UNIDAD TEMÁTICA 2 - ARBOLES GENÉRICOS, TRIES y ARBOLES B

Prácticos Domiciliarios Individuales - 6

Referencia: Tries de Sufijos, Trabajos de Aplicación 2,3, 4 y 5, Prácticos domiciliarios 1-5.

EJERCICIO 1

Se desea utilizar un árbol de sufijos para reconocer patrones en una secuencia de ADN.

En este caso, el "alfabeto" está integrado por los caracteres "a", "c", "g" y "t"

Se desea:

- 1- Diseña una estructura de datos apropiada para representar un nodo de este trie, para este alfabeto.
- 2- construye un árbol de sufijos para la siguiente secuencia de ADN :

"ccttgacttgc"

- 3- Escribe en seudocódigo un algoritmo que permita indicar si un cierto patrón (una string de caracteres del alfabeto definido) se encuentra contenido en el texto
- 4- Demuestra la ejecución del algoritmo manualmente, utilizando el trie de sufijos creado en 2., para el patrón "ct"
- 5- Extiende el algoritmo para indicar todas las posiciones del texto en que comience el patrón.
- 6- Demuestra la ejecución (manualmente), para el patrón "tg"
- 7- ¿Cuál es el orden del tiempo de ejecución de este algoritmo? (justifícalo)
- 8- Desarrolla y dibuja el TRIE COMPRIMIDO correspondiente.
- 9- ¿CÓMO EXTENDERÍAS LA ESTRUCTURA DEFINIDA, PARA SOPORTAR CUALQUIER ALFABETO ALFANUMÉRICO?

EJERCICIO 2

Se desea determinar la ocurrencia de cierto marcador genómico (patrón) en una secuencia de ADN determinada.

La secuencia en cuestión se encuentra adjunta en el documento "secuencia.txt"

En este caso, el "alfabeto" correspondiente al problema tiene los siguientes caracteres: "a", "c", "g" y "t"

Se debe:

- 1- Desarrollar un programa java que, partiendo de la estructura diseñada en el Ejercicio 1:
 - A partir de la secuencia, construya todos los sufijos correspondientes
 - Inserte todas las cadenas resultantes en un trie
 - Indique las posiciones en que aparecen los siguientes fragmentos (marcadores, patrones) en la secuencia de ADN:
 - a. ccta
 - b. ggtca
 - c. aacct