Polietes lardarius

Taxonomic lineage: Brachycera > Muscomorpha > Muscoidea > Muscidae > Polietes

Assembly: GCA_965226705.1_idPolLara1.hap1.1_genomic

Pol_lar1 | OZ245704.1:212016493-212016947 (-) | 455 nt | lncRNA:noe consensus e-value: NA

5' motif: GCGGT 3' motif: ATCGC Internal max. Poly-T: 3nt Trailing-T: 6nt PSE: 0.96

```
GGCGGTTCGAAAGCCTCTTCCTGAGAGGGTTGCTCGCATCCCCTTCAAATTGCGCTAGAAAGACACACAATTGGATGTACATCGGAAACGCCAGTTGTGTTGTTCCATTCCATTCCATTCTCACTACTCTTCCTCCAAACACACGCAAAA
AGGTCTTAACGACACTCGAACGAACGAACACAAAATAAAACCAAAATTCTTCACATTCTCAAAAACACACTCACTCACACTCACACAAAAACACACTATTCAGAACACACACACACTAGAAAAAGAAATAATTGAATTCTTCTCT
CCCAATTTCTCTCATCATTCATCCAATCGCATCTTCTGATTCAAGATTCTTTCACAAAAACAAATGTGCGCCTCAATTGAAAACAAAAATTAGGCAAAATTCGCAATGACAAAAAATCCGAAGAGGCTGGAAAAACAAGTGATCGCCACT
TTTTT
```

```
Pol_lar1          -----actaccacattcgcggcgcgatcctttttcatTATAATTCTCATATACATTTTCcataaaagtttggtttaaataggactttttaagcttaagctatt-----
Arthropod_7SK     -----taccaacggaacacaccccatttcatccggtgtgTATACTTCGCATATACGTTTTCcgccaaagttacctatatatacaacccaccacaagtagaccggc-----
U6                acacccgtcgttccgccgttggatggttgtaaaataatgtAATAATTCTCATATGTAATTTTcgaaaataatatacaaatacaaatgtgcttgagtctc----------
U6                ----atcgcttattttcaaataacatagtccagtttttttAAAATTCTCATATGCGTTTTCgcttaaatgtaagtacaaataggatctttagagtgatatactc------
U6                ----ttcacttattttcaaaacattattccaatctctTTAAATTCTCATATGCGTTTTCcacttaaatgtaagtacaaataggatctttagagtgaatctctactc------
U6                ----cttcaatgtctgaagtatacattagagcaatttctTAAAATTCTCATATGCGTTTTCctttaaatgttagtacatatagaaactttatgaaccgtactt------
U6                ----ttcgattctattttgctttcaaataccagtgtctTAAAATTCTCATATGCGTTTTCgcttaaatgtaagtacaaataggatctttagtgtgttatactc------
U6                ----cttattttcaaataacataatccaatttttttttTAAAATTCTCATATGCGTTTTCgcttaaatgtaagtacaaataactcttcattaagatatgacactc------
U6                ----cacctgtttttttcatattattattccaatgtctTCAAATTCTCATATGCGTTTTCgcttaaatgtaagtacaaatagagactttaagagtagaacactc------
U6                ----tcgcttatttcaaataacatagtccagtttttttAAAATTCTCATATGCGTTTTCgcttaaatgtacgtacaaatagagactttaagagtagaacactc------
U6                ----ttcacttattttcatattattatttccaatgtctTCAAATTCTCATATGCGTTTTCgcttaaatgtacgtacaaatagattcataagagtagaaacaccc------
U6                ----tcacttattttcatattattaatttccaatctctTAAAATTCTCATATGCGTTTTCgcttaaatgtacgtacaaatagagactttaagagtagaaacactc------
U6                ----actcaagtcttaaaatattcattattccaatggctTAAAATTCTCATATGTGTTTTCgcttaaatgtacgtacaaatagagactttaagagtagaacactc------
U6                ----cttgtgcgcccgatgcattacacttcaatgtctTATAATTCTCATATGTTTTTTGggacaaaggtaagtacatatagggaacttaagtgtaacaacctc------
U6                ----aaacacaaaccattcgctgcttgtcttcagtgtctTGTAATTCTCATATGTTATTTCcgtaaattgtacgtacaaatagggaagattaaacaccagactttt------
U6                ----gttttagttattttgtgtgtactgtttctgtactTATAATTCGCATATGTTTTTCctttaaatgttagtacaaatagggttttcacaggcaaacattc------
U6atac            ----ggaaccatggatgtgacttattttcctctcatctaAATAATTCTTATATGTTTTTTTgctatatgcgtggtttaaataggccgtcgtaaaacctctcccct------
tRNAsec           -----cttttattattcatttctttttacgcaggtctAGTACTTCGCATATGTTTTTTCgctataaatgtgatataaatacgtgtctatttcactgaactgat-----
snoRNAMe18SA1806  ----------attaaacatattcaggtttctttaatgctTCTAATTCGCATATGTTTTTTTgtttaatgctaggtatatatacttcgaagaagagactttaagtgctgtgg
U1                --tgattgcattgaatgtgtgtatattccgcatatacttAATAATTCTCATTGGGTCTCTCcttctttctggataagaagtcaatgttgagctgagaaaagc-------
U1                --cagcattacaaaatgttcgtaattccattttcccacttAATAATTCTCATTGGGTTTGTTgttctttctggataagaagtcaatgttgagttgaagaaaagc-------
U1                --atcacaaacacaatgtgcgtatattccgtatacgcaATAATTCTCATTGGGTCTGTCgttctttccggataagaagtcaatgttgagctgagaaaagc-------
U1                --tacaaaatgtgcgtatattccacatactcgtacacttAATAATTCTCATTGGCTCTGTCgttctttccggataagaagtcaatgttgagctgagaaaagc-------
U1                --aagcattacaaaatgttcgtaattctactttccactcAATAATTCTCATTGGCTCTGTCcttctatccgaataagaaatcaatgttgagctgagaaaagc-------
U1                --ctgcaatacaaaatgagcgtatattccacatacacttAATAATTCTCATTGGCTCTGTCgttctttccggataagaagtcaatgttgagctgagaaaagc-------
U1                --ctgcaatacaaaatgtgcgtgtattccacatacactcAATAATTCTCATTGGCTCTGTCcttctttccggataagaagtcaatgttgagctgagaaaagc-------
U1                --ctgcaataccaaatatgtgtatattccttatacacttAATAATTCTCATTGGCCCTGTCgttctttctggataagaaatcaatgttgagctgagaaaagc-------
U1                --cagcattacaaaatgttcgtaattctattttccacttAATAATTCTCATTGGCTCTGTCgttctttccggataagaagtcaatgttgagctgagaaaagc-------
U1                --attttaacatcactgtgaagttgtatggatgcatgtGATAATTCTCATTCGCTTGGTGgttgaaattgtataagaaattaggtttgttcgaagaaaagc-------
U1                --tactgtaacctttaaaacatgtacatactgtgatacttAATAATTCTCATTTACTCTGTCcttcctttctacataaaaaatcaattttgagctgaaaaagc-------
U1                --cagtgtgaacttttcagtttttgtattgtctctccaCAGAATTCTCATTGGGTTTGTAttgctattctttgaaatagttcagtttgagcgaaagaaagc-------
U1                --gtgtttctccagtgctgctcagagaacatggtaccgtAATAATTCTCATTGAGTTTGTGttgtggtgcgtatgaataggattggcgtgagcggagaaaagc-------
U1                --attatttacttgtgatgtggttctagatgtttgccACGAATTCTCATTCGCCTTATTgttctgatgtgataagaagtcttttgagcggagaaaagc-------
U1                --ttaatacatgtgtgtacatgacattcctgtgacacttAATAATTCTCATTGGGTTTGTTgttctttctggataagaagtcaatgttgagttgaagaaaagc-------
U1                --cagcattacaaaatgttcttaattctattttccacttAATAATTCTCATTGGCTCTGCGgttctttccggataagaagtcaatgttgagctgagaaaagc-------
U1                --aacgatacccttcaaactcttaatattttcctttgtTATAATTCTCATTTATTTTGCTgtcttttctacttaagatctcgcaatcgaagctgtggaaagc-------
U1                --aaagatacccgcgtacaatgtagctctatttattcggTATAATTCTCATTAATGTTTGTTgcatttccacttaagtgcttcgagtcgagcggagaaaagc-------
U1                --cagtaacattaaaaacgtactattatttccaatactcTATAATTCTCATTCAGTTTTATTgtccttttctgcataaaatgtcatccttgagctgtgaaaagc-------
U1                --atgttcattgaaaatgtatttgttaattcatgttcacTGGAATTCTCATTCAGTTTTGTTgtctttctacttaagatcttcgattcgaatttgaaaaagc-------
U1                --aagtgtactcttagcgaatgtatcacagacatatcctTTTCAATTATCATTTAGTTTGTTgtccttttctggttaagatatcagagttgtgcagtgaaaagc-------
U1                --tcttggtttcaatgatacccgtgtataatatagctcaATTAATTCTCATTCTGTTTGCTacatttctcctttaagtgcttcgagtcgagcggagaaaagc-------
U1                --gaatgcactcgggttttcagctgtgcccgcgctgcttTGTAATTCTCATTTGGTCCGGAgaactgtcgccataagtaatttgtgcagaattgaaacaaat-------
U1                --agtgtacgatatgcaacaaggttttattttgctcctTGTAATTCCCATTCACTGCGAAgtagctgtggcataagtagtttgtgttgagctgaggaaagc-------
U1                --ttgcaaagtttgtgatggaatttgtgtggatgtgtgtGATAATTCTCATCCACTTGTCGtttgatatggtacaagaaattaggttagtgcggaagaaagc-------
U1                --atttctctaatgttgcccgcgccacaacattgtaccgtAATAATTCTCATTGAGTTTGTGtgcacttcaatatgaataatttgggttgcgcgcaaaaagc-------
U1                --cttctcttcaatgtagccgtagacacaaatcctttccTATAATTCTCATTCGATGTAGCgcagcgtttactgatatattggagcagaagcgaagaaaagc-------
U1                --ttgaaacatgcatgtacatggcattcctgtgacatttATTAATTCGCATTGGCTCTGTCgttctttccggataagaagtcaatgttgagttgaggaaagc-------
U1                --cattagcaaaatatgtgatgcatttgtgtgcctgcatgGATAATTCTCATTCGCTTGTTGcttgatattgtataaagaacttagcttttgttcgaagaaaagc-------
U2                --attagtcactgagaggctcttctggtctttccgttttTATAATTCTCACTTACTCTGTTcactatttaatataagtagttttcctcgctgtgtcatagtt-------
U2                --attagtcactgagagattcttctgatctttcctttctTATAATTCTCACATACTTTGTTcactatttaacataagtagtttttctcgctgtgccatagtt-------
U2                --attagtcactgagagagttgttctgctctttacttctTATAATTCTCATTTACTCTGTTcactaattaatataagttgttttcctagctgtatcatagtt-------
U2                --attagtcactgagaggttgttctgctctttcatttgcTATAATTCTCATTTGTTTTGTTcactattaacataagtagtttttctcgctgtggcatggtt-------
U2                ---tgctatcacgatcacgtggtttttctttctatttGGTAATTCTCATTGGCTTGAGTttggtttagcatttaatgtgaccgttgggtggtgtttagtt-------
U2                ---tgctatcacgatcacgtggttttctctcctcatttGATAATTCTCATTGGCTTGAGTttggtttagcatttaatgtgcccttgggtggtgtttaatt-------
U2                --attagtaactgaaaggctgttctcctctttcctttctAATAATTCTCATTTACTTTGTTcactatttaatataagtaatttcctcgctgagtcatagtt-------
U2                ---atgcctgtacgatcacgttgtttcactcttctatttGATAATTCTCATTGGGTTGCGTttgacttagcatttaatgtggcccttgggtggtgtttagtt-------
U2                ---acactaaaacctttacgtagtttctcacttctacttCGTAATTCTCATTGGACTTATGtcgttttttgcatttaatgttgccgttggcgaagtatttattt-------
U2                ---acgcgcaaaccattacgttgtttctctcttctacttCGTAGTTCTCATTGGGCTGATTtcggttttagcatttaagggttgccgttggcgagtgtttggtt-------
U2                --ataagtcactgacaggttgttctcctctttcctttctAATAATTCTCATTTACTTTGTTcacacttttaatataagtaatttctcttgcagtgtcatagtt-------
U2                --ttaaacactttatgcaatactccttcttatccttcttTATAGTTCTCATTTGGTCTGTTcacactctgacataaatgtttccgtggcaatagtgtaatt-------
U2                ---tgcctttatttctctttaccttggcttacattcgctAACAATTCTCATTCACTTGGAAttcgtttgagtagatatggttgagctgttgctaggtagagtt-------
U2                --cgttgtatagttctgtgaatttcactgggtgttgcctTATAATTCTCGTTTAGTCTCTGagccactatgcataagatgtttgctttggtgtgtattgtt-------
U2                ---ntggttttcaatgttttcctttatctcgcattgctTATAGTTCTCATTCACTTCGGAtgcatgtgcatgcatgatgtggttgagctgttgctagttggttt-------
U2                ---tgttttgtttctctttgccttgtctcacattcactTACAATTCTCATTCACTTGAAATtcaattgagtagatatgtggagctgttgctagtagagatt-------
U2                --attgaatttttgtttcagcattatatcttccttcctTGTAGTTCTCATTCAGTTAACAcatggtttcacataagtagtttgtttcgcgtgatagtgtt-------
U3                ---tgtttctctttggatttatttttgtttgtttctttCATACTTCTCATTAGATTCATGtatgtgtagcatctatgatactgagcggtgagcttgaaaagtt-------
U3                ---tttatggaaattgcttgtttcgtgcttcttctcatTAGAATTCTCATTCAGTGTAGGtttcgttgtattgatatacttgactttggccatgtttaaatt-------
U3                ---catccactcattgtattccatttagttgtgttctcCGTACTTCTCATTCAGTTTGAGttggcttggcatgataatgttgggttgggagcagcgaacagtt-------
U3                ---ctgtgtgcgagaatcgttctttttaatagtggtctcTGCACTTCTCATTCAGTTTGAGttggcttggcttgataatgttgggttgggagcagcgaacagtt-------
U3                ---ctgtgtgaagaatcgttcatttttagttgtgttctcTGCACTTCTCATTCAGTTTGAGttggcttggcttgataatgttgggttgggagcagcgaacagtt-------
U4                ---gcgtttcactttttttactttttcattagttgcctTATAATTCTCATTCTATTGGAAattgctttaccataagaggttagccctgtgcggtgtatggtt-------
U4                --aacgtatgtctgctttggtctcgtttgtacttgtacgaAATAATTCTCATTGCCATCGTTgtgtttgtttgtttgaaatagtttggaatttgtagagatcgtt-------
U4                --aacgtatgctttgtttcgtctcattatactgtgcgaCATAATTCTCATTGCTGTCGCTgtggatatgattgaaatagtttggtttttgtggtatcgtt-------
U4                ---aatgtccctttttggtatcccttttgataccgtcctTATAATTCTCGTTTGATAGGAAtaagcattgccttaagatattaggcttctgtcctgtaggtt-------
U4atac            accgcatacctctgcagaactaactagagctcattgcTTTAATTCTCATTTAAGTTGAGtttgctttgacataaatgcattgactttgtgctgatacc---------
U5                -ctcactacattgtttcaatgatgtgtttttaccgaactctTATAATTCTCATTGAGGTTGTGtttgatgttcatactttaatgtttgccagaggggtgtgtttaat---------
U5                -aaacgtcacgtatttggtattgtgttttaccgaactctTATAATTCTCATTGAGGTTGTGttgatgttcatacttaatgtttgccagaggggtgtgtttaat---------
U5                -caacgtcatgtatttgacaatgaggtgtgctgaagtcacAAGAATTCTCATTTAGGTTGTGttgatgttcgtacttaatgttaggcaaatgtgtgttgtag---------
U5                -taacgtcggggtgtttgactcgaagtttgctgaacgtTCTAATTCTCATTTAGGTTGTGttgaagtttcgtactttaatgtttggtagatgctgtttgtag---------
U5                -attgtaaacttatcactagtagaacgttaatgtgagacGGCAATTCTCATTTGGTTCAATgtttggctttctttataacgtgcacttggtggtggtgatct---------
U5                -actgtaaacttgtcactagtagaacgttaatgtgagacGGCAATTCTCATTTGGTTCAATgtttggctttctttaacgtgcacttggtggtggtgatat---------
U5                -caaagtatatgtttttttattcggtgtttttgtgtcggTGTACTTCTCATTCAGTTTATAactgtgcgtgtacttaagatttcgtttaggttcagtcaaa---------
U5                -aacgttgaatgaatgatggcgtgttttgtgaactctAGTAATTCTCATTGAGGCTGTGttacagttcatactttaatgtttggcaaacggctggtaacg---------
U5                -ctcactatattgttcagtgatgtgtttcgccgaactctTATAATTCTCATTGAGGTTGTGttgatgttcatacttaatgtttgccagaggggtgtgtaaag---------
U5                -caacggcatgtgtttgactatgagtttgctgaacgcgTCTAATTCTCATTGAGGTTGTGttgatgttcgtacttagtgtttggaaaatgcgtgttgtag---------
U5                --gttgtcgtgttcgaaatacattccctttttatttacgtTATAATTCTCATCGAAATTGTGgaatgactgccttaaagtcttaacaaattgtgtgttcaaa--------
U5                -gataatcttcagacgatcgttcgtttcatctgtatgtTATAATTCTCATTTGCGTTGTTgtatagtttccttaaagactttagatatgagcttagaaa---------
U5                -agctgcaaagatttatcttccgcgattccttgaacatTTTTAATTCTCATTTGGTTGACAgaaaatttgccttaaatacttaaaagcgaagttttatag---------
U11               ---gcgcttgctattattcttcatttgtgtgctgtgtaTACACTTCTCATTTAGTTGGAAtacacatcgtataagtatttgactttgatgtgtttgtttt-------
OrCD1             -gcttatagttaattgttatgcctttgatatcatatgctCATAATTCTCAATGAATGTGTGcttcatattgtataagatgagcggttttggtgcaaagat---------
```

Upstream promoter alignment showing conserved regions. Sequences include Pol III promoters (noeCR34335, Arthropod_7SK, 7SL, RNase_MRP, RNaseP_nuc, U6, U6atac, tRNAsec, snoRNAMe18SA1806) and Pol II promoters (U1, U2, U3, U4, U4atac, U5, U7, U8, U11, U12, OrCD1). Conserved positions are highlighted in the alignment.