信息）来预测客户的还款能力。这正是我们的项目所关注的。本项目中，我们的目的是：根据客户的基本信息、历史表现判断客户是否有能力及时还清贷款。

# 国内外研究现状与存在问题

人工智能时代的到来，给金融风控领域带来了全新的机遇与挑战。据Forrester咨询公司一项调查显示，全球380位企业首席高管的调查中，42%的高管都将欺诈列为对商业成功和客户满意度的首要威胁。从欺诈现状来看，国内外企业都面临着巨大的欺诈风险。这个趋势还在不断增长，数字金融欺诈手法多样、隐蔽，同时覆盖面广，从传统业务到金融理财，账户盗用到经济损失。除此之外，还信用数据缺失、风控盲点等问题也一直困扰着业界。

在传统风控环节中，信息不对称、成本高、时效性差、效率低等问题，使得难以满足业务的快速增长引发的信贷增长。而风控引入人工智能技术，使得贷前审核、贷中监控和贷后管理、监管合规等环节，都能提高金融科技产品质量及服务效率。

智能风控能不仅能有效提高金融服务的效率和安全性，降低风控成本，还能促进风险管理差异化和业务人性化，在金融科技业中有着重要作用。所以近年来无论是传统金融机构、消费金融机构还是互联网金融公司，都在加紧智能化系统建设或者对外合作，实现智能化风控。

但目前，智能风控主要最主要的面临的挑战主要包括数据的全面性、真实性及数据挖掘效率等。智能风控目前还是比较依赖大数据还有专家规则，只有在正确数据基础之上才能正结论，当数据量很大时，数据真实性及是否数据被污染，无法进行有效鉴别。

# 研究目标与研究内容

本项目中，我们的主要任务是：根据客户的基本信息、历史表现判断客户是否有能力及时还清贷款。这是标准的有监督分类问题。

我们将从以下几个方面展开我们的项目。首先，对数据集进行了解。包括数据规模、各个特征的意义、数据缺失情况等等，并结合可视化工具探索数据中隐藏的关系。之后，我们将进行特征工程：尝试衍生新的特征以及去除不必要的特征，以此来提高模型的效率和正确率。最后，我们会尝试使用多个不同的模型进行训练和预测，并对模型效果进行评估。

# 数据集分析

## 数据集基本信息

本项目中，我们使用的是由Home Credit公司提供的贷款信息数据集。数据集包含application\_train.csv和application\_test.csv两个文件。训练集共提供307511条记录，每条记录包含121个特征和1个Target列；测试集包含48744条记录。

数据集中的每条记录都表示了一次贷款，Target的0/1值反映了借款人是否按时还款。121个特征中，有106个数值特征和16个标称特征，这些特征可分为以下四类(只列出部分)：

1. **借款人基本信息**

CODE\_GENDER - 性别，

DAYS\_BIRTH - 客户年龄，

CNT\_CHILDREN - 子女数，

CNT\_FAM\_MEMBERS - 家人数，

OCCUPATION\_TYPE - 职业，

1. **借款人经济背景**

FLAG\_OWN\_CAR - 是否拥有轿车

FLAG\_OWN\_REALTY - 是否拥有不动产，

AMT\_INCOME\_TOTAL - 借款人总收入，

APARTMENT\_AVG - 住房评分，

1. **本次贷款相关信息**

AMT\_CREDIT - 信用额度，

AMT\_ANNUITY - 贷款年金，

WEEKDAY\_APPR\_PROCESS\_START - 申请贷款的星期，

HOUR\_APPR\_PROCESS\_START - 申请贷款的时间（小时），

1. **其他信息**

FLAG\_MOBIL - 是否提供手机号码

FLAG\_CONT\_MOBILE - 手机是否可打通，

REGION\_RATING\_CLIENT - 所在地区评分，

EXT\_SOURCE\_1/EXT\_SOURCE\_2/EXT\_SOURCE\_3 - 通过其他信息计算的该客户评分，

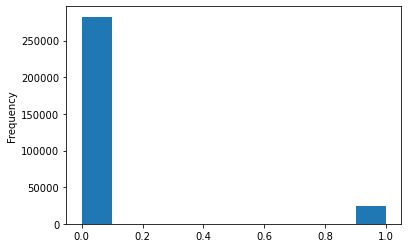
## 可视化分析

以下可视化分析针对未经预处理的训练集aplication\_train.csv

### Target列的分布

首先查看训练集中，Target列（是否违约）为0和为1的个数。

// 代码



从上图可以看出，训练数据集中的违约记录数远大于未违约记录数，整个训练集是极度不平衡的，这种情况下，模型会花费更多的时间和“精力”去拟合未违约记录(target为0)，所以为了提供模型的效率，在之后我们将采取欠采样或过采样的方法来平衡数据集。

### 特征与Target列的关系

1. **计算特征与Target列的相关性**

// 代码

1. **查看10个相关性最小的特征**

// 代码

输出：

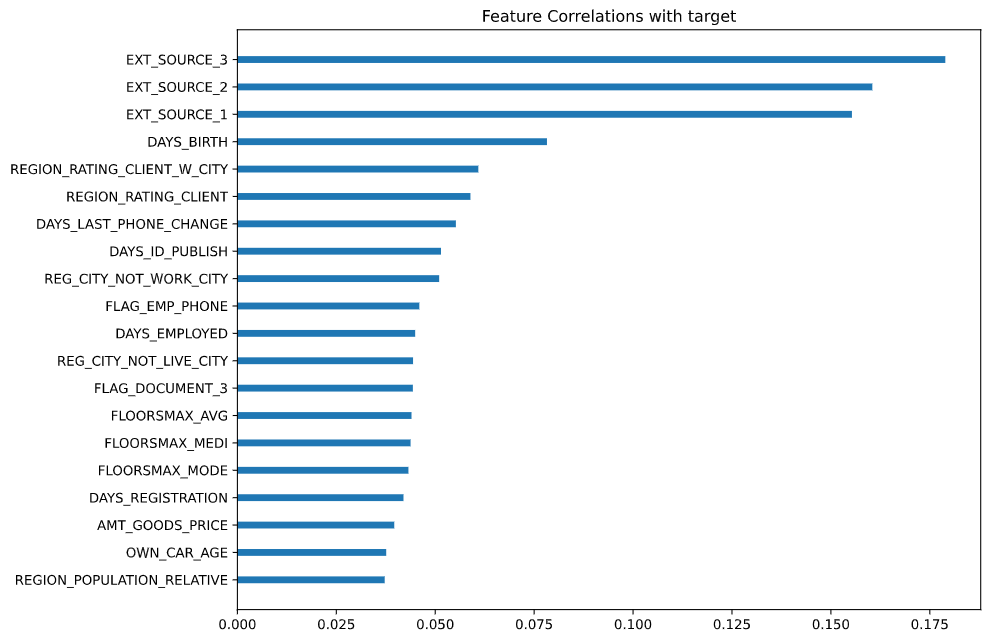
// 代码

上面输出结果中的FLAG\_DOCUMENT\_X特征表示的是在贷款时是否提交某份文件，这类特征有20个，大部分相关性都很低。FLAG\_MOBIL和FLAG\_CONT\_MOBILE表示的分别是客户是否拥有移动电话、电话是否可打通，AMT\_REQ特征表示的是申请贷款前客户向信贷局进行查询的次数。

可以看出，这些特征的与Target列的相关性都在万分之一数量级，可以归为very weak级别。在之后的特征工程中我们将会试试它们是否可以衍生出足够好的新特征，或者直接删除这些特征，以减少运算量并提高预测的准确度。

1. **查看20个相关性最大的特征**

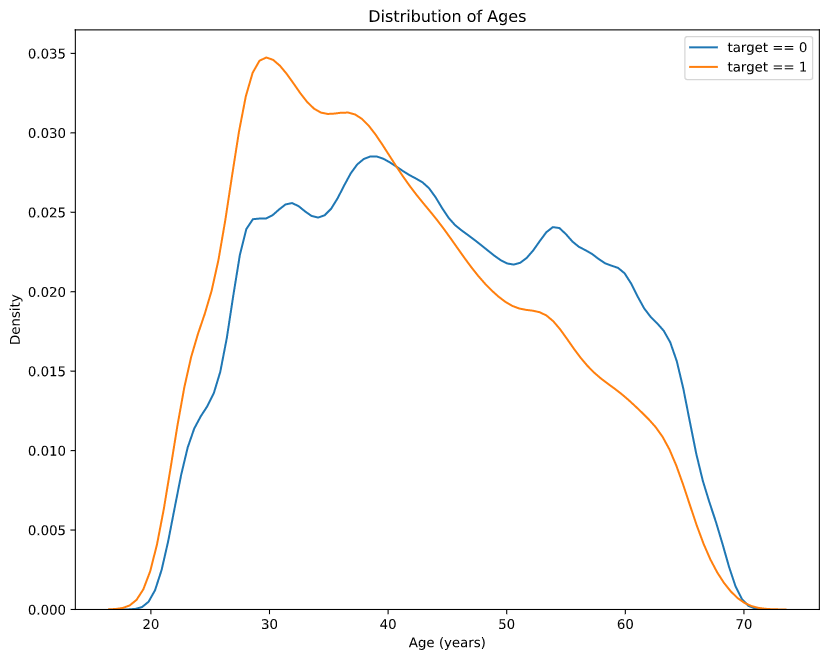
// 代码



上图中（相关性已取绝对值）排在前三的EXT\_SOURCE特征是专业人士依据外部数据对该客户进行的评分，值域为[0, 1]，它们的相关性都超过了0.15；DAY\_BIRTH表示的是客户的年龄；两个REGION\_RATING特征是对客户所在地的评分，分为三档，用{1, 2, 3}表示。接下来我们将对这些特征进行可视化分析。

### 客户年龄分布

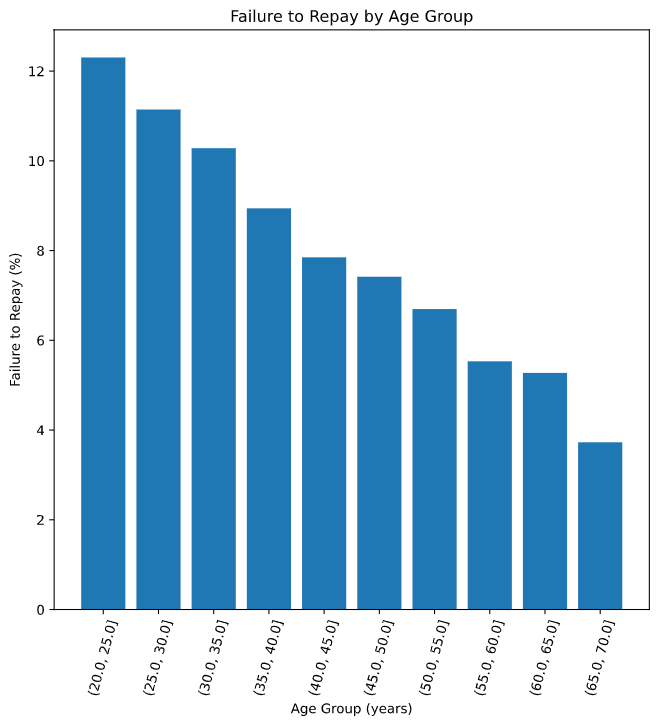
// 代码



上图中，橘线展示的是违约用户的年龄分布，蓝线为未违约用户的年龄分布。从总可以看出，年轻用户([25, 40]年龄区间内)更容易违约，而年纪较大的用户([50, 65]年轻区间内)则更可能按时付清欠款。

为了更好地分析客户年龄与违约的关系，我们以5年为一个区间宽度进行分箱处理，并用柱状图展示各个区间内的违约率。如下所示。

// 代码

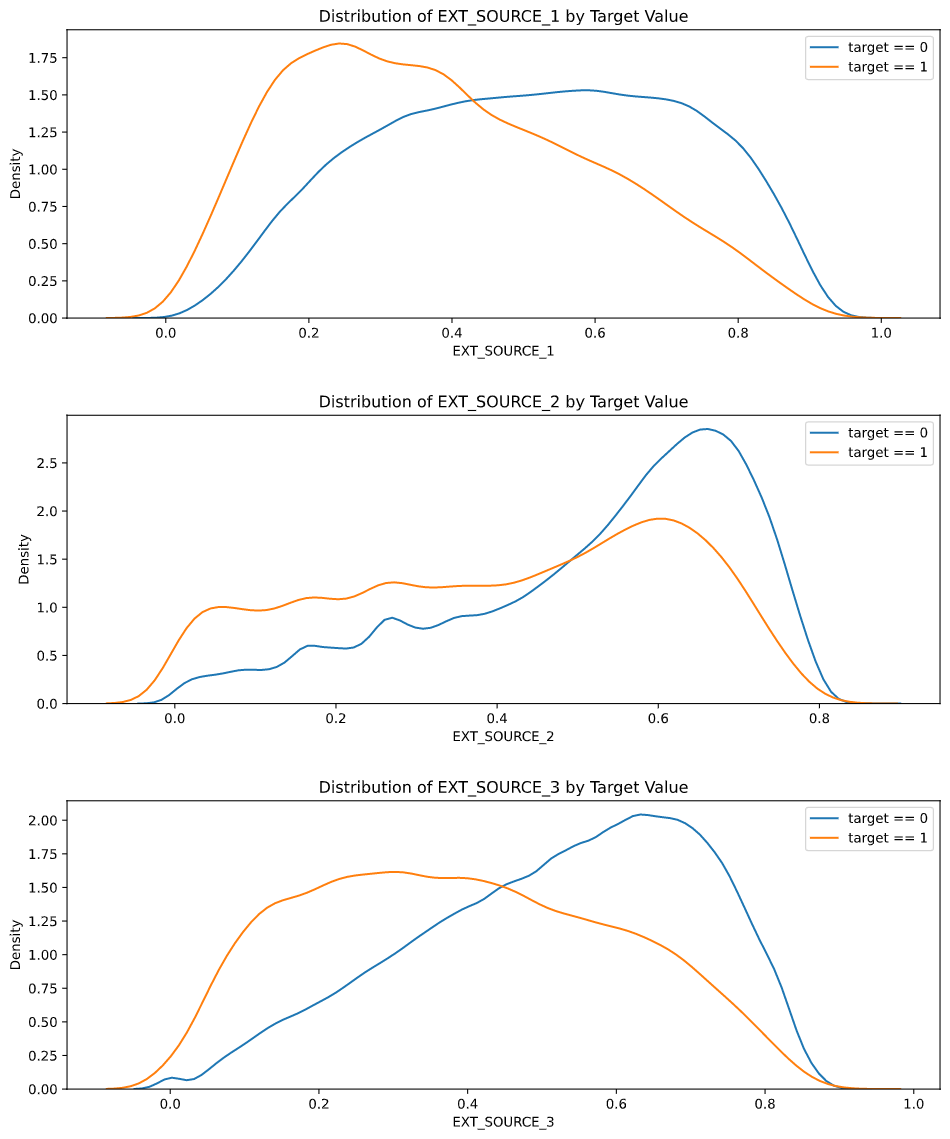


从图中可以看出，随着年龄的增高，违约率一直在下降。年纪最小的三个群体有超过10%的违约率，而年纪最大群体的违约率则低于5%. 这提示我们，年龄将会是一个非常重要的特征，在之后的特征工程中，我们也许可以基于年龄衍生出新的重要特征。

### 附加特征(EXT\_SOURCE)的分布

上文4.2.2的分析显示，三个EXT\_SOURCE列与Target列有很大的相关性。下面探究它们的分布。

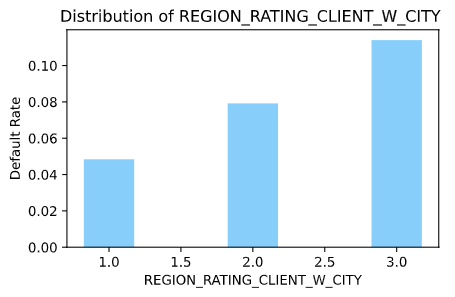
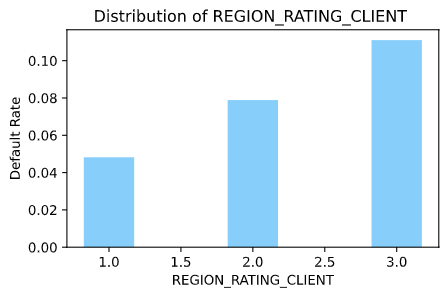
// 代码



可以看出，在以上三张图中都能很好地区分违约与未违约这两条曲线。其中EXT\_SOURCE\_3的效果最好，当其值较小时，有更大概率发生违约。而EXT\_SOURCE\_2虽然也能很好区分两条曲线，但是两曲线的整体趋势非常相似，所以也许它在模型的效果会不如另两个特征。

### 地区评分(REGION\_RATING)的分布

// 代码

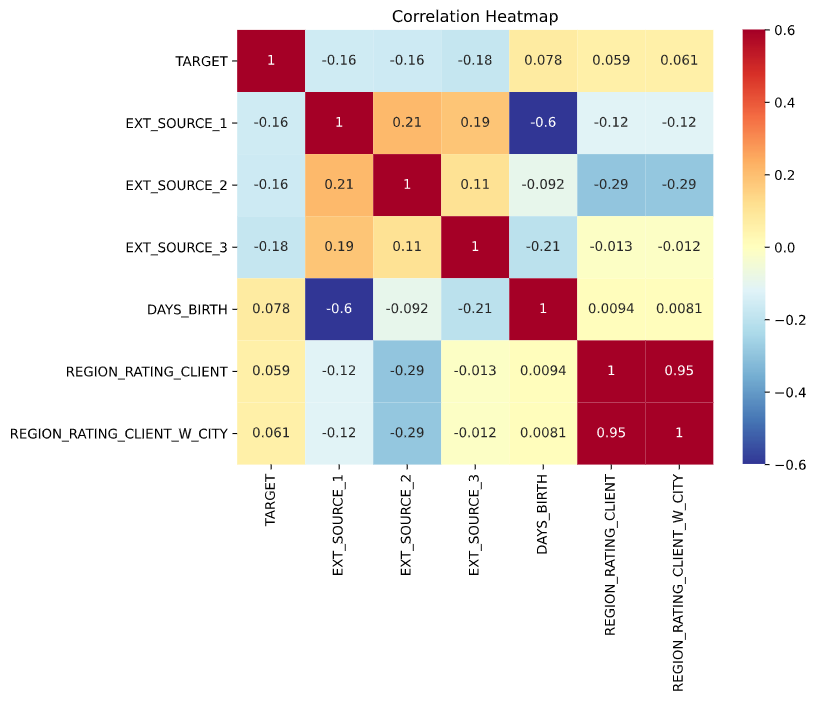


图中柱状图表示的是违约率即违约客户占总客户的比例。两个特征都呈现出一样的趋势，即评分越高则违约率越大。可以看出这两张柱状图的趋势和数值都非常相似，所以我们推测这两个特征的相关性应该非常高，接下来进行具体分析。

### 特征间的相关度

由于本数据集特征过多，不适合对所有特征进行相关度可视化，所以这一部分我们只选取了上面讨论过的六个特征进行分析。

// 代码



上面的热力图中，颜色越深表示二者之间相关度越高。可以看出两个REGION\_RATING类特征有高达0.95的相关性，这两个特征都是对客户所在地区的评分，二者的差异仅在于：客户所在城市是否在考虑范围内，于是我们可以认为，它们包含的信息是基本一致的，在特征工程中我们会考虑删除这两个特征中的一个，以提高效率。此外，EXT\_SOURCE\_1和年龄的相关度也有0.6，这说明年龄可能是影响EXT\_SOURCE\_1得分的一个重要因素。

## 数据预处理

数据预处理包括标称属性编码、缺失值填充、数据规范化等。但由于不同模型对数据的要求不同，我们并没有统一做数据预处理，而是每个模型各处理一次，具体参照后文。

# 特征工程

本项目中的特征工程，主要分为新特征衍生和特征降维两部分。在新特征衍生部分，我们将尝试使用多项式特征构造法、专业知识特征构造法以及特征自动生成工具来衍生出新特征，并保留其中效果较好的参与建模。在特征降维中，我们会去除一些贡献度较小的特征：如缺失值过多的特征、与Target相关度过小的特征、共线特征等，以提高模型的效率。

## 新特征衍生

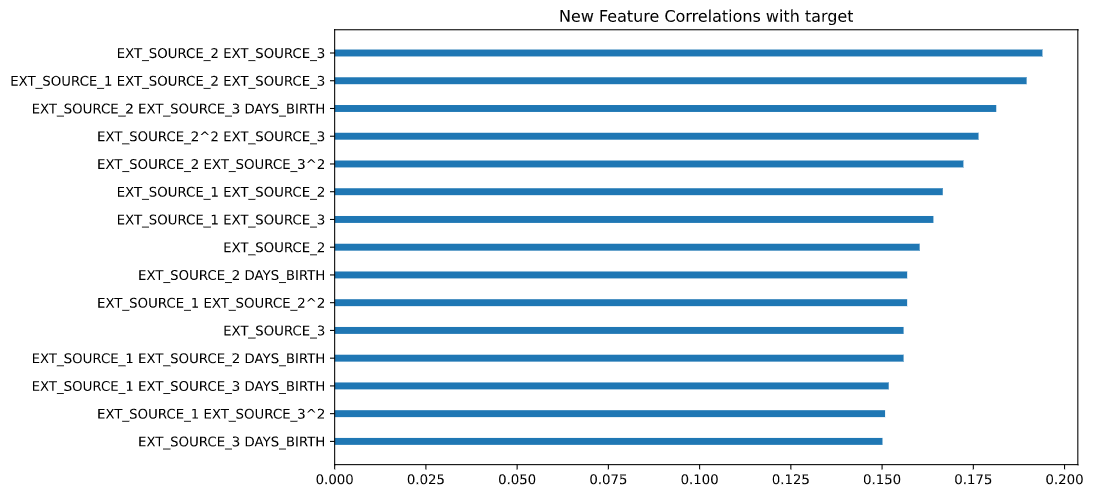
### 多项式特征

多项式特征是一种非常简单的特征构造方法，其衍生的新特征为原有特征的n次多项式，形如f1 \* f2 ^ 2，f3 ^ 3。实操中，我们参考了[GitHub上的一篇文章](%20https:/jakevdp.github.io/PythonDataScienceHandbook/05.04-feature-engineering.html%20)[1]。

Dcikit-Learn直接为我们提供了一个PolynomialFeatures的类来构造多项式特征，创建该类的实例时需要传入一个参数degree，即为多项式的最高幂次。为了避免模型出现过拟合，degree不应取得过高。项目中我们将degree设为3，使用上文分析过的年龄、EXT\_SOURCE作为原始特征，尝试构造多项式特征。具体操作如下。

// 代码

计算新特征与Target的相关性并进行可视化，结果如下。（相关性大小已取绝对值）



可以看出，许多特征的相关性超过了原有特征。排在前几的特征均为EXT\_SOURCE特征的乘积。效果最好的新特征为EXT\_SOUCE\_2 \* EXT\_SOURCE\_3，其相关性达到了0.19，相比原特征EXT\_SOUCE\_2的0.16略有提升。但也需注意，EXT\_SOURCE\_2 在于 DAYS\_BIRTH相乘后产生的新特征，相关性反而较EXT\_SOURCE\_2略有下降。

最终，我们选定了在相关性中排名前十的特征，把它们加入到数据集中参与建模。

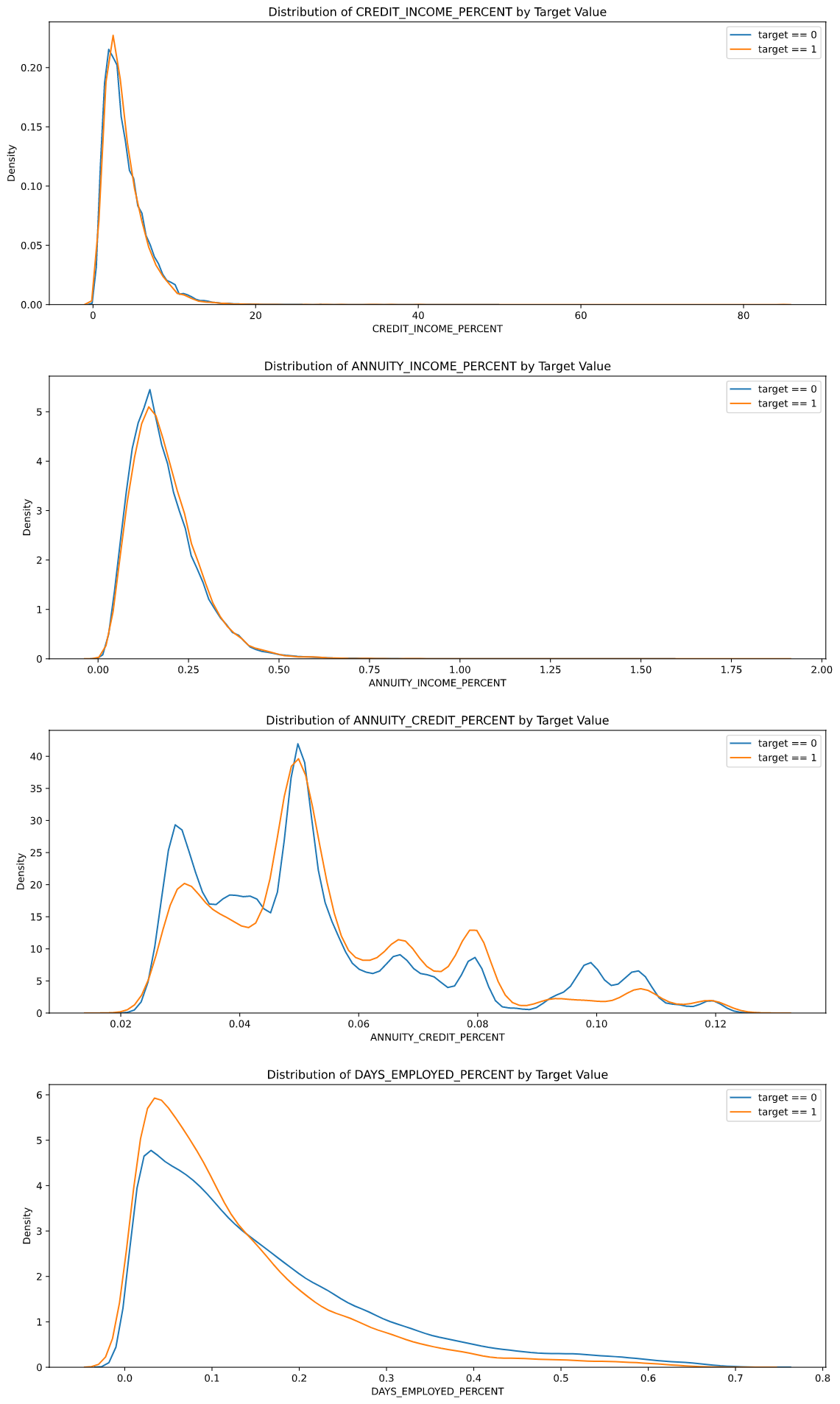
### 专业知识特征

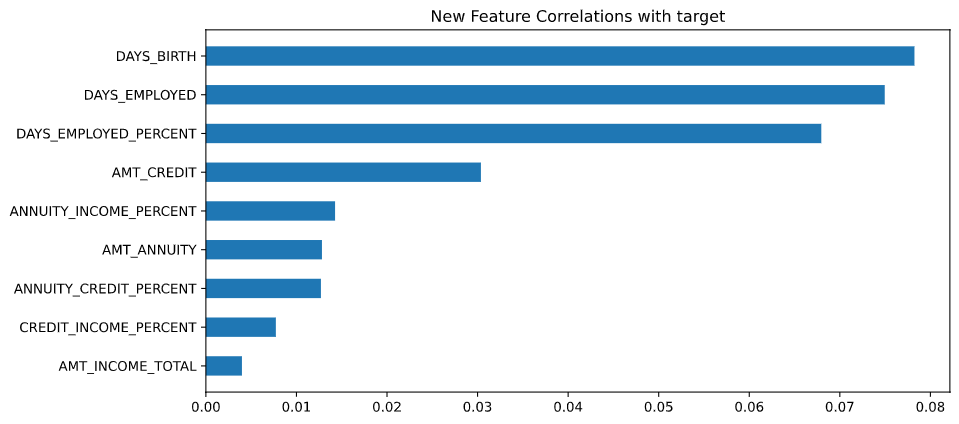
专业知识特征是利用金融知识和经验，人为地构造一些我们主观上认为可能会影响客户违约情况的新特征。由于我们的金融知识有限，所以这一部分我们参考了[Kaggle上的一篇文章](https://www.kaggle.com/willkoehrsen/start-here-a-gentle-introduction)[2]，构造出以下四个特征。

* CREDIT\_INCOME\_PERCENT ：信用额度(credit)占客户收入(income)的百分比
* ANNUITY\_INCOME\_PERCENT ：贷款年金(annuity)占客户收入(income)的百分比
* ANNUITY\_CREDIT\_PERCENT ：贷款年金(annuity)占信用额度(credit)的百分比
* DAYS\_EMPLOYED\_PERCENT ：客户工作天数(days\_employed)占年龄(days\_birth)的百分比

// 代码

对上面四个特征进行可视化分析，得到分布图和相关性柱状图如下：





从分布图来看，前两个特征(CREDIT\_INCOME, ANNUITY\_INCOME)的违约未违约曲线拟合度非常高，所以效果应该不是很好。后两个特征(ANNUITY\_CREDIT, DAYS\_EMPLOYED)的曲线有较明显的差异，但是不同客户的曲线趋势仍是一致的。从相关性来看，各个新特征的相关性都较高，或基于原特征有部分提升。至于这些特征对我们的模型具体有多大的贡献，还需要在建模时进行实验。

### 特征生成工具Feature Tools

featuretools是一个生成新特征的库，它基于深度特征综合(Deep Feature Synthesis)的方法，从一组相关表中自动创建新特征。使用时需要先初始化一个EntitySet，之后把我们所拥有的数据表(Entity)加入到其中，指定原函数(primitive)后，直接调用DFS方法即可自动生成新特征。

原函数(primitive)可以分为Aggregation和Transform两种。其中Aggregation主要针对允许ID重复的子数据集，提供如min、sum这样的函数对同一ID在某一特征上的不同数值进行计算，从而产生新特征，比如把某一客户过去多次借贷记录中的最大金额作为新特征。Transform则针对单个数据集中的一个或多个特征列，提供absolute、diff这样的函数，比如把某两个特征的差值作为新特征。

在我们的项目中，只有一个数据集，所以只使用Transform函数。通过下面的代码可以查看具体的Transform函数。

// code

// output

我们的数据集中所有的特征都已经处理为数值特征，所以暂选取了以下几个函数进行特征生成：

// code

将DFS的max\_depth设置为2(即最多使用两个函数)，这样我们最后得到了1681个特征，部分特征如下：

// output

可以看出，featuretools只是简单粗暴地按照我们的设定，对函数和原特征进行排列组合产生新特征。这样产生的特征数量过多，且没法像前两种方法一样保证新特征的效果。此外，由于我们的数据量比较大，使用featuretools会耗费过多的时间，比如在我们参考文章的案例中，仅仅是构造新特征的时间就超过了1个小时。

所以最终我们决定，本次项目中对featuretools的探索就到此为止，实际建模时不采用这种方法衍生新特征。

## 特征降维

本次项目原始数据集的特征有121个，在对标称属性进行编码、新特征衍生之后，特征数达到了两百多个。为了减少不必要的运算，我们进行特征降维，去除一些贡献过小的特征。

### 共线特征

数据集中，有许多特征之间的相关性非常高，这造成了数据的冗余。对于一组相关性较高的特征，只需要保留其中一个特征即可。

我们首先获得所有数值特征之间的相关性矩阵，并对它取绝对值、转换成上三角的形式。

// code

之后，我们设定一个阈值threshold，相关性大于该阈值则被认为是共线特征，需要被去除，将它们加入到to\_drop列表中。

// code

阈值设定为0.975时，to\_drop中有25个特征需要删除；阈值设定为0.99时，有18个特征需要删除，如：'FLAG\_EMP\_PHONE' - 是否提供工作电话、'APARTMENTS\_MEDI' - 公寓为中等大小等。为了避免损失重要的数据，我们在这里较为保守地将阈值设定为0.99，并删除了这18个特征。

// code

### 缺失值过多特征

特征的缺失值需要我们对其行填充，我们实际上是在向数据集中加入本不存在的数据。如果一个特征的缺失值太多，那么大部分数据都是我们所“编造”的，这样的特征会使数据偏离真实，从而使模型的效果变差。所以我们需要删除缺失值过多的特征。删除的阈值需要谨慎选取，我们在这里选取了参考文章中的“0.75”作为阈值。

首先看看训练集、测试集中的缺失情况。

// code

// output

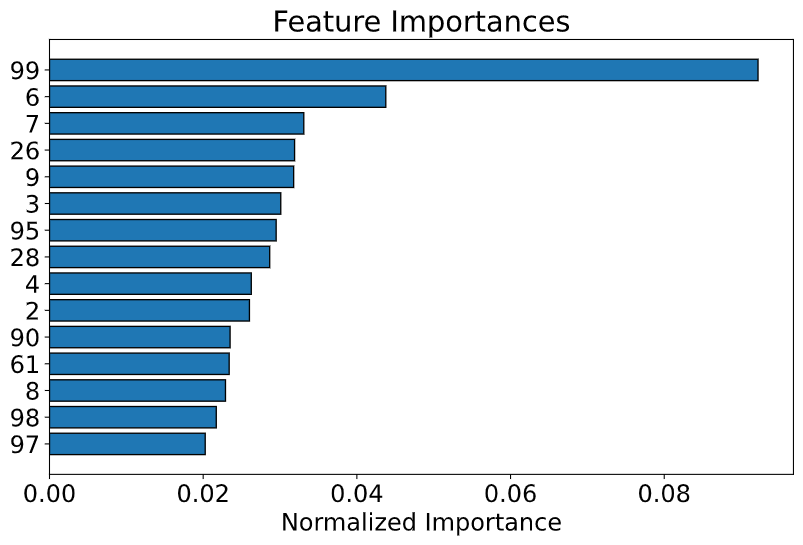
可以看出所有特征的缺失都没有超过0.7。并且只有20个特征的缺失率超过0.5。所以看来，本数据集的数据缺失情况还是可以忍受的，我们在这一步不需要删除任何特征。

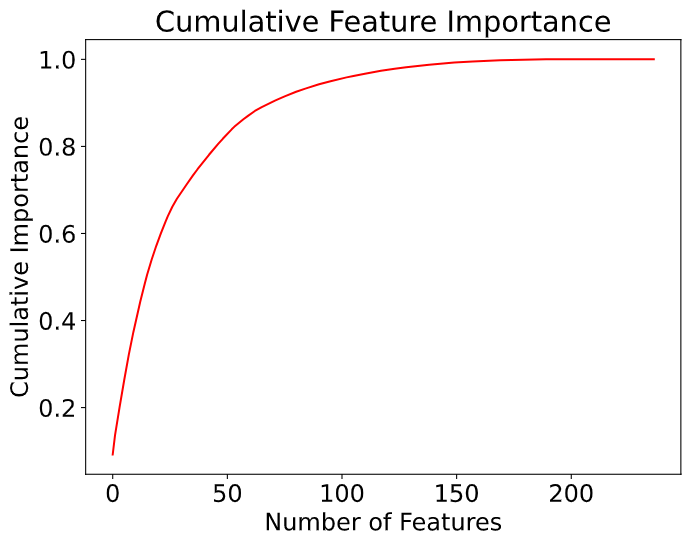
### 重要性较低特征

这一步需要训练基于树的模型，并得到模型中特征的重要性(importance)，并删除重要性为0的特征。我们使用了LGBM模型进行训练，并重复两次，对特征重要性取了平均值。得到的结果中，有49个特征的重要性为0.

// output

对特征重要性归一化之后，进行可视化的结果如下：





第二张图表示的特征重要性的积累曲线，它说明了在我们的237个特征之中，只需要前145个就可以达到0.99的特征重要性。这也为我们进行特征降维提供了一个思路，如果想要更快的训练速度，我们可以牺牲一点准确性，只保留前145个特征。不过，在我们的项目中，并不采用这种方法进行特征降维。

最后，由于我们的项目是以探究学习为目的，没有必要过分追求效率，所以我们决定保留这49个重要性为0的特征。

# 研究方法与模型思路

总体思路：我们这里希望使用机器学习的方法，通过学习训练集（application\_train.csv）中，自变量（借款人信息）和因变量（违约与否）的关系，拟合出一个可能的学习模型，然后依此对于测试集（application\_test.csv，只包含借款人信息）中的自变量估计出一个相对合理的因变量的值（即借款人的违约概率），由于我们的application\_test.csv中不包含真正的因变量值，所以仅仅根据测试集我们没法评估这个学习模型的好坏，为此，我们可以拆分我们的训练集（application\_train.csv），即，将训练集中70%的记录用于训练学习模型，后30%的记录用于测试模型，这样训练集的后30%的记录是已经知道真实的违约情况的，所以我们可以比较预测的违约情况和真实的违约情况，计算二者的差距，从而判别这个学习模型的好坏。

## 逻辑斯蒂回归（Logistic Regression）

虽然名字中有回归，但是模型最初是为了解决二分类问题。

线性回归模型帮助我们用最简单的线性方程实现了对数据的拟合，但只实现了回归而无法进行分类，因此LR就是在线性回归的基础上，构造的一种分类模型。对线性模型进行分类。在本题中，我们将违约与否分别标记为零和一两类，于是其实上我们可以将自变量的值首先按照线性的关系映射到一个中间变量x上，之后利用sigmoid函数

将中间变量映射到一个0-1之间的数值，作为违约概率，以此和违约与否的实际情况比较，即可得到学习模型和实际情况的差距（损失函数），之后我们利用一定的算法，调节自变量到中间变量的线性映射的参数，尽量减小这个损失函数的大小，就可以得到一个相对合理的学习模型，以此来进行预测。

### Sigmoid函数

如果要把一个实数域上的变量映射到两个类别上，似乎使用阶跃函数（也即符号函数sgn(x)）更为恰当，

但是在机器学习中，我们会发现sigmoid函数比起阶跃函数要有更加好的性质：sigmoid是连续无限阶可导的，而阶跃函数在x = 0时有一个明显的不连续点，不连续必定不可导，这样阶跃函数的损失函数也不可导，于是非常不利于我们优化自变量到中间变量的参数，而sigmoid函数很好的规避了这个问题。

### Sigmoid函数的损失函数

逻辑斯蒂回归问题的损失函数有如下形式：

其中, Y 为输出变量, X为输入变量, L 为损失函数. N为输入样本量, M为可能的类别数, yij 是一个二值指标, 表示类别 j 是否是输入实例 xi 的真实类别. pij 为模型或分类器预测输入实例 xi 属于类别 j 的概率。

显然，这个公式在本题中可以进一步化简，因为本题中，可能的类别数为2，也就是最多只有两种可能的类，那么M = 2时，我们有：

这时, yi 为输入实例 xi 的真实类别, pi 为预测输入实例 xi 属于类别 1 的概率. 对所有样本的对数损失表示对每个样本的对数损失的平均值, 对于完美的分类器, 对数损失为0.

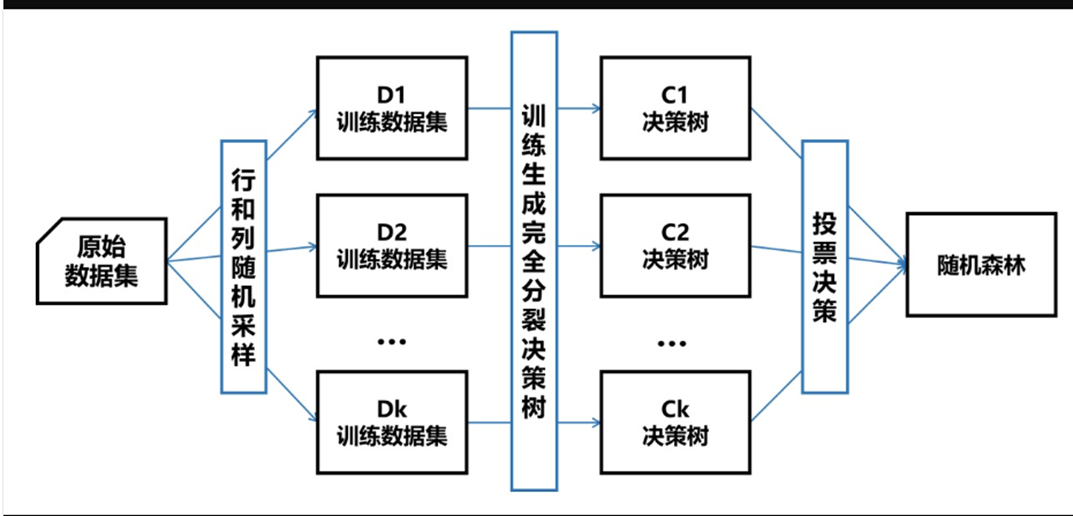
### 实现的思路

我们知道在python的机器学习包中，有完整的逻辑斯蒂回归的学习模块，在sklearn（scikit-learn）之下，为此，我们可以借助python实现上文所述的机器学习方法，不过需要注意的是，逻辑斯蒂回归要求真实值不能为空，因此，我们在数据清洗的时候需要更深一层的清洗，也就是需要将所有NaN进行合理的填充，我们采用中位数填充法，不使用平均值填充是为了避免出现极值单方面影响均值的情况，填充完成后，我们使用归一化方法将所有的数据都压缩到0-1之间。

具体的代码和实验结果见第七章。

## 随机森林（Random Forest）

随机森林的主要思想可以用下图表示：

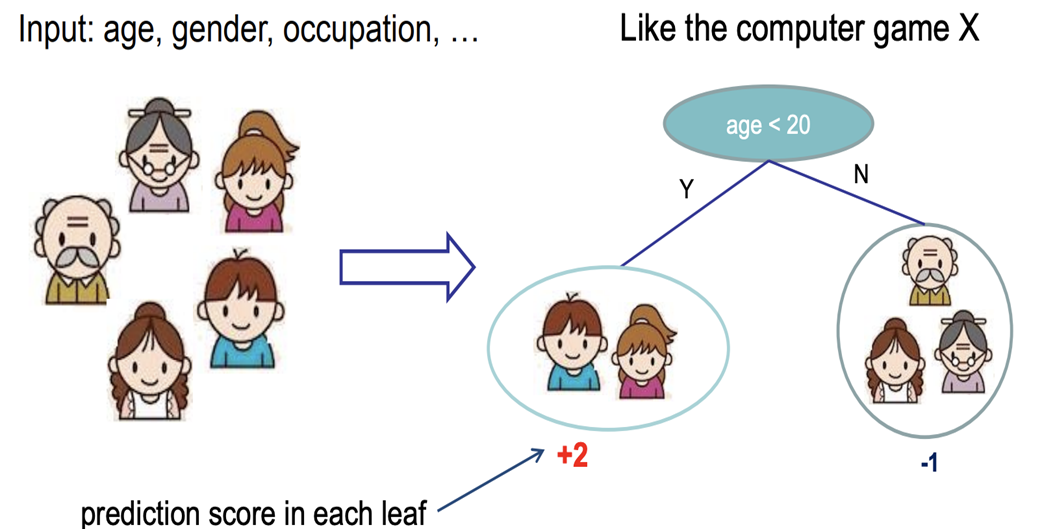


可以看到，随机森林是一种以决策树为基分类器的集成算法，通过组合多棵独立的决策树后根据投票或取均值的方式得到最终预测结果的机器学习方法。

随机森林相比于决策树拥有出色的性能，这主要取决于他的“随机抽取样本特征”和“集成算法”，前者让它具有更稳定的抗过拟合能力，后者让它有更高的准确率。

### 分类回归树（CART）

随机森林的决策树一般被称为CART（Classification and Regress tree，分类回归树，是决策树【decision tree】的一种，一般而言，用于数据挖掘的决策树都可以称为CART，然后根据更进一步的用途，即，用于分类还是回归，分为分类树和回归树）本文中，我们需要的是一种分类算法，也就是根据大量自变量（借贷者信息）对这些记录进行分类（会违约的和不会违约的）。而分类树的功能，简单来说，就是将这些自变量进行一定的配置之后作为树的节点，然后按照二叉树的二分法给出一个分类结果，如果和实际的分类结果差距过大，那就重新调节这个配置，直到和实际结果相差不大为止，但是，单独的决策树经常会遇到过拟合程度太大和准确率太低无法取舍的问题，为此，可以改进为随机森林（Random Forest，简称RF）来解决此题。



上图给出了一个分类树的例子，已知五个记录（分别包含年龄、性别、职业等属性），和分类的结果，我们于是根据这些信息配置一个分类回归树，内结点是分类依据的属性，叶结点是分类的结果，我们需要变更内结点的配置来使得叶结点的分类结果尽量和真实值相同，上例中只有一个内结点年龄，实际上，更加复杂的分类可能会让叶结点包含所有的属性。

### 随机森林的优化：随机化

随机森林为了保证较强的抗过拟合和抗噪声能力，在构建每一棵CART决策树的时候采用了行抽样和列抽样的随机化方法。

**行抽样：**

假设训练集的数据行数为N，对于每一棵CART树，我们从N个原始样本中有放回地随机抽取K个作为单棵树的训练集。

假设随机森林中CART树数目为K ，那么我们通过该办法生成K个独立的训练集用于CART的训练。

对于单独一个样本而言，它在次有放回地随机抽样中都不被抽中的概率是：

当足够大时，该式的结果约等于1/e，即在每一轮行抽样大概有的36.8% 数据始终不会被采集到。

**列抽样：**

假设原始数据集的特征数为，在通过行采样获取每棵CART树的训练集后，随机森林会随机选取m个特征（m<M）训练用于每一棵CART树的生成。

当m越小时，模型的抗干扰性和抗过拟合性越强，但是模型的准确率会下降，因此在实际建模过程中，常需要用交叉验证等方式选择合适的值。

### 实现的思路

我们知道在python的机器学习包中，也有完整的随机森林的学习模块，在sklearn（scikit-learn）之下，为此，我们可以借助python实现上文所述的机器学习方法，同样需要注意的是，随机森林要求真实值不能为空，因此，我们在数据清洗的时候也将所有NaN进行合理的填充，我们同样采用中位数填充法，填充完成后，我们同样使用归一化方法将所有的数据都压缩到0-1之间。

具体的代码和实验结果见第七章。

## XGBoost和LightGBM

### XGboost

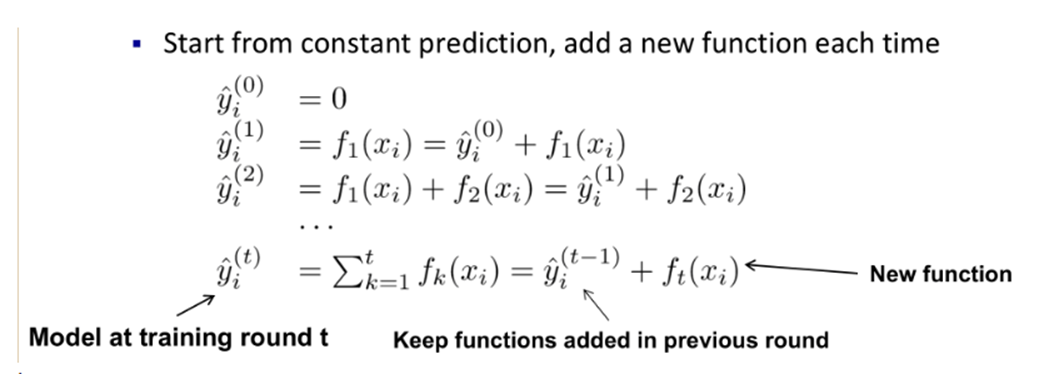
XGboost是Extreme Gradient Boosting （Decision Tree）（极限梯度提升决策树）的简称，和随机森林一样，他也是通过改进单一决策树而来的，不过他的想法不是简单的增加树的数量，而是通过泰勒展开式，对之前决策树的优化过程做一些改进，使得优化更加有效，具体的算法思想如下：

1. 不断地添加树，不断地进行特征分裂来生长一棵树，每次添加一个树，其实是学习一个新函数f(x)，去拟合上次预测的残差。

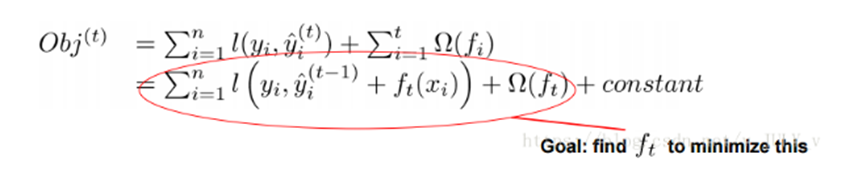
2. 当我们训练完成得到k棵树，我们要预测一个样本的分数，其实就是根据这个样本的特征，在每棵树中会落到对应的一个叶子节点，每个叶子节点就对应一个分数

3. 最后只需要将每棵树对应的分数加起来就是该样本的预测值。

XGboost的关键在于优化误差项，我们这里每一次迭代，都是增加一棵树去拟合之前树的预测结果和真实值之间的残差，如下图所示，一个f(x\_i )可以看作是一个决策树的配置函数。



每一次加入的f(x)可以用泰勒公式近似：



其中，是用户定义的残差。

同时，XGboost还定义了树的复杂度：

其中T是叶子结点的个数，而ω^2表示树上叶子节点的得分w的L2模平方（对w进行L2正则化，相当于针对每个叶结点的得分增加L2平滑，目的是为了避免过拟合），γ和λ是用户自定参数，可以用于调节树复杂度的定义。优化树的配置就是需要优化下面的XGboost目标函数（损失函数揭示训练误差 + 正则化定义复杂度）：

### LightGBM

LightGBM 也是用于改进GBDT的一个算法，全称是light gradient boost machine，相较于XGboost，他其实更加快捷，而且更加适合在较小型的计算机（比如PC机）上运行，在实现中，我们主要实现LightGBM，而XGboost则仅作上文的理论介绍。

比起XGboost，LightGBM的改进点有如下几个：

**直方图算法：**

直方图算法是先把连续的浮点特征值离散化成k个整数，同时构造一个宽度为k的直方图。遍历数据时，根据离散化后的值作为索引在直方图中积累统计量，当遍历一次数据后，直方图积累了需要的统计量，然后根据直方图的离散值，遍历寻找最优的分割点。

**梯度下降的优化：GOSS（Gradient-based One-Side Sampling）**

GOSS是通过区分不同梯度的实例，保留较大梯度实例同时对较小梯度随机采样的方式减少计算量，从而达到提升效率的目的。

只对梯度小的样本进行采样，是因为在提升树训练过程中目标函数学习的就是负梯度（近似残差），梯度小说明训练误差已经很小了，对这部分数据的进一步学习的效果不如对梯度大的样本进行学习的效果好或者说对梯度小的样本进行进一步学习对改善结果精度帮助其实并不大。

**特征合并的优化：EFB（Exclusive Feature Bundling[独立特征合并]）**

EFB是通过特征捆绑的方式减少特征维度（其实是降维技术）的方式来提升计算效率。通常被捆绑的特征都是互斥的（一个特征值为零一个特征值不为零），这样两个特征捆绑起来才不会丢失信息。如果两个特征并不是完全互斥（部分情况下两个特征都是非零值），可以用一个指标对特征不互斥程度进行衡量，称之为冲突比率，当这个值较小时，可以选择把不完全互斥的两个特征捆绑，而不影响最后的精度。

### LightGBM实现

我们借助现有包进行实现，需要注意的是，LightGBM不需要要求所有数据的真实标签已知，因此，我们在数据清洗的时候，即使有一些残留的NaN值也没有很大的关系

代码见第七章。

# 实验与分析

## 逻辑斯蒂回归

我们首先引入需要的包，并且读入数据：

**import** pandas **as** pd

**from** sklearn**.**preprocessing **import** MinMaxScaler

**from** sklearn**.**impute **import** SimpleImputer

FILE\_NAME **=** "preprocess.ipynb"

PARENT\_DIR **=** os**.**path**.**abspath**(**os**.**path**.**join**(**os**.**path**.**dirname**(**FILE\_NAME**),** "."**))**

app\_train **=** pd**.**read\_csv**(** PARENT\_DIR **+** '/data/processed\_train.csv'**)**

app\_test **=** pd**.**read\_csv**(** PARENT\_DIR **+** '/data/processed\_test.csv'**)**

之后我们按照上文所述进行数据预处理，首先读取数据和特征名，然后拷贝一份数据，利用中位数填充缺失值（借助sklearn.impute实现），之后我们再使用sklearn.scaler进行数据归一化，将所有数据压缩到0-1之间，代码如下：

# Drop the target from training data

**if** 'TARGET' **in** app\_train**:**

train **=** app\_train**.**drop**(**columns **=** **[**'TARGET'**])**

**else:**

train **=** app\_train**.**copy**()**

# Feature names

features **=** **list(**train**.**columns**)**

# Copy of the testing data

test **=** app\_test**.**copy**()**

# Median imputation of missing values

imputer **=** SimpleImputer**(**strategy**=**'median'**)**

# Scale each feature to 0-1 (Normalization)

scaler **=** MinMaxScaler**(**feature\_range**=(**0**,**1**))**

# Fit on the training data

imputer**.**fit**(**train**)**

# Transform both training data and testing data

train **=** imputer**.**transform**(**train**)**

test **=** imputer**.**transform**(**app\_test**)**

# Repeate with the scaler

scaler**.**fit**(**train**)**

train **=** scaler**.**transform**(**train**)**

test **=** scaler**.**transform**(**test**)**

**print(**'Training data shape:'**,** train**.**shape**)**

**print(**'Testing data shape:'**,** test**.**shape**)**

之后，如前所述，我们为了估计模型学习的准确率，需要对数据集进行切分，这个步骤需要我们使用sklearn.model\_selection实现，从中调用函数train\_test\_split

**from** sklearn**.**model\_selection **import** train\_test\_split

# 70% training and 30% testing

X\_train**,** X\_test**,** y\_train**,** y\_test **=** train\_test\_split**(**train**,** train\_labels**,** test\_size **=** 0.3**,** stratify **=** train\_labels**)**

X\_train

然后我们调用sklearn中的学习方法LogisticRegression

**from** sklearn**.**linear\_model **import** LogisticRegression

# Make the model with the specified regularization parameter

log\_reg **=** LogisticRegression**()**

log\_reg**.**fit**(**X\_train**,** y\_train**)**

y\_pred **=** log\_reg**.**predict\_proba**(**X\_test**)[:,**1**]**

为了评价我们的学习模型，我们这里设定了ROC曲线下的面积作为评价标准：

ROC曲线是指“接受者操作特性曲线（**R**eceiver **O**perating **C**haracteristic curve）”，又称为感受性曲线（sensitivity curve）。，以被试在不同判断标准下所得的虚报概率fpr(**f**alse **p**ositive **r**ate)为横坐标，以击中概率tpr(**t**rue **p**ositive **r**ate)为纵坐标，画得的各点的连线。假设一个算法根本就是随机的决定分类，那么他的击中概率和虚报概率应该相等，表现在图像上就是在y=x这条一三对角线上，而可用的分类算法，其ROC曲线一定是上凸的（所有点都在y=x之上），最好的分类方法其虚报率为0，击中率为100%（=1）,应该是x=0,y=1这条折线，在这两者之间的话，一个学习模型的ROC曲线越偏向左上方，学习能力越高。

为了定量的评判这个能力，我们可以使用ROC曲线下的面积来度量，sklearn中有专门的模块用于度量曲线下的面积：AUC（**A**rea **U**nder **C**urve）显然，根据之前的论述，曲线下的面积越大，这个模型越好。

我们给出作图的代码：

**from** sklearn**.**metrics **import** roc\_curve

**from** sklearn**.**metrics **import** auc

**import** matplotlib**.**pyplot **as** plt

fpr\_lr**,** tpr\_lr**,** thresholds\_lr **=** roc\_curve**(**y\_test**,** y\_pred**)**

auc\_lr **=** auc**(**fpr\_lr**,** tpr\_lr**)**

plt**.**plot**([**0**,** 1**],** **[**0**,** 1**],** 'k--'**)**

plt**.**plot**(**fpr\_rf**,** tpr\_rf**,** label**=**'LR (area = {:.3f})'**.format(**auc\_rf**))**

plt**.**xlabel**(**'False positive rate'**)**

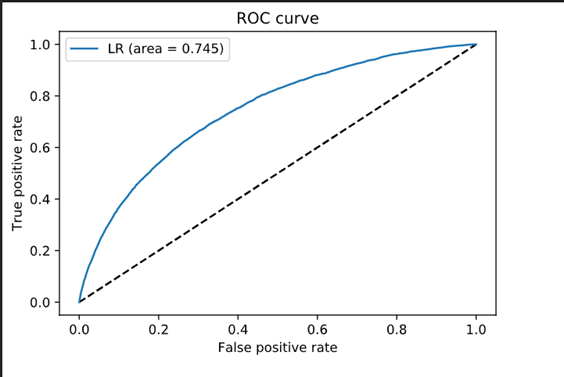
plt**.**ylabel**(**'True positive rate'**)**

plt**.**title**(**'ROC curve'**)**

plt**.**legend**(**loc**=**'best'**)**

plt**.**show**()**

结果：



我们也可以使用LogsiticRegression内置的.score功能给出分类的结果

log\_reg**.**score**(**X\_test**,**y\_test**)**

结果为：

0.9192230147202289

## 随机森林

随机森林的数据清洗过程和7.1的逻辑斯蒂回归是完全一致的，数据集的切分也和7.1保持一致，不相同的地方仅仅在于我们的学习模型在制定的时候指定为sklearn.ensemble下的RandomForestClassifier，如下：

**from** sklearn**.**ensemble **import** RandomForestClassifier

**import** pandas **as** pd

# Make the random forest classifier

random\_forest **=** RandomForestClassifier**()**

# training

random\_forest **=** RandomForestClassifier**()**

random\_forest**.**fit**(**X\_train**,** y\_train**)**

# Extract feature importances

feature\_importance\_values **=** random\_forest**.**feature\_importances\_

feature\_importances **=** pd**.**DataFrame**({**'feature'**:** features**,**

'importance'**:** feature\_importance\_values**})**

# Make predictions on the test data

predictions\_val **=** random\_forest**.**predict\_proba**(**X\_test**)[:,** 1**]**

之后我们用相近的代码进行作图和分数计算

**from** sklearn**.**metrics **import** roc\_curve

**from** sklearn**.**metrics **import** auc

**import** matplotlib**.**pyplot **as** plt

fpr\_rf**,** tpr\_rf**,** thresholds\_rf **=** roc\_curve**(**y\_test**,** predictions\_val**)**

auc\_rf **=** auc**(**fpr\_rf**,** tpr\_rf**)**

plt**.**plot**([**0**,** 1**],** **[**0**,** 1**],** 'k--'**)**

plt**.**plot**(**fpr\_rf**,** tpr\_rf**,** label**=**'RF (area = {:.3f})'**.format(**auc\_rf**))**

plt**.**xlabel**(**'False positive rate'**)**

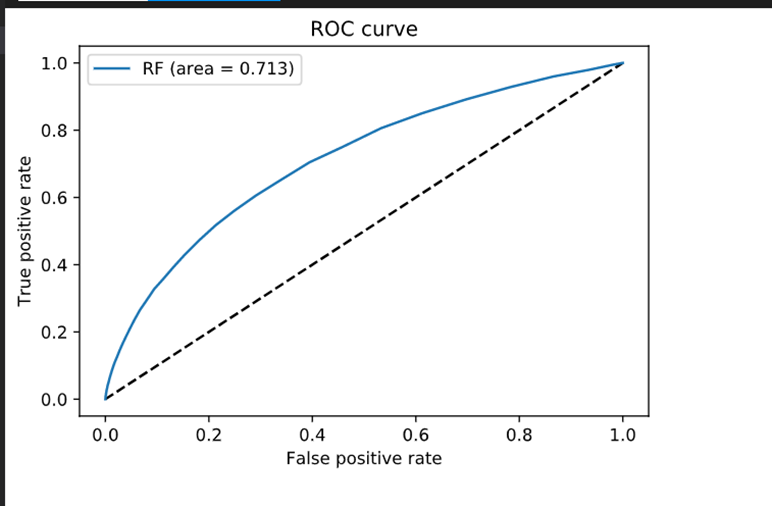
plt**.**ylabel**(**'True positive rate'**)**

plt**.**title**(**'ROC curve'**)**

plt**.**legend**(**loc**=**'best'**)**

plt**.**show**()**

图像如下：



计分的函如下：

random\_forest**.**score**(**X\_test**,**y\_test**)**

结果为：

0.9192338543586186

可以看到，随机森林在单纯的ROC作图上似乎不如简单的逻辑斯蒂回归，但是其得分更高，也许是因为随机森林在面对一些阈值比较极端的情况下其效果不如逻辑斯蒂回归（鲁棒性不够），表现在ROC的图像上就是曲线的两段和对角线比较接近，所以才会出现面积小于逻辑斯蒂回归的情况。

## LightGBM

LightGBM的实现相对来说更加复杂，因为在经典的机器学习模型sklearn之中，并没有提供lightgbm模型，所以我们需要另外引入lightgbm包，同时，在度量学习效果的时候，我们仍然需要借助sklearn中的度量模块（sklearn.metrics），这就需要注意这两个模块的函数的兼容问题，下文中我们会在度量结果这章中详细说明。

### 模型搭建

我们定义一个lightgbm的封装模块model,这个封装模块需要的参数是features、test\_features,也就是测试集和训练集，这里我们同时引入交叉校验模块，让训练更加有效，交叉校验的分组默认是五组，另外，在给变量分类的时候，我们使用的编码方式默认是独热码（one-hot-encoding，encoding = ‘ohe’），也可以改成顺序标签编码（‘le’），不过效果应该是独热码比较好。

搭建模型的思路如下：首先我们将数据记录的预测目标和身份标识号（‘SK\_ID\_CURR’）和预测目标（因变量‘TARGET’）取出，然后我们将余下的数据进行独热码或者顺序编码，这样算完成了数据预处理。之后我们创建交叉校验的KFold，从训练的数据集中随机抽取一部分做训练集（如果是默认的KFold= 5,则抽取的是4/5）,余下的（默认是1/5）,做测试集，通过lgb.LGBMClassifier进行训练，重复这个“训练、测试”的过程（如果是默认的切分率，那么要重复五次，来确保每个数据都被训练和测试到），分别记录测试的结果（结果也会打印在屏幕上），我们寻找最好的测试结果，保留此时的模型配置，然后以这个配置对用户给出的测试集做预测，然后给出结果（返回submission）,以及一些运行结果的参数（最优情况下的正确率），以及每个单独的属性对预测结果的影响。

代码如下（绿色汉字对于代码的内容作了分割）：

**def** model**(**features**,** test\_features**,** encoding **=** 'ohe'**,** n\_folds**=** 5**):**

"""Train and test a light gradient boosting model using

cross validation.

Parameters

--------

features (pd.DataFrame):

dataframe of training features to use

for training a model. Must include the TARGET column.

test\_features (pd.DataFrame):

dataframe of testing features to use

for making predictions with the model.

encoding (str, default = 'ohe'):

method for encoding categorical variables. Either 'ohe' for one-hot encoding or 'le' for integer label encoding

n\_folds (int, default = 5): number of folds to use for cross validation

Return

--------

submission (pd.DataFrame):

dataframe with `SK\_ID\_CURR` and `TARGET` probabilities

predicted by the model.

feature\_importances (pd.DataFrame):

dataframe with the feature importances from the model.

valid\_metrics (pd.DataFrame):

dataframe with training and validation metrics (ROC AUC) for each fold and overall.

"""

# Extract the ids

train\_ids **=** features**[**'SK\_ID\_CURR'**]**

test\_ids **=** test\_features**[**'SK\_ID\_CURR'**]**

# Extract the labels for training

labels **=** features**[**'TARGET'**]**

# Remove the ids and target

features **=** features**.**drop**(**columns **=** **[**'SK\_ID\_CURR'**,** 'TARGET'**])**

test\_features **=** test\_features**.**drop**(**columns **=** **[**'SK\_ID\_CURR'**])**

##数据读入部分如上------------------------------------------

# One Hot Encoding

**if** encoding **==** 'ohe'**:**

features **=** pd**.**get\_dummies**(**features**)**

test\_features **=** pd**.**get\_dummies**(**test\_features**)**

# Align the dataframes by the columns

features**,** test\_features **=** features**.**align**(**test\_features**,** join **=** 'inner'**,** axis **=** 1**)**

# No categorical indices to record

cat\_indices **=** 'auto'

# Integer label encoding

**elif** encoding **==** 'le'**:**

# Create a label encoder

label\_encoder **=** LabelEncoder**()**

# List for storing categorical indices

cat\_indices **=** **[]**

# Iterate through each column

**for** i**,** col **in** **enumerate(**features**):**

**if** features**[**col**].**dtype **==** 'object'**:**

# Map the categorical features to integers

features**[**col**]** **=** label\_encoder**.**fit\_transform**(**np**.**array**(**features**[**col**].**astype**(str)).**reshape**((-**1**,)))**

test\_features**[**col**]** **=** label\_encoder**.**transform**(**np**.**array**(**test\_features**[**col**].**astype**(str)).**reshape**((-**1**,)))**

# Record the categorical indices

cat\_indices**.**append**(**i**)**

# Catch error if label encoding scheme is not valid

**else:**

**raise** **ValueError(**"Encoding must be either 'ohe' or 'le'"**)**

**print(**'Training Data Shape: '**,** features**.**shape**)**

**print(**'Testing Data Shape: '**,** test\_features**.**shape**)**

## 编码处理部分如上--------------------------------------

# Extract feature names

feature\_names **=** **list(**features**.**columns**)**

# Convert to np arrays

features **=** np**.**array**(**features**)**

test\_features **=** np**.**array**(**test\_features**)**

# Create the kfold object

k\_fold **=** KFold**(**n\_splits **=** n\_folds**,** shuffle **=** **True,** random\_state **=** 50**)**

# Empty array for feature importances

feature\_importance\_values **=** np**.**zeros**(len(**feature\_names**))**

# Empty array for test predictions

test\_predictions **=** np**.**zeros**(**test\_features**.**shape**[**0**])**

# Empty array for out of fold validation predictions

out\_of\_fold **=** np**.**zeros**(**features**.**shape**[**0**])**

# Lists for recording validation and training scores

valid\_scores **=** **[]**

train\_scores **=** **[]**

## 创建交叉校验模型如上-----------------------------------

# Iterate through each fold

**for** train\_indices**,** valid\_indices **in** k\_fold**.**split**(**features**):**

# Training data for the fold

train\_features**,** train\_labels **=** features**[**train\_indices**],** labels**[**train\_indices**]**

# Validation data for the fold

valid\_features**,** valid\_labels **=** features**[**valid\_indices**],** labels**[**valid\_indices**]**

# Create the model

model **=** lgb**.**LGBMClassifier**(**n\_estimators**=**10000**,** objective **=** 'binary'**,**

class\_weight **=** 'balanced'**,** learning\_rate **=** 0.05**,**

reg\_alpha **=** 0.1**,** reg\_lambda **=** 0.1**,**

subsample **=** 0.8**,** n\_jobs **=** **-**1**,** random\_state **=** 50**)**

# Train the model

model**.**fit**(**train\_features**,** train\_labels**,** eval\_metric **=** 'auc'**,**

eval\_set **=** **[(**valid\_features**,** valid\_labels**),** **(**train\_features**,** train\_labels**)],**

eval\_names **=** **[**'valid'**,** 'train'**],** categorical\_feature **=** cat\_indices**,**

early\_stopping\_rounds **=** 100**,** verbose **=** 200**)**

## 模型多次训练如上---------------------------------------

# Record the best iteration

best\_iteration **=** model**.**best\_iteration\_

# Record the feature importances

feature\_importance\_values **+=** model**.**feature\_importances\_ **/** k\_fold**.**n\_splits

# Make predictions

test\_predictions **+=** model**.**predict\_proba**(**test\_features**,** num\_iteration **=** best\_iteration**)[:,** 1**]** **/** k\_fold**.**n\_splits

# Record the out of fold predictions

out\_of\_fold**[**valid\_indices**]** **=** model**.**predict\_proba**(**valid\_features**,** num\_iteration **=** best\_iteration**)[:,** 1**]**

# Record the best score

valid\_score **=** model**.**best\_score\_**[**'valid'**][**'auc'**]**

train\_score **=** model**.**best\_score\_**[**'train'**][**'auc'**]**

valid\_scores**.**append**(**valid\_score**)**

train\_scores**.**append**(**train\_score**)**

# Clean up memory

gc**.**enable**()**

**del** model**,** train\_features**,** valid\_features

gc**.**collect**()**

## 记录最优结果和最优配置如上------------------------------

# Make the submission dataframe

submission **=** pd**.**DataFrame**({**'SK\_ID\_CURR'**:** test\_ids**,** 'TARGET'**:** test\_predictions**})**

# Make the feature importance dataframe

feature\_importances **=** pd**.**DataFrame**({**'feature'**:** feature\_names**,** 'importance'**:** feature\_importance\_values**})**

# Overall validation score

valid\_auc **=** roc\_auc\_score**(**labels**,** out\_of\_fold**)**

# Add the overall scores to the metrics

valid\_scores**.**append**(**valid\_auc**)**

train\_scores**.**append**(**np**.**mean**(**train\_scores**))**

# Needed for creating dataframe of validation scores

fold\_names **=** **list(range(**n\_folds**))**

fold\_names**.**append**(**'overall'**)**

# Dataframe of validation scores

metrics **=** pd**.**DataFrame**({**'fold'**:** fold\_names**,**

'train'**:** train\_scores**,**

'valid'**:** valid\_scores**})**

## 创建返回值如上---------------------------------------

**return** submission**,** feature\_importances**,** metrics

### 数据读入和训练

用和7.1、7.2一样的方法读入数据，但是，如前所述，lightgbm不要求数据没有缺失值，于是我们不必用中位数填充，也不需要对数据进行归一化。

之后和7.1、7.2一致，我们也是把数据划分为70%用于训练，30%用于测试。（注意这里的划分不同于7.3.1训练过程中的KFold的划分，KFold的划分是暂时的，最终每个数据都会被训练和测试，但是这里的划分中，后30%的数据从未被训练到，是直接用于预测和检验模型的可靠性的）不过，我们这里不用之前使用的sklearn.model\_selection. train\_test\_split实现分割，而是使用更加直接的numpy的数据选择方法，理由是，sklearn的模型会自动把数据的标签（预测值‘TARGET’）和其他值分开，但是我们是在7.3.1定义的模型“model”中完成这步操作的，所以如果用sklearn.model\_selection.train\_test\_split的话，会由于新的数据在model中找不到‘TARGET’而报错，于是我们使用numpy的数据选取方法即可：

num\_train **=** **int(**app\_train**.**shape**[**0**]** **\*** 0.7**)**

X\_train **=** app\_train**[:**num\_train**]**

X\_test **=** app\_train**[**num\_train**:]**

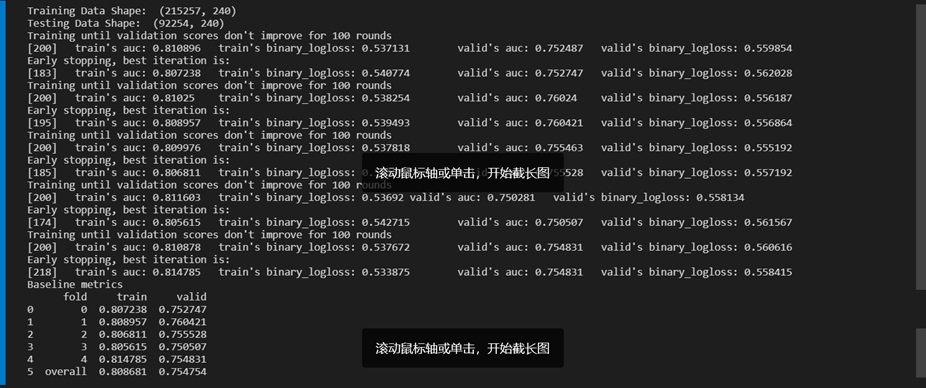
X\_train

submission**,** fi**,** metrics **=** model**(**X\_train**,** X\_test**)**

**print(**'Baseline metrics'**)**

**print(**metrics**)**

实验结果：



最终的实验结果大概在75%-80%之间，表示对于模型对于训练集的拟合优度。

### 模型测试

为了得到模型对于测试集的拟合优度，也就是模型真正的准确率，我们同样采用上文的ROC曲线的方法，代码如下：

**from** sklearn**.**metrics **import** roc\_curve

**from** sklearn**.**metrics **import** auc

**import** matplotlib**.**pyplot **as** plt

fpr\_lgbm**,** tpr\_lgbm**,** thresholds\_lgbm **=** roc\_curve**(**X\_test**[**'TARGET'**],** submission**[**'TARGET'**])**

auc\_lgbm **=** auc**(**fpr\_lgbm**,** tpr\_lgbm**)**

plt**.**plot**([**0**,** 1**],** **[**0**,** 1**],** 'k--'**)**

plt**.**plot**(**fpr\_lgbm**,** tpr\_lgbm**,** label**=**'LGBM (area = {:.3f})'**.format(**auc\_lgbm**))**

plt**.**xlabel**(**'False positive rate'**)**

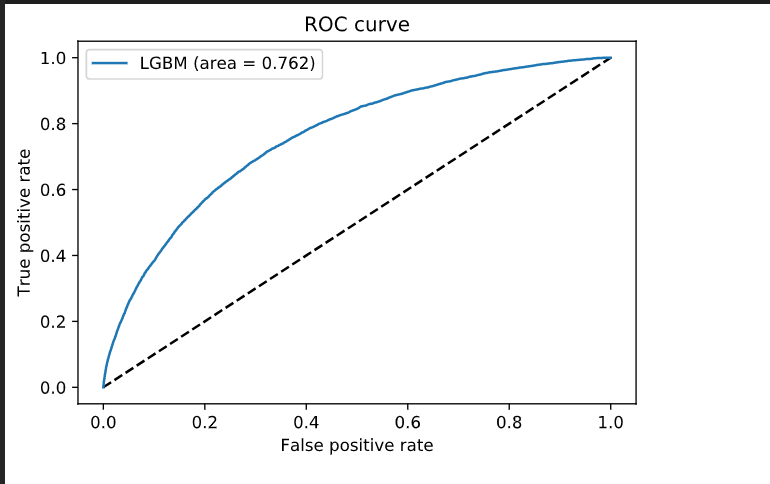
plt**.**ylabel**(**'True positive rate'**)**

plt**.**title**(**'ROC curve'**)**

plt**.**legend**(**loc**=**'best'**)**

plt**.**show**()**

结果：



发现lightgbm的效果比起随机森林和逻辑斯蒂确实好一点，说明模型抗过拟合的能力要高很多。

### 特征重要性

我们打印模型中的fi，这里列出了每个属性对于最后的违约与否的贡献度，贡献度越大，说明这个属性越能够决定这名借款人是否违约。我们使用如下的代码画出图像，首先做一个直观的认识。

**import** matplotlib**.**pyplot **as** plt

fi\_x **=** fi**[**'feature'**]**

fi\_y **=** fi**[**'importance'**]**

plt**.**plot**([**0**,** 1**],** **[**0**,** 1**],** 'k--'**)**

plt**.**plot**(**fi\_x**,** fi\_y**)**

plt**.**title**(**'feature importance'**)**

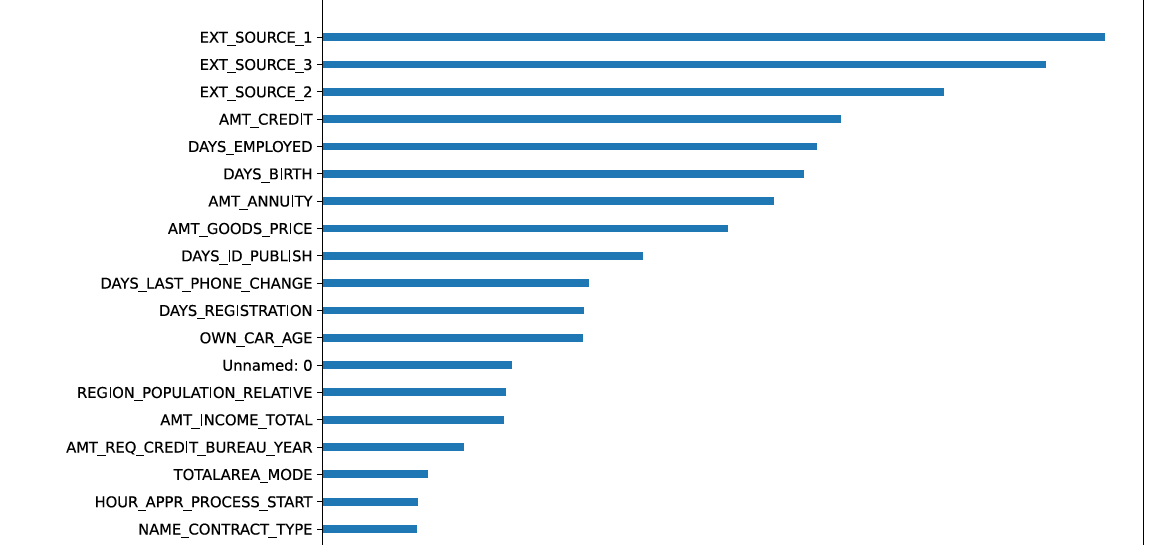
plt**.**xticks**(**rotation**=**90**)**

plt**.**xticks**(**fontsize**=** 1**)**

plt**.**savefig**(**'featrue importance.png'**)**

plt**.**show**()**

部分结果如下：



详细结果可以查看fi.pdf文件。

# 结论与展望

本实验通过三种不同的学习模式，完成了对于银行风险管理的研究，在完成了特征工程之后，最终模型的学习效果比较好，可以满足比较基础的预测工作，同时，在lightgbm中，我们也给出了一个含有经济意义的预测模型，指出了哪些特征对于借款人违约与否有较大的影响，银行在管理借款时可以额外注意。

实验中，模型的准确率其实可以进一步提升，因为我们在使用各个模型进行学习的时候，各个模型的参数没有经过严格的调整，大多数都是使用了推荐值，因此，下一步的实验可以设计程序调节各个学习模型的参数，研究一下这些参数和模型学习结果的关系，这将进一步提高我们预测借款人是否会违约的精度。

# 参考