Zaprionus capensis

Taxonomic lineage: Brachycera > Muscomorpha > Ephydroidea > Drosophilidae > Zaprionus > Zaprionus subgenus Zaprionus > armatus group > vittiger subgroup

Assembly: GCA_018903675.1_ASM1890367v1_genomic

Zap_cap1 | JAEIFN010001072.1:17247367-17248772 (-) | 1406 nt | IncRNA:noe consensus e-value: 2e-173 5' motif: GCGGT 3' motif: ATCGC Internal max. Poly-T: 4nt Trailing-T: 7nt PSE: 0.95 6666.68TC8T6.6C.ATTC.6C.ATTC.6C.AGT.6C.AGT.6C.AGT.6C.AGT.6C.AGT.6C.AGT.6C.AGT.6G.AGT.6C.AGT.6G.AGT.6C.AGT.6G.AGT.6C.AGT.6G.AGT.6C.AGT.6G.AGT.6C.AGT.6G.AGT.6C.AGT.6G.AGT.6C.AGT.6G.AGT.6C.AGT.6G.AGT.6C.AGT.6G.AGT.6C.AGT.6G.AGT.6C.AGT.6G.AGT.6C.AGT.6G.AGT.6C.AGT.6G.AGT.6C.AGT.6G.AGT.6C.AGT.6G.AGT.6C.AGT.6G.AGT.6C.AGT.6G.AGT.6G.AGT.6C.AGT.6G.AGT.6C.AGT.6G.AGT.6C.AGT.6G.AGT.6C.AGT.6G.A



Upstream promoter alignment showing conserved regions. Sequences include Pol III promoters (noeCR34335, Arthropod_7SK, 7SL, RNase_MRP, RNaseP_nuc, U6, U6atac, tRNAsec, snoRNAMe18SA1806) and Pol II promoters (U1, U2, U3, U4, U4atac, U5, U7, U8, U11, U12, OrCD1). Conserved positions are highlighted in the alignment.