

Practice 1

Anastasia Hernández y Alán Muñoz

February 15, 2016

Práctica 1

- 2.1) Ejemplo de aminoácido con cadena lateral aromática
- 2.2) Ejemplo de aminoácido con cadena lateral chica
- 2.3) Ejemplo de giro en torno a los ángulos ϕ/ψ de un residuo seleccionado, que pasa cuando si sus vecinos tienen cadenas laterales voluminosas?
- 2.4) Ejemplo de puentes de hidrógeno entre residuos de una alfa-hélice y entre hojas de una lámina beta. Desde el punto de vista algorítmico, cuál de los estados de estructura secundaria les parece más difícil de programar?
- 2.5) Ejemplo de residuo hidrofóbico expuesto y luego correctamente “enterrado” tras operaciones con los vecinos.
- 2.6) Ejemplo de conformaciones distintas con puntuaciones similares, para hacer patente el problema de evaluar lo correcto de una conformación.
- 2.7) De acuerdo con http://eead-csic-compbio.github.io/bioinformatica_estructural/node17.html calcula el tiempo que llevaría explorar todas las conformaciones posibles de uno de los péptidos o proteínas que utilicen en los puzzles.