



T.I.M.: TRAZADO  
INTELIGENTE DE  
MUESTRAS



FECHA: N/D

DOC: TIM01-0001

VERSION 1.0

AUTOR: BIODATA

AUDITO: BIODATA

## **LabWin 3.x - Trazado Inteligente de Muestras**

## **I.- Objeto:**

Este módulo tiene varios objetivos relacionados entre sí.

- 1.- Direccionar las muestras al sector donde deben ser analizadas.
- 2.- Asignar a cada muestra una posición en una gradilla.
- 3.- Archivar muestras en una o más serotecas.
- 4.- Localizar una muestra en el laboratorio o la seroteca, dado que cada muestra es ubicada por el TIM en una posición exacta dentro de una gradilla.
- 5.- Separar las muestras que están completas de las que les falta algún resultado y redireccionar estas al sector correspondiente.
- 6.- Crear un archivo consultable desde varios programas, indicando dónde está la muestra, por dónde pasó, quién la escaneó, a qué hora, etc.
- 7.- Registrar en el trazado de resultados cada vez que una muestra es escaneada en el programa TIM , junto con otra serie de datos.
- 8.- Generar los listados de intervalos de tiempo entre distintos eventos, por ejemplo TAT (total Tourn Around Time), Pacientes incumplidos, Muestras no escaneadas, y todas los intervalos posibles entre distintos eventos.

## **II.- Definiciones:**

1.- Mediante el programa mantenimiento de ficheros / secciones, definir qué secciones hay en el laboratorio. Entre ellas al menos deben estar todas las áreas donde se procesan muestras. Esta definición de las secciones puede ser hecha con un carácter físico, por distintos lugares o bien siguiendo una orientación funcional, según el tipo de análisis, de esta forma en una misma mesada podrían coexistir varias secciones.

Al menos un área (heladera, freezer, etc) debe ser definida como almacenamiento de muestras (seroteca).

2.- Mediante el programa mantenimiento de ficheros / rótulos, definir los distintos tipos de muestra se realiza cada análisis. Cada tipo de muestra es identificada por un número que se antepone en las etiquetas al número de paciente. No se debe usar el mismo número para dos tipos de muestras distintas. El programa viene lleno con una lista de ejemplos, caso contrario Biodata puede suministrar un listado ejemplo.

3.- Mediante el programa mantenimiento de ficheros / facturación / nomencladores, definir en qué sección se procesa cada análisis y qué tipo de muestra tiene.

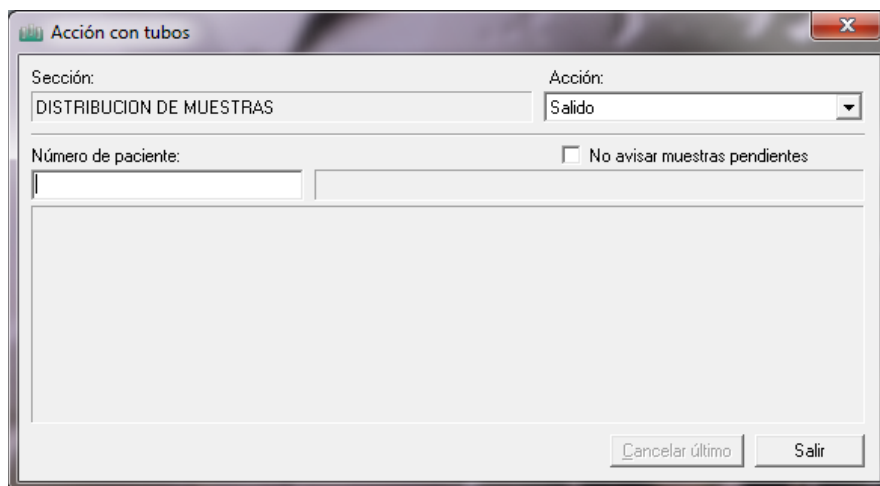
## **III.- Procedimiento:**

Cuando ingreso al programa se ve una pantalla así:

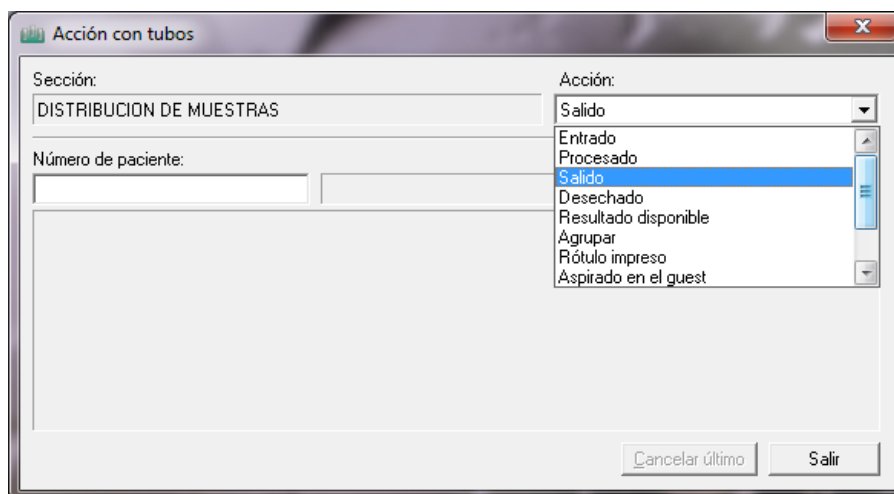


En primer lugar se debe seleccionar la sección del laboratorio en la cual estoy usando el módulo.

**a: Acción con tubos:** Se verá una pantalla como sigue:



En acción: tiene las siguientes opciones



Esta es la pantalla operativa donde se define con qué objeto se escanea el tubo.

Las acciones previstas son las siguientes:

**Entrado:** Para registrar en el sistema que se le da entrada al tubo en esta sección. Esta fue seleccionada en la pantalla anterior.

**Procesado:** Para indicar el sistema que ya se obtuvo el resultado en esta sección. Se usa cuando se termina una serie de procesos manuales y que la muestra pueda ser pasada a otro sector.

**Salido:** Para indicar el sistema que la muestra sale de la sección.

**Desechado:** Para indicar el sistema que la muestra se desecha.

**Resultado disponible:** Para indicar el sistema que la muestra no es más retenida en el sector. Es útil para procesos manuales.

**Agrupar:** El sistema ordena las muestras en la gradilla (contenedor) que el operador indique. No controla si le falta algún resultado o si debe ir a otra área del laboratorio. Se usa para mantener la ubicación exacta de las muestras entre un proceso y otro, para archivarlas para otro día, etc.

**Rótulo impreso:** Para indicarle al sistema que el rótulo de esa muestra fue impreso.

**Aspirado en el guest:** Esta acción la escriben automáticamente las interfases que hacen host-query. Indica el momento en que el equipo consultó por ese tubo al sistema.

**Enviado al guest:** Esta acción la escriben automáticamente las interfases cuando se envía al equipo la lista de trabajo.

**Extracción de muestra:** Para indicarle al sistema el momento en que se le extrajo la muestra al paciente.

**Recepción de la muestra:** Para indicarle al sistema el momento en que la muestra ingresa al laboratorio, proveniente de otro puesto de extracción o laboratorio derivante.

Cuando se coloca o se escanea un tubo, en cualquiera de las acciones previstas, se presenta una pantalla que deja seleccionar en qué gradilla se comienza a colocar tubos.

En todas estas acciones el programa determina si le falta el resultado de algún análisis y en ese caso, dónde se hace para direccionar la muestra a ese lugar.

En cada escaneo le asigna un lugar en una determinada gradilla o contenedor.

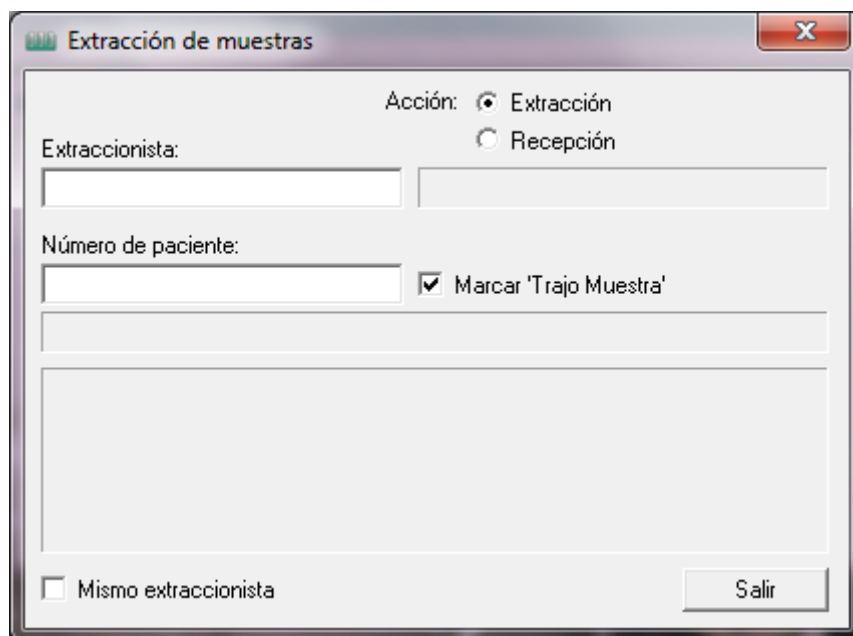
En cada escaneo, en la pantalla se muestran las próximas secciones con determinaciones pendientes del tubo escaneado. Es decir que si el tubo tiene que recorrer varias secciones se observará en pantalla el recorrido que debe hacer.

Nota: Cuando se escanea un tubo cuyas determinaciones poseen la marca 'Debe muestra', el programa automáticamente saca la marca. Lógicamente si escaneo el rótulo es que vino la muestra.

## **b) Ingreso de muestras:**

Anota en el sistema qué bioquímico le extrajo la muestra a un paciente, o qué usuario del sistema ingresó los tubos provenientes de otro laboratorio.

En la primer caja de texto se debe escanear el rótulo del usuario del sistema (se imprimen desde Administración del sistema -> Usuarios -> Mantenimiento de usuarios) y en la segunda, el tubo del paciente. Esta acción no distribuye muestras, sólo traza la extracción o ingreso de la muestra y la anota como traída si está tildada la casilla de "Marcar 'trajo muestra'".



### **c) Buscar muestras:**

Localiza la muestra solicitada dentro del laboratorio. En el caso que la muestra se encuentre en la/una seroteca, da lugar a marcarla como retirada. Esto es útil en el caso que se retire una muestra de la seroteca para analizarla, queda marcado que se retiro, porque luego de reprocesarla, al guardarla le dará otro lugar.

### **d) Desechar bolsas:**

Marca que los tubos colocados en la bolsa (gradilla o contenedor de los tubos) fueron descartados.

### **e) Nueva bolsa:**

Inicia una nueva gradilla o contenedor. Comienza a colocar otra vez tubos desde la posición número 1.

### **f) Listados:**

Imprime información relativa al inicio y terminación de procesos. Por ejemplo:

TAT: Total turn around time. Es un dato citado en la literatura internacional para indicar el tiempo que tarda una muestra desde que ingresa al sistema hasta que se imprimió.

DI: Demora de impresión. Tiempo desde que estuvo cargado el último resultado hasta que se imprimió.

PI: Pacientes Incumplidos: Exigido por las normas de calidad. Tiempo de atraso desde la fecha comprometida de entrega hasta la impresión real del informe.

Además se pueden configurar otros listados según las distintas necesidades del laboratorio, por ejemplo:

- tiempo desde la impresión de los rótulos hasta el aspirado de la muestra en los equipos automáticos.
- Alarma de tubo no escaneado.
- Tiempo desde el resultado disponible hasta el validado
- Tiempo desde obtenido el resultado hasta la impresión de informe.