

# Conops quadrifasciatus

Taxonomic lineage: Brachycera > Muscomorpha > Conopoidea > Conopidae > Conops

Assembly: GCA\_949752815.1\_idConQuad1.1\_genomic

Con\_qua1 | OX457080.1:16058848-16059491 (-) | 644 nt | lncRNA: noe consensus e-value: NA

5' motif: GCGGT 3' motif: ATCGC Internal max. Poly-T: 3nt Trailing-T: 13nt PSE: 1.00

GGGCGGTCGAAATGCCACAGTTGTCGGGGTTGCCGATCCCTTCCAAATTCGGGTACCAAAACACACAAAGTCTCCAAAGAAAAATTAACAAATGCGCCAAAGCTTAGTGAGCCCTTTCTTCCACCCCCCCCAAAACCAACAAAG  
AAGAAGCCAGCAAAAGCACACACGCAACCAAAACCAACAAATGTTTACAATTTTCATCGCTTTCCACGAAAGATGATTAAATTTGATTTAAACACACACAGAGAGAACATCCCTTCAGCGCTGGGATGTTCTCCTCGACATGT  
ACAAACACTACATAATTGTCTCTGTCTTACTGTGTCTGTGTACAGTGGAAAGGACACAGCCCAACACAGAAATAGAATGACAGCAACAGCAATCCGTTGCTTCGATCGTTTCATATCATTTACCTCTCTCTCATACTGTATCGCGC  
AGATCTCTCGAGCCAGTTGGAAAAATTAACAAAAACCAAAAAAAGAGAACACAAATAAATCGGGACTTACACTTAACTACTAGCGACGCAATACACATACATACATATACAATGTATGGATGGGTCGGTACTGTGGTGT  
TTGATCAAAATGATATGATAGTAGTCGCCCTTTTTTTTTTTT

```
Con_qua1      ---aaactttttcctttaacoutcaatcctttatctttTATAATTCATAATAATTTTTTcaccttccaaacbfataaaofatacctccaacbaoutcatttc-----
Arthropod_7SK ---acaaccacacacatctttcttgatatcccttcagtTAATTCATATTAATTTTTTgataatgtgtagaacaatattaggtcttgaacaacgttcagt-----
RNase_MRP     ---tgattatctgtatcgtttTATAATTCATAGTAACTTTTTgcgttacgtttgtgtggaatgcatttttagtcaaacctccacagtcgaacgttttc
U6            ---tttgcctatacaaatttctctttaaataatctttTATGATTCATAATAATTTTTTcaoctttaacctotataatgaotactotaaacacacacttc-----
U6            ---aatcaaaaacaaattttgtcttcgtaattatcgtttTATAATTCATATAATTTTTTgactcttgatgacataaagacagctcttgaatgtgactttc-----
U6atac        ---accagggaaaaattttgtcttcgtaattatcgtttTATAATTCATATAATTTTTTgactcttgatgacataaataaagcttaaaagtcttatactc-----
tRNAsec       ---ggaataaaaaattacacatataatttaafadgaTAAATTCATAATAATTTTTTctgaacttaatttcaaaataaaacctttfagaacacaaac-----
U1            ---agcgagaagcaaattttttggttttaaatgagTATAATTCACAATAACTTTTTgcgaacgaagtatagaagttgaattacattcgaacgaagcttt-----
U1            ---ggcaacattttttctcttcaatattctaaatgtttTATAATTCACATATGGTTTATGttgaactatgtactagatttacgttgcagcagaagaagc-----
U1            ---tttcatttcagtttcttttcttcttaaaattactttTATAATTCAGTGTGGTTCTTgcataagcagagtgaaagttagtgcattgaacgaagaagc-----
U1            ---tctgcttaatttttttcttatatcgaattctctttTATAATTCACACCATGTTTAGTctcctcctaattaadgaattccttgaacacgaataaac-----
U1            ---tttgcttttgaattttctttatgccgcatctctttTATAATTCACCATATCTTTAGTgaattcataagttagaagttcgtctcagaacacagtagagc-----
U2            ---gttctacttttactcttcttataatttgcaaatgcTATAATTCACATCTAGTTTTTAtactctatgtcaatgtaatgctacattgactcggaaacttc-----
U2            ---gttcattcttttttaactatacttctotatttctctTATAATTCACATCTAGTTTTTAAattttctcttgaatctgaacatttgccttgaataatt-----
U2            ---gtacatacattttactcttcttataataaatgcTATAATTCACATCTAGTTTTTCAccttctatgtcattatagtgctacattggcactgaaagtgt-----
U2            ---tactttcgtttttgcactttacttttcttttctttTATAATTCACATTTAGTTTTATCggtttttgtgattgaatatgacgttttggcactgacagatt-----
U3            ---ttttactttctcttcttaataacaccccaaccaaaTATAATTCACACAGTGTCTTgcataatgaatcatatgaacacatttcccaaaaaattt-----
U3            ---ttgacttatacttatacactttttcttactctcttTATAATTCATTTTGTTCATTcagttgagaagacgtgtagtgccttgcggcaacgaataagtt-----
U3            ---atttatagtagcgttggttgaacatacttggtttctTATAATTCATAATATGTTTCATTcagttcagaagacgtataggtcttctgcgcagcgaatagtt-----
U4            ---tttcaaatcatiaattttcttcatctcacaactctTATAATTCACATTTAGTTTCATGttaataaaccataaadaacgaattcgaacatttcaat-----
U4            ---acaacaacagtgtaggtttctctagagttggtactTATGATTCATTTAGTTTTATGaaaaaaaataacttaagaaatgaattaaacggaagttcgtt-----
U5            ---agttagctgtttacatttgttttagttgtgatgaagagtaTAAATTCACAATTTAGTTTTATcaagtatccaggaataatagttggtttttttgacacaaact-----
U5            ---agtaactcttactacttcttttadttotdaaaacaaataTACAATTCACACTAGTTTATcaaatatccaaadaaadaattottttcccccacaaact-----
U11           ---acagtattttcttcttgataaacgtccgttttctTATAATTCACACTAGTTTACAGGtaagactgtctcttataccgacaaactgaagttcgtctgtttt-----
U12           ---tgtacttttaggttaatgcaatagctggggagagttTATAATTCACCATGGTTTATtataacctgattaaagtaattcgtatagtgctcagagaacttc-----
```

Upstream promoter alignment showing conserved regions. Sequences include Pol III promoters (noeCR34335, Arthropod\_7SK, 7SL, RNase\_MRP, RNaseP\_nuc, U6, U6atac, tRNAsec, snoRNA18SA1806) and Pol II promoters (U1, U2, U3, U4, U4atac, U5, U7, U8, U11, U12, OrCD1). Conserved positions are highlighted in the alignment.