mRNA genes as max trans in sample Cell Type Expression:(top transcripts per gene) filled by category of transcript cell-type specificity of A549.longNonPolyA A549.longPolyA 0.20 0.6 0.15 0.4 0.10 0.2 0.05 0.00 0.0 AG04450.longNonPolyA AG04450.longPolyA 0.25 0.20 0.20 0.15 0.15 0.10 0.10 0.05 0.05 0.00 0.00 BJ.longPolyA BJ.longNonPolyA 0.20 0.6 0.15 0.4 0.10 0.2 0.05 0.00 0.0 GM12878.longNonPolyA GM12878.longPolyA 0.20 0.20 0.15 0.15 0.10 0.10 0.05 0.05 0.00 0.00 H1.HESC.longNonPolyA H1.HESC.longPolyA 0.20 0.20 0.15 0.15 0.10 0.10 0.05 0.05 0.00 0.00 HELA.S3.longNonPolyA HELA.S3.longPolyA 0.20 0.2 0.15 0.10 0.1 0.05 0.00 0.0 HEPG2.longNonPolyA HEPG2.longPolyA 0.20 0.20 0.15 0.15 0.10 0.10 0.05 0.05 0.00 0.00 HMEC.longNonPolyA HMEC.longPolyA 0.6 0.20 0.15 0.4 0.10 0.2 0.05 ctsCat density 0.0 0.00 cell-type-other HSMM.longNonPolyA HSMM.longPolyA cell-type-this 0.20 none 0.2 0.15 0.10 0.1 0.05 0.0 0.00 HUVEC. Iong Non Poly AHUVEC.longPolyA 0.20 0.3 0.15 0.2 0.10 0.1 0.05 0.00 0.0 K562.longNonPolyA K562.longPolyA 0.20 0.20 0.15 0.15 0.10 0.10 0.05 0.05 0.00 0.00 MCF.7. Iong Non Poly AMCF.7.longPolyA 0.20 0.20 0.15 0.15 0.10 0.10 0.05 0.05 0.00 0.00 NHEK.longNonPolyA NHEK.longNonPolyA.1 0.3 0.20 0.15 0.2 0.10 0.1 0.05 0.0 0.00 NHEK.longPolyA NHEK.longPolyA.1 0.20 0.20 0.15 0.15 0.10 0.10 0.05 0.05 0.00 0.00 NHLF.longNonPolyA NHLF.longPolyA 0.20 1.0 0.15 0.10 0.5 0.05 0.0 0.00 ${\sf SK.N.SH_RA.longNonPolyA}$ ${\sf SK.N.SH_RA.longPolyA}$ 0.3 0.2 0.2 0.1 0.1 0.0 0.0 -5 -10 0 -10 -5 log(value)