mRNA genes as max trans in sample Cell Type Expression:(top transcripts per gene) filled by category of transcript cell-type JSD(0.6) specificity of A549.longNonPolyA A549.longPolyA 0.20 0.6 0.15 0.4 0.10 0.2 0.05 0.0 0.00 AG04450.longNonPolyA AG04450.longPolyA 0.25 0.20 0.20 0.15 0.15 0.10 0.10 0.05 0.05 0.00 0.00 BJ.longNonPolyA BJ.longPolyA 0.20 0.6 0.15 0.4 0.10 0.2 0.05 0.00 0.0 GM12878.longNonPolyA GM12878.longPolyA 0.20 0.20 0.15 0.15 0.10 0.10 0.05 0.05 0.00 0.00 H1.HESC.longNonPolyA H1.HESC.longPolyA 0.20 0.20 0.15 0.15 0.10 0.10 0.05 0.05 0.00 0.00 HELA.S3.longNonPolyA HELA.S3.longPolyA 0.20 0.3 0.15 0.2 0.10 0.1 0.05 0.00 0.0 HEPG2.longNonPolyA HEPG2.longPolyA 0.20 0.2 0.15 0.10 0.1 0.05 0.00 0.0 HMEC.longNonPolyA HMEC.longPolyA 0.5 0.20 0.4 0.15 0.3 0.10 0.2 0.05 0.1 jsdCat density 0.00 0.0 cell-type-other HSMM.longNonPolyA HSMM.longPolyA cell-type-this 0.20 none 0.15 0.2 0.10 0.1 0.05 0.0 0.00 HUVEC. Iong Non Poly AHUVEC.longPolyA 0.20 0.4 0.15 0.3 0.10 0.2 0.05 0.1 0.00 0.0 K562.longPolyA K562.longNonPolyA 0.20 0.20 0.15 0.15 0.10 0.10 0.05 0.05 0.00 0.00 MCF.7.longNonPolyA MCF.7.longPolyA 0.20 0.20 0.15 0.15 0.10 0.10 0.05 0.05 0.00 0.00 NHEK.longNonPolyA NHEK.longNonPolyA.1 0.25 0.20 0.20 0.15 0.15 0.10 0.10 0.05 0.05 0.00 0.00 NHEK. Iong Poly ANHEK.longPolyA.1 0.20 0.20 0.15 0.15 0.10 0.10 0.05 0.05 0.00 0.00 NHLF. long Non Poly ANHLF.longPolyA 0.20 1.0 0.15 0.10 0.5 0.05 0.0 0.00 ${\sf SK.N.SH_RA.longNonPolyA}$ ${\sf SK.N.SH_RA.longPolyA}$ 0.25 0.3 0.20 0.15 0.2 0.10 0.1 0.05 0.0 0.00 -5 0 -10 -5 -10 log(value)