<del>-</del> -	=		
31 A E N L	N L W V T V Y Y G V P V W K D A E T T L F C A S D A K A Y E T E K H N V W A T H A C V F	PTDPNPQEIHLENVTEEFNI	MWKNNMVEQMHTDIIS LWDQ
	egge _ eg - e - e - e - e - e - e - e - e - e		
	KPCVKLTPLCVTLQCTNVTNNITDDMRGELKNCSFNMTTELRDK		
	201 231 241 ITQACPKVSFEPIPIHYCAPAGFAILKCKDKKFNGTGPCPSVST		
	**************************************		
	LVQFNTPVQINCTRPNNNTRKSIRIGPGQAFYATGDIIGDIRQA		
DLEV	2372 EVTTHSFNCGGEFFYCNTSGLFNSTWISNTSVQGSNSTGSNDSI		33 M Y A P P I Q G V Î R C V S N I T G L
453	TRDGGSTNSTTETFRPGGGDMRDNWRSELYKYKVVKIEPLGVAF		
ILTR ≝ <u></u> _=	TRDGGSTNSTTETFRPGGGDMRDNWRSELYKYKVVKIEPLGVAF		
 L T V Q	VQARNLLSGIVQQQSNLLRAIEAQQHLLKLTVWGIKQLQARVLA		AXIII FIT
	623 633 663 WDNMTWLQWDKEISNYTQIIYGLLEESQNQQEKNEQDLLALDKW		