Introduction à R





logiciel R : gratuit et « open-source »

Utilisations principales

- Analyse statistique
- Visualisation de données
- Développement de modèles prédictifs

Communauté et extensions

- Communauté active et collaborative
- Plus de 15,000 packages disponibles sur le CRAN (Comprehensive R Archive Network)
- Extensions pour des domaines spécifiques (bio-informatique, économétrie, etc.)

Interfaçage et intégration

- Compatible avec d'autres langages (C, C++, Python)
- Peut être utilisé dans divers IDEs (RStudio, Jupyter Notebook)

Visualisation de données

- Création de graphiques avancés
- Support pour ggplot2, plotly et d'autres librairies graphiques

Recherche et enseignement

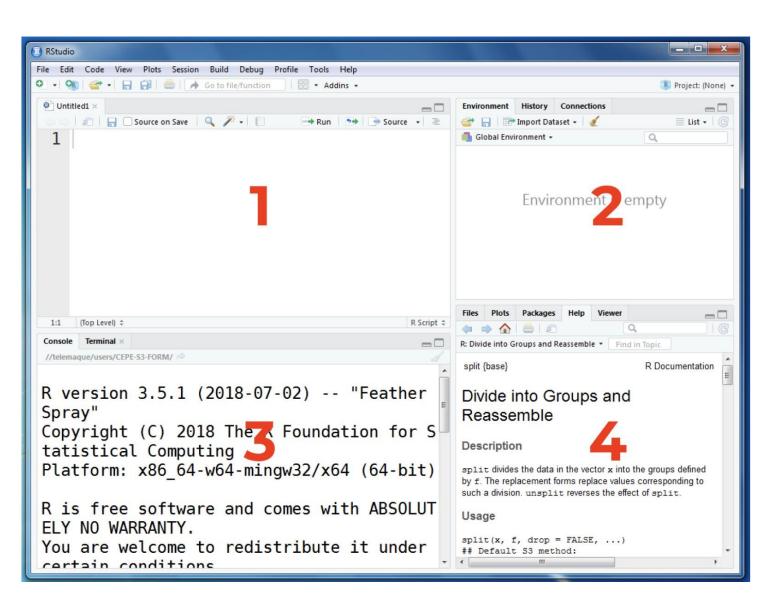
- Largement adopté dans la recherche académique
- Ressources pédagogiques abondantes pour l'apprentissage

Réplicabilité et transparence

- Code source ouvert pour une science reproductible
- Documentation exhaustive et tutoriels



L'interface de RStudio

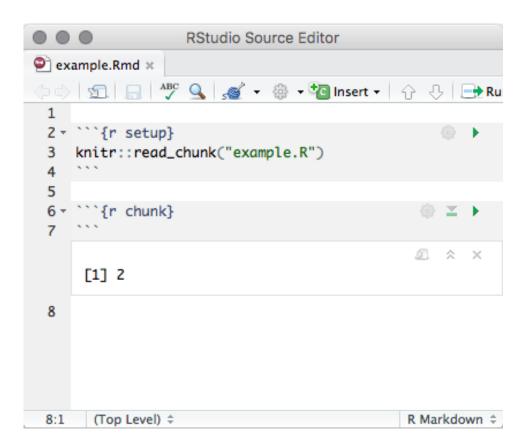


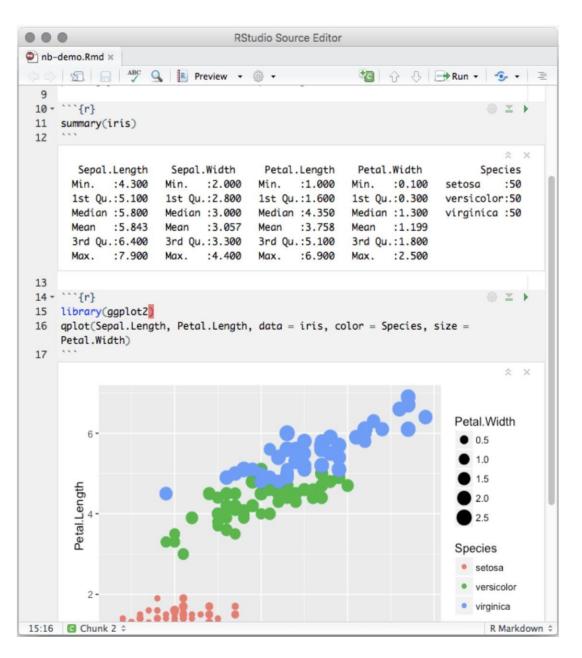
RStudio est divisé en 4 quadrants :

- 1. Éditeur de texte, de codes, etc.
- 2. Espace de travail, historique, importation, etc.
- 3. Console
- 4. Visualisations, aide

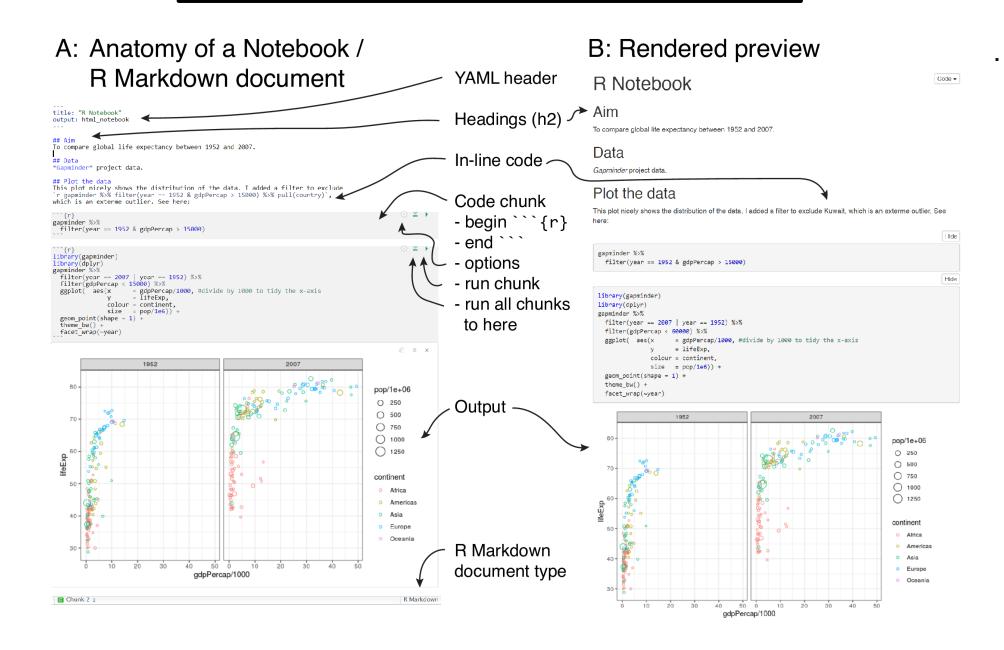
R Notebook

- Document R Markdown interactif
- Contient des blocs de code exécutables
- Exécution indépendante et interactive des codes
- Résultats immédiatement affichés sous le code



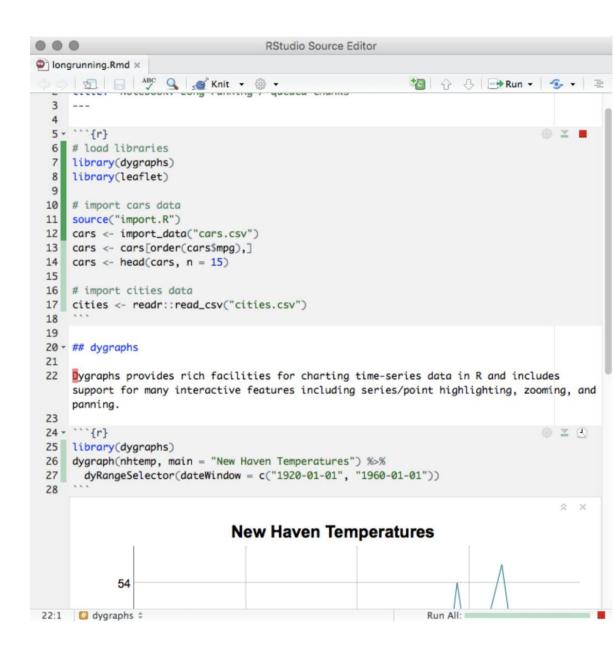


Notebook



Les chunks

- •**Définition**: Un chunk, ou bloc de code, est une portion de code R encadrée par des marqueurs spécifiques dans un document R Markdown ou R Notebook.
- Fonctionnalité : Permet l'exécution de code R directement dans le document, offrant ainsi des résultats interactifs et immédiats.
- •Structure: Délimité par des signes {r} au début et des signes } à la fin. Les options de chunk peuvent être ajoutées entre les accolades pour contrôler le comportement de l'exécution, comme l'affichage des résultats, des messages, des avertissements, etc.
- •Interactivité: Les chunks permettent aux utilisateurs de tester des variations de code rapidement sans avoir à recompiler l'ensemble du document, facilitant ainsi le développement itératif et l'exploration de données.
- •Intégration : Les résultats de l'exécution, qu'ils soient des graphiques, des tableaux ou du texte simple, sont affichés juste après le chunk de code, intégrant ainsi analyses et conclusions dans un flux de travail fluide et documenté.



Les packages

- **Définition**: Un package en R est une collection de fonctions, de données et de code compilé qui sont étendus à partir du logiciel R de base, permettant aux utilisateurs d'effectuer des tâches spécialisées et complexes.
- Installation: Les packages peuvent être installés depuis le Comprehensive R Archive Network (CRAN), GitHub, ou d'autres sources, en utilisant des commandes telles que install.packages("nom_du_package").
- **Utilisation**: Après installation, un package peut être chargé dans l'environnement R avec la commande **library(nom_du_package)**.
- Exemples courants :
 - ggplot2 pour la visualisation de données avancée.
 - dplyr pour la manipulation de données.
- Mise à jour : Les packages peuvent être mis à jour avec la commande update.packages() pour assurer la compatibilité et l'accès aux dernières fonctionnalités.
- **Communauté**: Le développement de packages est soutenu par une large communauté de développeurs et de scientifiques qui contribuent constamment à l'enrichissement de l'écosystème R.