

Estimated Mutation Proportion
for U.S. Population (%)

1.5
1.0
0.5
0.0

Estimated Number of New Cases In 2023
With Acquired Glycine Mutations In U.S.

30000
25000
20000
15000
10000
5000
0

SPOP (Trp 131)
EEF1B2 (Ser 43)
ESR1 (Asp 538)
PIK3CA (Glu 545)
ERBB3 (Glu 928)
ZNF578 (Ser 283)
PTEN (Arg 130)
FOXA1 (Arg 261)
FBXW7 (Arg 505)
NBPF8 (Glu 3579)
TP53 (Arg 280)
SMG1 (Ser 12)
NFE2L2 (Arg 34)
TP53 (Arg 249)
TPTE2 (Glu 51)
ZNF93 (Arg 533)
PIK3CA (Val 344)
PAX5 (Val 26)
NBPF3 (Glu 413)
CTNNB1 (Asp 32)
BRAF (Asp 594)
ARID5B (Ala 1009)
TP53 (Arg 175)
TP53 (Ser 215)
TP53 (Glu 286)
OVGP1 (Ser 536)
IDH1 (Arg 132)
CER1 (Ala 65)
CEP57 (Arg 448)
MCAT (Ala 303)
STAT6 (Asp 419)
IL22RA1 (Arg 518)
CLCN6 (Glu 198)
COQ3 (Ser 272)
CTSW (Ser 139)
DLK1 (Arg 101)
HOXB1 (Glu 265)
NAGLU (Arg 737)
PYY (Arg 37)
RARGEF3 (Arg 193)
WDR34 (Trp 60)
NBEAL2 (Arg 511)
ADAMTS19 (Ser 367)
CSRP2BP (Val 400)
FAT3 (Ser 3812)
KCNK17 (Ser 21)
C9ORF66 (Arg 231)
KCNK3 (Asp 63)
KRT77 (Arg 533)
BCL6 (Ala 587)

Top 50 Point Mutations