

Phaonia angelicae

Taxonomic lineage: Brachycera > Muscomorpha > Muscoidea > Muscidae > Phaonia

Assembly: GCA_965111845.1_idPhaAnge1.hap1.1_genomic

Pha_ang2 | OZ217470.1:160807547-160808089 (+) | 543 nt | lncRNA: noe consensus e-value: NA

5' motif: GCGGT 3' motif: ATCGC Internal max. Poly-T: 3nt Trailing-T: 5nt PSE: 0.93

GGCAGTTCGAAAGCCTCTTCATTTGAAAGGGTTGATCGCATCCCCCTTCAAAATTCGCGACAAAATTCACAATTTGGAGTACGGAACTCTTTCTCTCTCACTCTCTCAAAACATTTCAATCTCAATCTCACTCTCTCCCTATTCACTTCAACATTCAAACACTCATACACATATGAACCTCAAAAAACACACTCACACACACAAAAAAGGGTCTTAACGACACACAAAGCTCCCTCGCTTAAAAATCAACGACATCCAAAAATATAACCAAAATTTCTCTCATTCACAAATCACACACACACATTCACATCTCACACACACACACACTTCAGAAAAACGCGAAAAATCGTAATCCCTTTCACTTAAACATTTACAGATTCCTCGCTCTCTCGCAAGATTAAACCAACATTCAAAAATTCAAATTCCTTAAAACTTGTGCGCTTAAATTTGAAACATTCAAAAAGTTTAGCAAAATTCCAATTCGAAAAAAATGTAGAGCGCGGGAATTTGTAATGCCACTTTT

```
Pha_ang2      -----cttctcttagtattagatgacccgtattcgtatTATAATTCATACACATTTTcacaaaaagtttagcttaaatatacaattatcccaatgaccat-----
Arthropod_7SK -----atacaadaacacacctcttttccactcactttttTATACTTCGCATATACATTTTcttcaaaatcactatatacaatcattcaca100atcacaaag----
U6            -agacacaaacaaattgggtattttctttgtctcgtTATAATTCATATATGTCATTTCgatcaaaatgaaagtacaagtcagaggttaaatcataaacactc-
U6            -acttcaaatgttttagttgggtattttcttttaaatctTATAATTCATATAAGATTCcgttttaattttaagtactaatagaacgttaaggtttaacattc-
U6            -atatcattttcccttcaaatdaattacatatctTATAATTCATATGCGATTCcgttttaactcotaactactaatagaacgtttaadoottcaacattc-
U6            -ttatagttgtgtatgacccgttctcgtcgtccattctTATAATTCATATGCGATTCcgttttaactcotaactactaatagaacgtttaaggtttaacattc-
U6            -tttagcgttcactgctactgctttcatttctgtgaaCTAAATTCATCTCG666TTTtatcaaaatcttaatacaaaaaactctttatgctgcacattt-
U6atac         -aaatacaaacacctcttctactgttattgtactcttACTAATTCATTTAGTGCATGtacaattccaataagaacattgtattgagcggagaagagc-
tRNAsec       -ttaaagtgaatgtgttgaatttccctattgtatAGCATTTCGCATATGCTTTTcattttaaatatagcttaaatcattgtttaacattatccaggt-
snoNAME18SA1806 -----taccactttaataaattgctttgctatgctTATAATTCATATGTTGTTTTgtgtaaaaatgtgaaatataaccatgacgaattgttattgaaatgggtgtg-
U1            -cgcgtttttcgtcttagtctttttcgaatatatttgcTACAATTCATTTAGTTGATGgtttaatttagtacaagacgtttggttagagcggaggaagc-
U1            -tccattttttdaattttttdaatttttgcAATTCATTTAGTTGATGgtttaatttagtacaagacgtttggttagagcggaggaagc-
U1            -ttgttttcgacatcactgcccctttttgtctatactttTATAATTCATTTAGTTGATGgtttaatttagtacaagacgtttggttagagcggaggaagc-
U1            -gagtgtctaaagcgttctactgttattgtactcttACTAATTCATTTAGTGCATGtacaattccaataagaacattgtattgagcggagaagagc-
U1            -tccatttactggaattttcacactcttccatttttttttgcctctTATAATTCATTTAGTGCATGtacaattccaataagaacattgtattgagcggagaagagc-
U1            -cattgcactagaacatactaataatttccatttactctTACATTCCTATTGATTTAGAAattgctgtggcataagtagtcagcgttgagatgagcaaaagc-
U1            -tggttttcgaatcctgcactttgttattattgtTATAATTCCTATTGATTTAGTTGATTTAAaaccatatacacataaaaccccttgcgttgagtgagcaaaagc-
U1            -tttcttttcgaacacctttdaattttttattatatattgtTATAATTCCTATTGATTTAGTTGATTTAAaaccatatacacataaaaccccttgcgttgagtgagcaaaagc-
U1            -ttgttttcgaaaccttgcctttgggtagtagtattgtTATAATTCCTATTGATTTAGTTGATTTAAaaccatatacacataaaaccccttgcgttgagtgagcaaaagc-
U1            -tttagtttgggttttttgggtatttttcgaatatatttgcTACAATTCCTATTGATTTAGTGCATGtacaattccaataagaacattgtattgagcggagaagagc-
U1            -acagttttttdaatttttdaatttttccaaatatatttgcTACAATTCCTATTGATTTAGTGCATGtacaattccaataagaacattgtattgagcggagaagagc-
U1            -tagttttctataaagatttcattattattgtactctTATAATTCCTATTGATTTAGTGCATGtacaattccaataagaacattgtattgagcggagaagagc-
U1            -atttggattcaggttgacatcatttcatttcagcctTATAATTCCTATTGATTTAGTGCATGtacaattccaataagaacattgtattgagcggagaagagc-
U1            -tttccccattatctadaaattdaataaacttttTATAATTCCTATTGATTTAGTGCATGtacaattccaataagaacattgtattgagcggagaagagc-
U1            -tttccccattgacatgagaatgtgaaataaactttTATAATTCCTATTGATTTAGTGCATGtacaattccaataagaacattgtattgagcggagaagagc-
U1            -ttgttttcaaacacttccattttattataactttTATAATTCCTATTGATTTAGTGCATGtacaattccaataagaacattgtattgagcggagaagagc-
U1            -tttattttcaaaccttccattattattataactttTATAATTCCTATTGATTTAGTGCATGtacaattccaataagaacattgtattgagcggagaagagc-
U1            -cccgctttcatgtcttagtatttttcgaatatatttgcTACAATTCCTATTGATTTAGTGCATGtacaattccaataagaacattgtattgagcggagaagagc-
U2            -atgtcatgttttccaattccaatgaggattttttctTATAATTCCTATTGATTTAGTTGAATagattttcactttaaatagtttacgtttgtcagtgatttagt-
U2            -atttctcactaacacacatttttttcaatttttttAAGAAATTCCTAATCAGATGAATattatttccacttaaatatttatttttcccaatttttaatt-
U2            -tccctcagtgaaagtatttttttcaatttttttAAGAAATTCCTAATCAGATGAATgttgccttgaacttaaatagttcagttgttgcaggtttagt-
U2            -gtttgtcgaatgttaagaaattttttcagttgttccAAGAAATTCCTAATCAGATGAATattatttccacttaaatagtttattgttttcaggtttagt-
U2            -tttccctcaataacacaaattttttcaatttttttAAGAAATTCCTAATCAGATGAATgttgccttgaacttaaatatttatttttccacttttaatt-
U2            -aaattgtctcatgtctgtagagaatttcttttccagttTATAATTCCTAATCAGATGAATgataaattccaataagattttccagatcgtgtttaaagt-
U2            -ctgacttccacagttttctctctacattccaatcgtTAAATTCCTATTGATTTAAaaccatgtttgtacttatagtttccaagttgattgttaaatt-
U2            -gttcccttaacaaatdcaatdacttttccacttttTAAATTCCTAATCAGATGAATgttgccttgaacttaaatattttdaatttcaatdcaatattt-
U2            -ctgtatgactgacacttctctatgtattctctcctcgtTAAATTCCTAATCAGATGAATgttgccttgaacttaaatattttdaatttcaatdcaatattt-
U3            -acgttttcaatgtccattgtattttgtggaacttccAAGAAATTCCTATTGATTTAGTGCATGtacaattccaataagaacattgtattgagcggagaagagc-
U3            -ttacttctatgtctatattttttdaataattccAAGAAATTCCTATTGATTTAGTGCATGtacaattccaataagaacattgtattgagcggagaagagc-
U3            -atgccttccacgaccattgtattttgtgaaacttccAAGAAATTCCTATTGATTTAGTGCATGtacaattccaataagaacattgtattgagcggagaagagc-
U3            -atgtatgaagaataaatttcttttttatttcttcttcttgcacttcccaattTGATTTCGCAATTCATATGAATtgataaattgggtttctcagtgaaaagtt-
U4            -aaatttfaacttttcttctcacttcttcttctcactttTATAATTCCTAATCAGATTTATatttttataaagacattcaattttttdaattatttaatt-
U4            -atgtgtactcttcttctcacttcttcttctcactttTATAATTCCTAATCAGATTTATatttttataaagacattcaattttttdaattatttaatt-
U4            -atgtgtactcttcttctcacttcttcttctcactttTATAATTCCTAATCAGATTTATatttttataaagacattcaattttttdaattatttaatt-
U4atac        -gtatgtatgatttataacttcttttttatttctcactTATAATTCCTAATTTGTTGTTgttttactttaatttaataacattgaatttttcaatcttc-
U5            -cccgtactttgtcgtgtgttttcccaattgacctttTATAATTCCTAATGATTTGTAataatgtttgtacatagtttgcattgataatgtactaa-
U5            -gggtccttgtatatacaaccaccttcatataattgttgcTTGAATTCCTAATTCGCTTCAAAcaattgttttaaatatgacattcgaatagggttgatactg-
U5            -aaactdaactttcattcttaacatataadaaattataaaTATAATTCCTAATTCAGTTAGAAAAaatttttacttataatatttataatdaatttataat-
U5            -gtttttctttgtagcagctgataatgataatacTCAAAATTCCTAATTTAGTTGATtttttggtagttaaagtttctgtattctggaattag-
U5            -aaactgccttccacttctagcgtgataaagagataaaTATAATTCCTAATTTAGTTAGAAAAaattgttgcactatagtttgcattgaatttctg-
U5            -tcttatttccaaataatttccaaatctcttatttTATAATTCCTAATTTAGTTGATttttaaatttctttaaatactctttttttdaatttataat-
U5            -ttgacacataattttcaacactttttaataaattgatttgcTGAATTCCTAATTCAGTTCAAAcaattgttttaaatatgacattcgaatagggttgatactg-
U11          -tttttactccatatgggttaaaatttttttttgggtTCCACTTCCTAATTCAGTTCAAAcaataattataataaacacatcgttaaagtggtgaagtttt-
```

Upstream promoter alignment showing conserved regions. Sequences include Pol III promoters (noeCR34335, Arthropod_7SK, 7SL, RNase_MRP, RNaseP_nuc, U6, U6atac, tRNAsec, snoNAME18SA1806) and Pol II promoters (U1, U2, U3, U4, U4atac, U5, U7, U8, U11, U12, OrCD1). Conserved positions are highlighted in the alignment.