# Московский государственный технический университет им. Н.Э. Баумана

Факультет «Информатика и системы управления» Кафедра «Автоматизированные системы обработки информации и управления»



### Отчет по домашнему заданию

# «Опорный пример для выполнения проекта по анализу данных» по курсу

"Методы машинного обучения"

Выполнил: Али Диб А.Ж. Студент группы ИУ5-22М

### 1) Текстовое описание набора данных

В качестве набора данных мы будем использовать набор данных для выявления рака моло <a href="https://archive.ics.uci.edu/ml/datasets/Breast+Cancer+Wisconsin+(Diagnostic)">https://archive.ics.uci.edu/ml/datasets/Breast+Cancer+Wisconsin+(Diagnostic)</a>

Датасет содержит следующие колонки:

- radius (среднее расстояние от центра до точек по периметру)
- texture (стандартное отклонение значений оттенков серого)
- perimeter
- area
- smothness (локальное изменение длины радиуса)
- compactness  $(\frac{\text{периметр}^2}{\text{плошаль}-1.0})$
- 7. **concavity** (выраженность вогнутых участков контура)
- 8. **concave points** (количество вогнутых частей контура)
- 9. symmetry
- 10. fractal dimension («приближение береговой линии» 1)

Среднее значение, стандартная ошибка и «наихудшее» или наибольшее (среднее из трех са были рассчитаны для каждого изображения, что дало 30 признаков. Например, поле 3 - сре наихудший радиус.

## Импорт библиотек

Импортируем библиотеки с помощью команды import. Как правило, все команды import pa:

```
import numpy as np
import pandas as pd
import seaborn as sns
import matplotlib.pyplot as plt
from sklearn.preprocessing import MinMaxScaler, StandardScaler
from sklearn.linear_model import LinearRegression, LogisticRegression
from sklearn.model_selection import train_test_split
from sklearn.neighbors import KNeighborsRegressor, KNeighborsClassifier
from sklearn.metrics import accuracy_score, balanced_accuracy_score
from sklearn.metrics import precision_score, recall_score, fl_score, classification
from sklearn.metrics import confusion_matrix
from sklearn.metrics import plot_confusion_matrix
from sklearn.metrics import plot_confusion_matrix
from sklearn.metrics import mean_absolute_error, mean_squared_error, mean_squared_l
from sklearn.metrics import roc_curve, roc_auc_score
```

```
from sklearn.svm import SVC, NuSVC, LinearSVC, OneClassSVM, SVR, NuSVR, LinearSVR
from sklearn.tree import DecisionTreeClassifier, DecisionTreeRegressor, export grap
from sklearn.ensemble import RandomForestClassifier, RandomForestRegressor
from sklearn.ensemble import ExtraTreesClassifier, ExtraTreesRegressor
from sklearn.ensemble import GradientBoostingClassifier, GradientBoostingRegressor
from sklearn.ensemble import BaggingClassifier
from sklearn.ensemble import AdaBoostClassifier
#from gmdhpy import gmdh
%matplotlib inline
sns.set(style="ticks")
from sklearn.datasets import *
import warnings
warnings.filterwarnings("ignore")
   /usr/local/lib/python3.6/dist-packages/statsmodels/tools/ testing.py:19: Future
```

import pandas.util.testing as tm

### Загрузка данных

Загрузим файлы датасета в помощью sklearn датасет.

```
cancer = load breast cancer()
for x in cancer:
    print(x)
[→ data
     target
     target names
     DESCR
     feature names
     filename
cancer['feature names']
    array(['mean radius', 'mean texture', 'mean perimeter', 'mean area',
             'mean smoothness', 'mean compactness', 'mean concavity', 'mean concave points', 'mean symmetry', 'mean fractal dimension',
             'radius error', 'texture error', 'perimeter error', 'area error',
             'smoothness error', 'compactness error', 'concavity error',
             'concave points error', 'symmetry error',
             'fractal dimension error', 'worst radius', 'worst texture',
             'worst perimeter', 'worst area', 'worst smoothness',
             'worst compactness', 'worst concavity', 'worst concave points',
             'worst symmetry', 'worst fractal dimension'], dtype='<U23')
cancer['data'].shape
\Gamma \rightarrow (569, 30)
data1=pd.DataFrame(data=np.c_[cancer['data'],cancer['target']],
                     columns = list(cancer['feature names']) + ['target'])
```

data1

С→

	mean radius	mean texture	mean perimeter	mean area	mean smoothness	mean compactness	mean concavity	m conc poi
0	17.99	10.38	122.80	1001.0	0.11840	0.27760	0.30010	0.14
1	20.57	17.77	132.90	1326.0	0.08474	0.07864	0.08690	0.07
2	19.69	21.25	130.00	1203.0	0.10960	0.15990	0.19740	0.12
3	11.42	20.38	77.58	386.1	0.14250	0.28390	0.24140	0.10
4	20.29	14.34	135.10	1297.0	0.10030	0.13280	0.19800	0.10
564	21.56	22.39	142.00	1479.0	0.11100	0.11590	0.24390	0.18
565	20.13	28.25	131.20	1261.0	0.09780	0.10340	0.14400	90.0
566	16.60	28.08	108.30	858.1	0.08455	0.10230	0.09251	0.05
567	20.60	29.33	140.10	1265.0	0.11780	0.27700	0.35140	0.15
568	7.76	24.54	47.92	181.0	0.05263	0.04362	0.00000	0.00

569 rows × 31 columns

# - 2) Основные характеристики датасета

# Первые 5 строк датасета datal.head()

₽

•		mean radius	mean texture	mean perimeter	mean area	mean smoothness	mean compactness	mean concavity	mea concav point
	0	17.99	10.38	122.80	1001.0	0.11840	0.27760	0.3001	0.1471
	1	20.57	17.77	132.90	1326.0	0.08474	0.07864	0.0869	0.0701
	2	19.69	21.25	130.00	1203.0	0.10960	0.15990	0.1974	0.1279
	3	11.42	20.38	77.58	386.1	0.14250	0.28390	0.2414	0.1052
	4	20.29	14.34	135.10	1297.0	0.10030	0.13280	0.1980	0.1043

[→ (569, 31)

<sup>#</sup> Размер датасета — 8143 строк, 7 колонок datal.shape

# Список колонок data1.columns

```
total_count = data1.shape[0]
print('Всего строк: {}'.format(total_count))

☐ Всего строк: 569
```

# Список колонок с типами данных datal.dtypes

float64 ¬ mean radius mean texture float64 mean perimeter float64 mean area float64 mean smoothness float64 mean compactness float64 mean concavity float64 float64 mean concave points mean symmetry float64 mean fractal dimension float64 radius error float64 texture error float64 perimeter error float64 area error float64 smoothness error float64 float64 compactness error concavity error float64 concave points error float64 symmetry error float64 fractal dimension error float64 worst radius float64 worst texture float64 worst perimeter float64 worst area float64 worst smoothness float64 worst compactness float64 worst concavity float64 worst concave points float64 worst symmetry float64 worst fractal dimension float64 target float64 dtype: object

<sup>#</sup> Проверим наличие пустых значений

```
# Количество пустых значений — все значения заполнены data1.isnull().sum()
```

```
    mean radius

                           0
   mean texture
   mean perimeter
   mean area
   mean smoothness
   mean smoothness
   mean concavity
   mean concave points
   mean symmetry
   mean fractal dimension
   radius error
   texture error
   perimeter error
   area error
   smoothness error
   compactness error
   concavity error
   concave points error
   symmetry error
   fractal dimension error 0
   worst radius
   worst texture
   worst perimeter
   worst area
   worst smoothness
   worst compactness
   worst concavity
   worst concave points 0
   worst symmetry
   worst fractal dimension 0
   target
   dtype: int64
```

Мы заметили, что все данные имеют тип float64, поэтом категориальную кодировку символов. И мы также обра данных нет пропусков, поэтому нам не нужно анализиропуски в данных.

```
# Основные статистические характеристки набора данных datal.describe()
```

 $\Box$ 

		mean radius	mean texture	mean perimeter	mean area	mean smoothness	mean compactness	conc
	count	569.000000	569.000000	569.000000	569.000000	569.000000	569.000000	569.
	mean	14.127292	19.289649	91.969033	654.889104	0.096360	0.104341	0.
	std	3.524049	4.301036	24.298981	351.914129	0.014064	0.052813	0.
	min	6.981000	9.710000	43.790000	143.500000	0.052630	0.019380	0.
Эпрел	іелим vi	никальные зна	чения пля цел	іевого признак	a			

```
#Определим уникальные значения для целевого признака data1['target'].unique()
```

Целевой признак является бинарным и содержит только значения 0 и 1.

### 3) Визуальное исследование датасета

Для визуального исследования могут быть использованы различные виды диаграмм, буде диаграмм, которые используются достаточно часто.

Будет использовано две библиотеки:

- Matplotlib
- Seaborn

### ▼ Диаграмма рассеяния

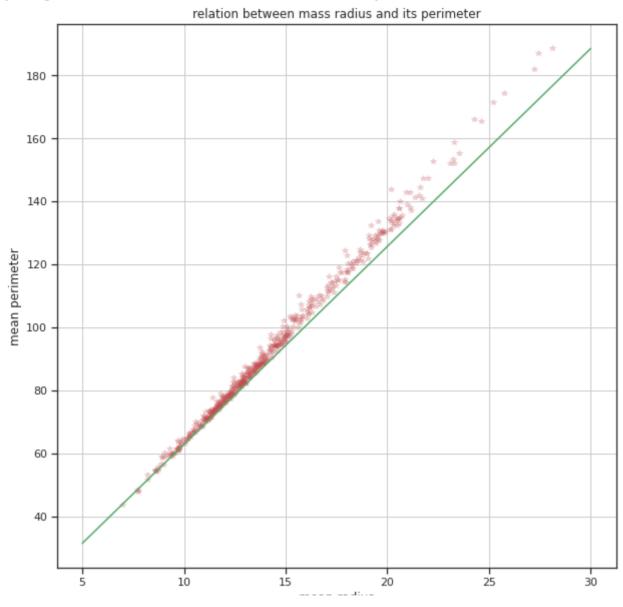
Позволяет построить распределение двух колонок данных и визуально обнаружить наличи значения упорядочены (например, по времени).

# \*Matplotlib\*

```
fig=plt.figure(figsize=(10,10))
ax=fig.gca()
ax.grid()
plt.plot(data1['mean radius'],data1['mean perimeter'],'*r',alpha=0.2)
ax.set_xlabel('mean radius')
ax.set_ylabel('mean perimeter')
ax.set_title('relation between mass radius and its perimeter')
xxx=np.linspace(5,30)
yyy=2*np.pi*xxx
plt.plot(xxx,yyy,'g')
```

₽

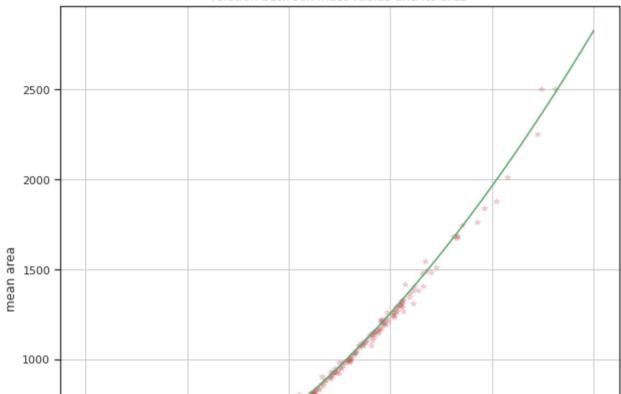
#### [<matplotlib.lines.Line2D at 0x7f1efc317e10>]



```
fig=plt.figure(figsize=(10,10))
ax=fig.gca()
ax.grid()
plt.plot(data1['mean radius'],data1['mean area'],'*r',alpha=0.2)
ax.set_xlabel('mean radius')
ax.set_ylabel('mean area')
ax.set_title('relation between mass radius and its area')
xxx=np.linspace(5,30)
yyy=np.pi*xxx**2
plt.plot(xxx,yyy,'g')
```

[<matplotlib.lines.Line2D at 0x7f1efc2c3f28>]



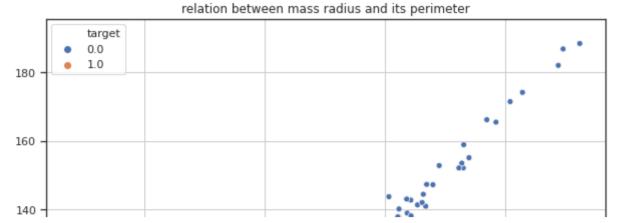


# \*Seaborn\*

fig=plt.figure(figsize=(10,10))
ax=fig.gca()
ax.grid()
sns.scatterplot(data1['mean radius'],data1['mean perimeter'],color='r',hue=data1['t
ax.set title('relation between mass radius and its perimeter')

С→

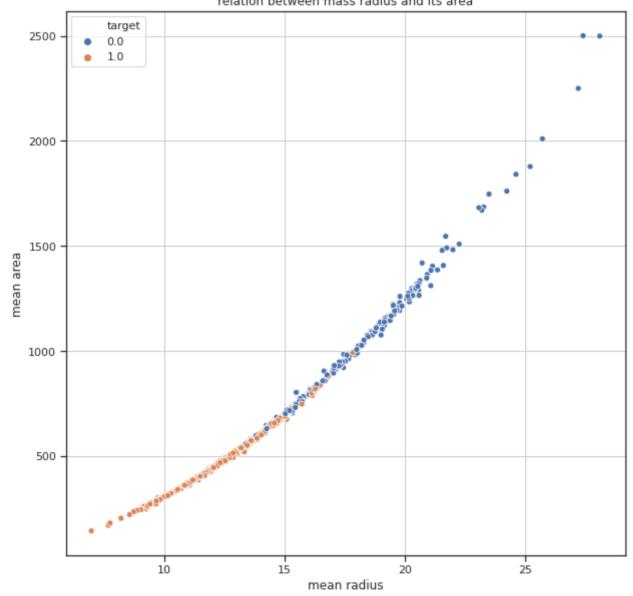
Text(0.5, 1.0, 'relation between mass radius and its perimeter')



fig=plt.figure(figsize=(10,10))
ax=fig.gca()
ax.grid()

sns.scatterplot(data1['mean radius'],data1['mean area'],color='r',hue=data1['target
ax.set\_title('relation between mass radius and its area')

Text(0.5, 1.0, 'relation between mass radius and its area') relation between mass radius and its area



Можно видеть что между полями mean radius и mean perimeter пристутствует почти линейн Можно видеть что между полями mean radius и mean area пристутствует почти параболичес

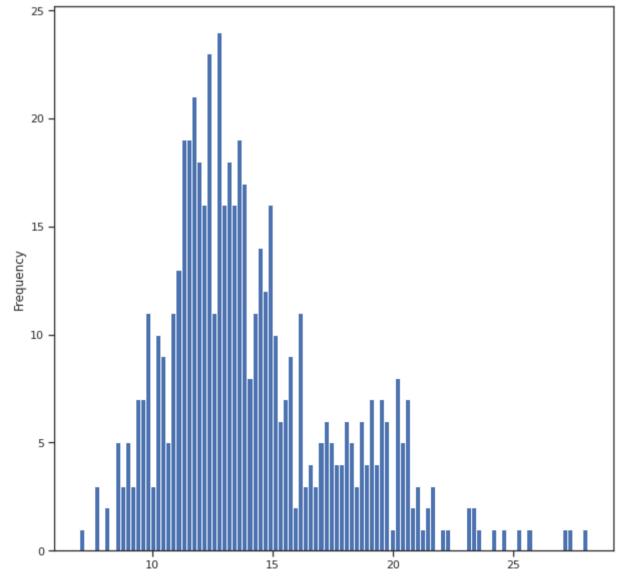
### ▼ Гистограмма

Позволяет оценить плотность вероятности распределения данных.

# \*Matplotlib\*

```
fig=plt.figure(figsize=(10,10))
ax=fig.gca()
data1['mean radius'].plot.hist(bins=100)
```

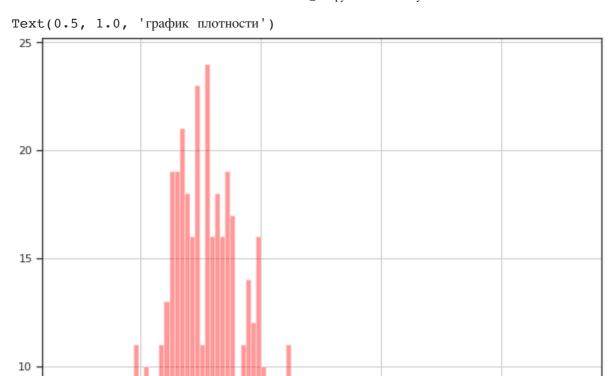
#### <matplotlib.axes.\_subplots.AxesSubplot at 0x7f1efc36b518>





```
fig=plt.figure(1,figsize=(10,10))
ax=fig.gca()
ax.grid()
sns.distplot(datal['mean radius'],rug=False,kde=False,color='red',bins=100)
fig=plt.figure(figsize=(10,10))
ax=fig.gca()
sns.kdeplot(datal['mean radius'], shade=True,bw=0.01);
ax.set_title('график плотности')
```

С→

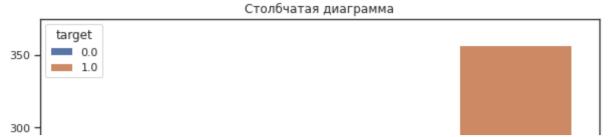


# - Столбчатая диаграмма

```
fig=plt.figure(figsize=(10,10))
ax=fig.gca()
sns.countplot(x=data1['target'],hue=data1['target'])
ax.set_title('Столбчатая диаграмма')

[>
```

Text(0.5, 1.0, 'Столбчатая диаграмма')



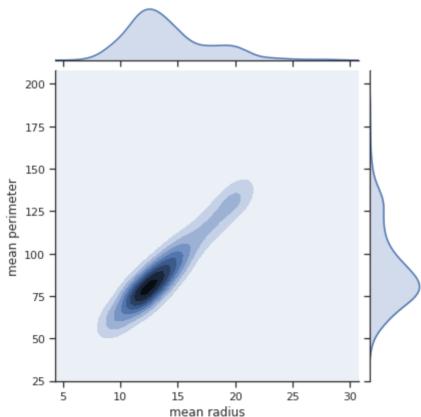
Этот график показывает, когда у человека есть опухоль, какой процент является злокачест независимо от характеристик опухоли.

# Joinplot

Комбинация гистограмм и диаграмм рассеивания.

sns.jointplot(data1['mean radius'],data1['mean perimeter'],kind='kde')

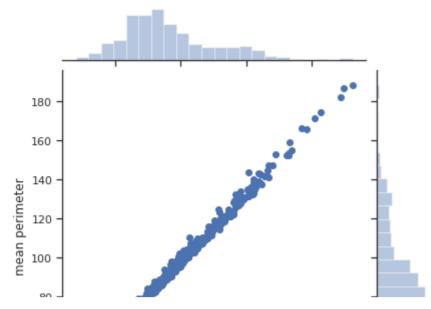
#### Seaborn.axisgrid.JointGrid at 0x7f1ef9107198>



sns.jointplot(data1['mean radius'],data1['mean perimeter'],kind='scatter')

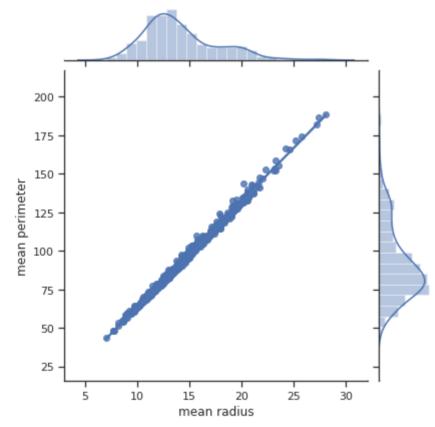
 $\Box$ 

<seaborn.axisgrid.JointGrid at 0x7f1ef911dcc0>



sns.jointplot(data1['mean radius'],data1['mean perimeter'],kind='reg')

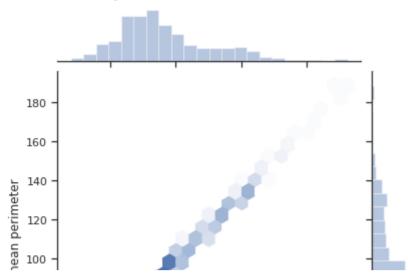
#### <> <seaborn.axisgrid.JointGrid at 0x7f1ef756f908>



sns.jointplot(data1['mean radius'],data1['mean perimeter'],kind='hex')

₽

<seaborn.axisgrid.JointGrid at 0x7f1ef745e710>

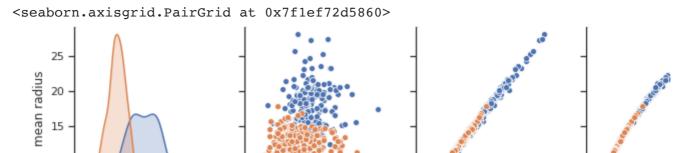


# Парные диаграммы

Комбинация гистограмм и диаграмм рассеивания для всего набора данных.

Выводится матрица графиков. На пересечении строки и столбца, которые соответстуют дву рассеивания. В главной диагонали матрицы строятся гистограммы распределения соответ

sns.pairplot(datal[['mean radius','mean texture','mean perimeter','mean area','targ



## ▼ Ящик с усами

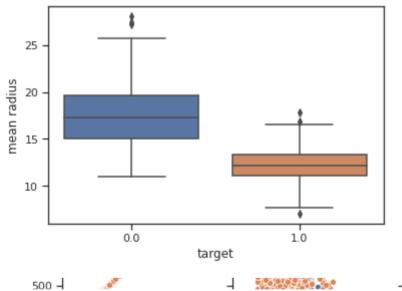
10

40 -

Отображает одномерное распределение вероятности.

```
sns.boxplot(x='target', y='mean radius', data=data1)
```

#### <matplotlib.axes.\_subplots.AxesSubplot at 0x7f1ef6c4c0b8>



мы можем видеть, что медиана "mean radius" доброкачественной опухоли меньше, чем мед

mean radius — mean texture — mean perimeter — mean

# ▼ Violin plot

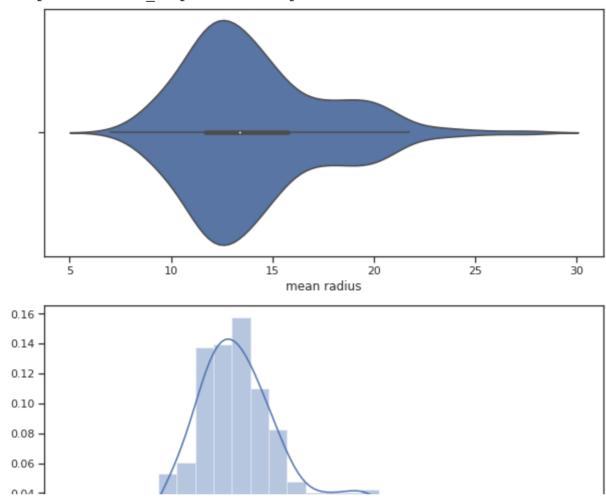
Похоже на предыдущую диаграмму, но по краям отображаются распределения плотности.

```
fig, ax = plt.subplots(2, 1, figsize=(10,10))
sns.violinplot(ax=ax[0], x=data1['mean radius'])
sns.distplot(data1['mean radius'], ax=ax[1])
```

 $\Box$ 

- / /

<matplotlib.axes.\_subplots.AxesSubplot at 0x7f1ef6c14c18>

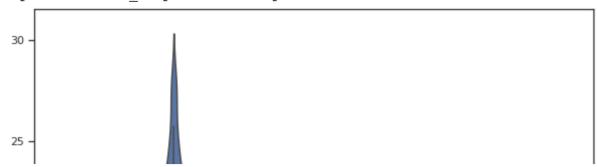


fig=plt.figure(figsize=(10,10))
ax=fig.gca()

sns.violinplot(x=data1['target'], y=data1['mean radius'], data=data1)

₽

<matplotlib.axes.\_subplots.AxesSubplot at 0x7f1ef6c0ce80>



# 4) Информация о корреляции признаков



	mean radius	mean texture	mean perimeter	mean area	mean smoothness	mean compactness	СО
mean radius	1.000000	0.323782	0.997855	0.987357	0.170581	0.506124	
mean texture	0.323782	1.000000	0.329533	0.321086	-0.023389	0.236702	
mean perimeter	0.997855	0.329533	1.000000	0.986507	0.207278	0.556936	
mean area	0.987357	0.321086	0.986507	1.000000	0.177028	0.498502	
mean smoothness	0.170581	-0.023389	0.207278	0.177028	1.000000	0.659123	
mean compactness	0.506124	0.236702	0.556936	0.498502	0.659123	1.000000	
mean concavity	0.676764	0.302418	0.716136	0.685983	0.521984	0.883121	
mean concave points	0.822529	0.293464	0.850977	0.823269	0.553695	0.831135	
mean symmetry	0.147741	0.071401	0.183027	0.151293	0.557775	0.602641	
mean fractal dimension	-0.311631	-0.076437	-0.261477	-0.283110	0.584792	0.565369	
radius error	0.679090	0.275869	0.691765	0.732562	0.301467	0.497473	
texture error	-0.097317	0.386358	-0.086761	-0.066280	0.068406	0.046205	
perimeter error	0.674172	0.281673	0.693135	0.726628	0.296092	0.548905	
area error	0.735864	0.259845	0.744983	0.800086	0.246552	0.455653	
smoothness error	-0.222600	0.006614	-0.202694	-0.166777	0.332375	0.135299	
compactness error	0.206000	0.191975	0.250744	0.212583	0.318943	0.738722	

В нашем случае набор данных имеет большое количество признаков, поэтому анализ число становится неудобным.

Чтобы визуализировать матрицу корреляции, мы будем использовать тепловую карту тепл корреляции в разных цветах.

#### error

```
'radius error', 'texture error', 'perimeter error', 'area error',
       'smoothness error', 'compactness error', 'concavity error',
       'concave points error', 'symmetry error',
       'fractal dimension error', 'worst radius', 'worst texture',
       'worst perimeter', 'worst area', 'worst smoothness',
       'worst compactness', 'worst concavity', 'worst concave points',
       'worst symmetry', 'worst fractal dimension']
     compacmess
sc1 = StandardScaler()
sc1 data = sc1.fit transform(data1[scale cols])
scale_cols_postfix = [x+'_scaled' for x in scale_cols]
data scaled=pd.DataFrame(data=np.c [sc1 data,cancer['target']],
                   columns = scale cols postfix + ['target'])
      WUISL II AULAI
                  0.007066 0.119205
                                      0.051019 0.003738
                                                            0 499316
                                                                         0.687382
```

### ▼ Корреляционные матрицы для исходных данных

<matplotlib.axes.\_subplots.AxesSubplot at 0x7f1ef6c26b70>

_														
mean radius –	1.000	0.324	0.998	0.987	0.171	0.506	0.677	0.823	0.148	-0.312	0.679	-0.097	0.674	0.736
mean texture –	0.324	1.000	0.330	0.321	-0.023	0.237	0.302	0.293	0.071	-0.076	0.276	0.386	0.282	0.260
mean perimeter –	0.998	0.330	1.000	0.987	0.207	0.557	0.716	0.851	0.183	-0.261	0.692	-0.087	0.693	0.745
mean area –	0.987	0.321	0.987	1.000	0.177	0.499	0.686	0.823	0.151	-0.283	0.733	-0.066	0.727	0.800
mean smoothness –	0.171	-0.023	0.207	0.177	1.000	0.659	0.522	0.554	0.558	0.585	0.301	0.068	0.296	0.247
mean compactness –	0.506	0.237	0.557	0.499	0.659	1.000	0.883	0.831	0.603	0.565	0.497	0.046	0.549	0.456
mean concavity –	0.677	0.302	0.716	0.686	0.522	0.883	1.000	0.921	0.501	0.337	0.632	0.076	0.660	0.617
mean concave points –	0.823	0.293	0.851	0.823	0.554	0.831	0.921	1.000	0.462	0.167	0.698	0.021	0.711	0.690
mean symmetry –	0.148	0.071	0.183	0.151	0.558	0.603	0.501	0.462	1.000	0.480	0.303	0.128	0.314	0.224
mean fractal dimension –	-0.312	-0.076	-0.261	-0.283	0.585	0.565	0.337	0.167	0.480	1.000	0.000	0.164	0.040	-0.090
radius error –	0.679	0.276	0.692	0.733	0.301	0.497	0.632	0.698	0.303	0.000	1.000	0.213	0.973	0.952
texture error -	-0.097	0.386	-0.087	-0.066	0.068	0.046	0.076	0.021	0.128	0.164	0.213	1.000	0.223	0.112
perimeter error –	0.674	0.282	0.693	0.727	0.296	0.549	0.660	0.711	0.314	0.040	0.973	0.223	1.000	0.938
area error –	0.736	0.260	0.745	0.800	0.247	0.456	0.617	0.690	0.224	-0.090	0.952	0.112	0.938	1.000
smoothness error –	-0.223	0.007	-0.203	-0.167	0.332	0.135	0.099	0.028	0.187	0.402	0.165	0.397	0.151	0.075
compactness error –	0.206	0.192	0.251	0.213	0.319	0.739	0.670	0.490	0.422	0.560	0.356	0.232	0.416	0.285
concavity error –	0.194	0.143	0.228	0.208	0.248	0.571	0.691	0.439	0.343	0.447	0.332	0.195	0.362	0.271
concave points error –	0.376	0.164	0.407	0.372	0.381	0.642	0.683	0.616	0.393	0.341	0.513	0.230	0.556	0.416
svmmetrv error –	-0.104	0.009	-0.082	-0.072	0.201	0.230	0.178	0.095	0.449	0.345	0.241	0.412	0.266	0.134

### ▼ Корреляционные матрицы для масштабированных данных

```
worst radius - 0.970 0.353 0.969 0.963 0.213 0.535 0.688 0.830 0.186 0.254 0.715 0.112 0.697 0.757
fig=plt.figure(figsize=(25,18))
ax=fig.gca()
sns.heatmap(data_scaled.corr(), annot = True, vmin=-1, vmax=1, center= 0, cmap= 'se
```

<matplotlib.axes.\_subplots.AxesSubplot at 0x7f1ef6af7940>

mean radius_scaled =	1.000	0.324	0.998	0.987	0.171	0.506	0.677	0.823	0.148	-0.312	0.679	-0.097	0.674
mean texture_scaled =	0.324	1.000	0.330	0.321	-0.023	0.237	0.302	0.293	0.071	-0.076	0.276	0.386	0.282
mean perimeter_scaled =	0.998	0.330	1.000	0.987	0.207	0.557	0.716	0.851	0.183	-0.261	0.692	-0.087	0.693
mean area_scaled =	0.987	0.321	0.987	1.000	0.177	0.499	0.686	0.823	0.151	-0.283	0.733	-0.066	0.727
mean smoothness_scaled =	0.171	-0.023	0.207	0.177	1.000	0.659	0.522	0.554	0.558	0.585	0.301	0.068	0.296
mean compactness_scaled =	0.506	0.237	0.557	0.499	0.659	1.000	0.883	0.831	0.603	0.565	0.497	0.046	0.549
mean concavity_scaled =	0.677	0.302	0.716	0.686	0.522	0.883	1.000	0.921	0.501	0.337	0.632	0.076	0.660
mean concave points_scaled =	0.823	0.293	0.851	0.823	0.554	0.831	0.921	1.000	0.462	0.167	0.698	0.021	0.711
mean symmetry_scaled =	0.148	0.071	0.183	0.151	0.558	0.603	0.501	0.462	1.000	0.480	0.303	0.128	0.314
mean fractal dimension_scaled -	-0.312	-0.076	-0.261	-0.283	0.585	0.565	0.337	0.167	0.480	1.000	0.000	0.164	0.040
radius error_scaled =	0.679	0.276	0.692	0.733	0.301	0.497	0.632	0.698	0.303	0.000	1.000	0.213	0.973
texture error_scaled =	-0.097	0.386	-0.087	-0.066	0.068	0.046	0.076	0.021	0.128	0.164	0.213	1.000	0.223
perimeter error_scaled =	0.674	0.282	0.693	0.727	0.296	0.549	0.660	0.711	0.314	0.040	0.973	0.223	1.000
area error_scaled =	0.736	0.260	0.745	0.800	0.247	0.456	0.617	0.690	0.224	-0.090	0.952	0.112	0.938
smoothness error_scaled -	-0.223	0.007	-0.203	-0.167	0.332	0.135	0.099	0.028	0.187	0.402	0.165	0.397	0.151
compactness error_scaled =	0.206	0.192	0.251	0.213	0.319	0.739	0.670	0.490	0.422	0.560	0.356	0.232	0.416
concavity error_scaled =	0.194	0.143	0.228	0.208	0.248	0.571	0.691	0.439	0.343	0.447	0.332	0.195	0.362
concave points error_scaled -	0.376	0.164	0.407	0.372	0.381	0.642	0.683	0.616	0.393	0.341	0.513	0.230	0.556
symmetry error_scaled =	-0.104	0.009	-0.082	-0.072	0.201	0.230	0.178	0.095	0.449	0.345	0.241	0.412	0.266
fractal dimension error_scaled -	-0.043	0.054	-0.006	-0.020	0.284	0.507	0.449	0.258	0.332	0.688	0.228	0.280	0.244
worst radius_scaled -	0.970	0.353	0.969	0.963	0.213	0.535	0.688	0.830	0.186	-0.254	0.715	-0.112	0.697
worst texture_scaled -	0.297	0.912	0.303	0.287	0.036	0.248	0.300	0.293	0.091	-0.051	0.195	0.409	0.200
worst perimeter_scaled =	0.965	0.358	0.970	0.959	0.239	0.590	0.730	0.856	0.219	-0.205	0.720	-0.102	0.721
worst area_scaled =	0.941	0.344	0.942	0.959	0.207	0.510	0.676	0.810	0.177	-0.232	0.752	-0.083	0.731
worst smoothness_scaled -	0.120	0.078	0.151	0.124	0.805	0.566	0.449	0.453	0.427	0.505	0.142	-0.074	0.130
worst compactness_scaled =	0.413	0.278	0.456	0.390	0.472	0.866	0.755	0.667	0.473	0.459	0.287	-0.092	0.342
worst concavity_scaled -	0.527	0.301	0.564	0.513	0.435	0.816	0.884	0.752	0.434	0.346	0.381	-0.069	0.419
worst concave points_scaled =	0.744	0.295	0.771	0.722	0.503	0.816	0.861	0.910	0.430	0.175	0.531	-0.120	0.555
worst symmetry_scaled -	0.164	0.105	0.189	0.144	0.394	0.510	0.409	0.376	0.700	0.334	0.095	-0.128	0.110

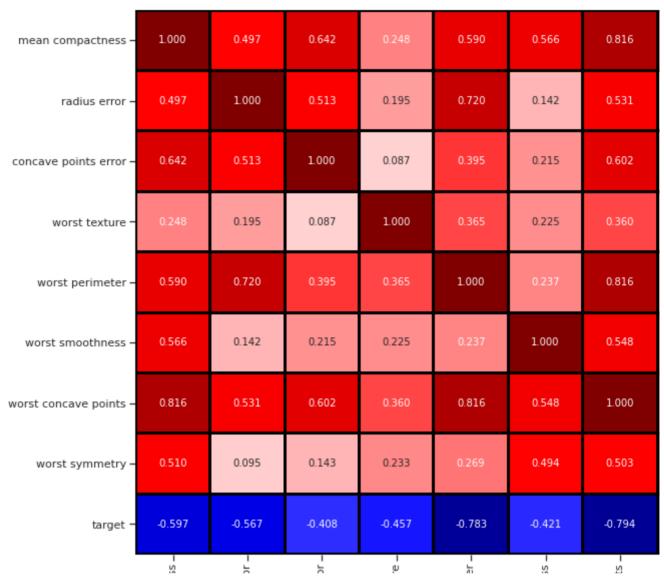
Корреляционная матрица содержит коэффициенты корреляции между всеми парами призі Корреляционная матрица симметрична относительно главной диагонали. На главной диаго признака самого с собой). На основе корреляционной матрицы можно сделать следующие выводы:

- Корреляционные матрицы для исходных и масштабированных данных совпадают.
- Целевой признак наиболее сильно коррелирует с "worst concave points" (-0.794) и "worst oбязательно следует оставить в модели.
- Целевой признак отчасти коррелирует с "mean compactness" (-0.597), "radius error" (-0.56 texture" (-0.547), "worst smoothness" (-0.421), "worst symmetry" (-0.416). Этот признак стои
- Целевой признак слабо коррелирует с "mean smoothness" (-0.359), "mean symmetry" (-0 "texture error" (0.008), "smothness error" (0.067), "Compactness error" (-0.293), "concavity є "fractal dimension error" (-0.078) и "worst fractal dimension" (-0.324). Скорее всего эти при возможно они только ухудшат качество модели.
- "mean radius" и "mean perimeter" очень сильно коррелируют между собой (0.998). Это н величина производная от mean radius. Поэтому из этих признаков в модели можно ос и то же самое между "mean radius" и ("mean area" (0.987), "worst radius" (0.969), "worst pe
- "mean texture" и "worst texture" очень сильно коррелируют между собой (0.912). Это неу производная от mean texture. Поэтому из этих признаков в модели можно оставлять т
- "radius error" и "perimeter error" очень сильно коррелируют между собой (0.973). Это неу производная от radius error. Поэтому из этих признаков в модели можно оставлять тол и то же самое между "radius error" и "area error" (0.952)
- "mean concavity" и "worst concave points" очень сильно коррелируют между собой (0.86 concavity величина производная от worst concave points. Поэтому из этих признаков в и то же самое между "worst concave points" и ("mean concave points" (0.910), "worst conc
- "mean compactness" и "worst compactness" очень сильно коррелируют между собой (0. compactness величина производная от worst compactness. Поэтому из этих признаков
- Также можно сделать вывод, что выбирая из признаков ("mean radius", "mean perimeter "worst area") лучше выбрать "worst perimeter", потому что он сильнее коррелирован с це зависимые признаки сильно коррелированы с целевым, то оставляют именно тот при сильнее.

# Матрица корреляции после удаления столбцов, которые не име модели

```
fig=plt.figure(figsize=(15,10))
ax=fig.gca()
sns.heatmap(datal[['mean compactness','radius error','concave points error','worst
C>
```

<matplotlib.axes.\_subplots.AxesSubplot at 0x7f1ef4f8afd0>



# - 4) Выбор метрик для последующей оценки качества мо

Мы будем использовать метрику для точности, f1\_score, отзыва и roc\_auc. И мы увидим крипутаницы.

```
class MetricLogger:
```

```
\pi добавление пового эпачения
    temp = [{'metric':metric, 'alg':alg, 'value':value}]
    self.df = self.df.append(temp, ignore index=True)
def get data for metric(self, metric, ascending=True):
    Формирование данных с фильтром по метрике
    temp data = self.df[self.df['metric']==metric]
    temp data 2 = temp data.sort values(by='value', ascending=ascending)
    return temp data 2['alg'].values, temp data 2['value'].values
def plot(self, str header, metric, ascending=True, figsize=(5, 5)):
    Вывод графика
    array labels, array metric = self.get data for metric(metric, ascending)
    fig, ax1 = plt.subplots(figsize=figsize)
    pos = np.arange(len(array_metric))
    rects = ax1.barh(pos, array metric,
                     align='center',
                     height=0.5,
                     tick label=array labels)
    ax1.set title(str header)
    for a,b in zip(pos, array metric):
        plt.text(0.5, a-0.05, str(round(b,3)), color='white')
    plt.show()
```

# - 5)Выбор признаков, подходящих для построения модел

Как мы уже говорили, мы будем использовать mean compactness, radius error, concave points smoothness, worst concave points, и worst symmetry за модель. Все остальные признаки мал

# - 6) Выбор моделей для решения задачи

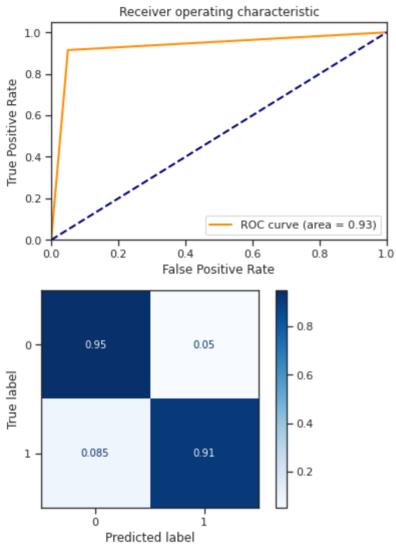
Мы выберем многие модели для классификации, а затем сравним их производительность будем использовать K-Neighbours Classifier с пятью соседями, классификатор дерева решенклассификатор повышения градиента, классификатор мешков, классификатор дополнител повышения Ada.

```
clas models = {'LogR': LogisticRegression(),
              'KNN 5': KNeighborsClassifier(n neighbors=5),
              'SVC':SVC(),
              'Tree':DecisionTreeClassifier(),
              'RF':RandomForestClassifier(),
              'GB':GradientBoostingClassifier(),
              'Bag':BaggingClassifier(),
              'ExTree':ExtraTreesClassifier(),
              'Adab':AdaBoostClassifier()}
# Сохранение метрик
clasMetricLogger = MetricLogger()
# Отрисовка ROC-кривой
def draw roc curve(y true, y score, pos label=1, average='micro'):
   fpr, tpr, thresholds = roc curve(y true, y score,
                                   pos label=pos label)
   roc auc value = roc auc score(y true, y score, average=average)
   plt.figure()
   lw = 2
   plt.plot(fpr, tpr, color='darkorange',
            lw=lw, label='ROC curve (area = %0.2f)' % roc auc value)
   plt.plot([0, 1], [0, 1], color='navy', lw=lw, linestyle='--')
   plt.xlim([0.0, 1.0])
   plt.ylim([0.0, 1.05])
   plt.xlabel('False Positive Rate')
   plt.ylabel('True Positive Rate')
   plt.title('Receiver operating characteristic')
   plt.legend(loc="lower right")
   plt.show()
def clas train model(model name, model, clasMetricLogger):
   model.fit(X train, y train)
   Y pred = model.predict(X test)
   precision = precision score(y test.values, Y pred)
   recall = recall score(y test.values, Y pred)
   f1 = f1 score(y test.values, Y pred)
   roc auc = roc auc score(y test.values, Y pred)
   clasMetricLogger.add('precision', model name, precision)
   clasMetricLogger.add('recall', model name, recall)
   clasMetricLogger.add('f1', model_name, f1)
   clasMetricLogger.add('roc auc', model name, roc auc)
   print(model)
   draw roc curve(y test.values, Y pred)
   plot_confusion_matrix(model, X_test, y_test.values,
                    display labels=['0','1'],
```

```
cmap=plt.cm.Blues, normalize='true')
   plt.show()
for model_name, model in clas_models.items():
   clas_train_model(model_name, model, clasMetricLogger)
С→
```

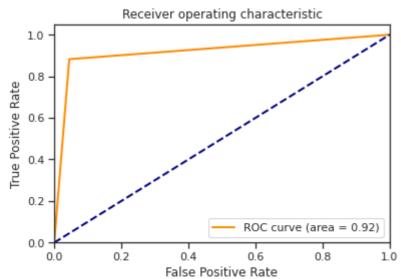
\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*

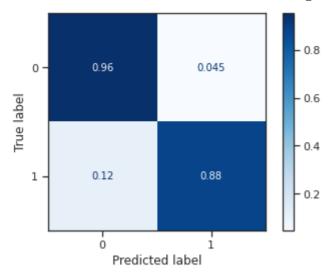
\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*



\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*

\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*

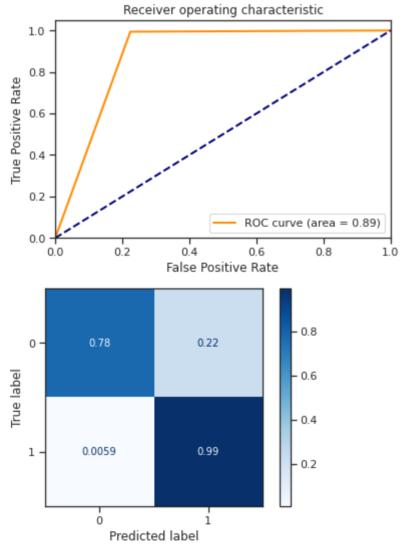




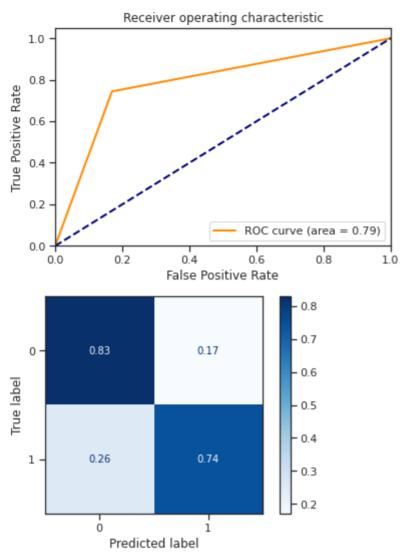
\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*

SVC(C=1.0, break\_ties=False, cache\_size=200, class\_weight=None, coef0=0.0,
 decision\_function\_shape='ovr', degree=3, gamma='scale', kernel='rbf',
 max\_iter=-1, probability=False, random\_state=None, shrinking=True,
 tol=0.001, verbose=False)

\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*

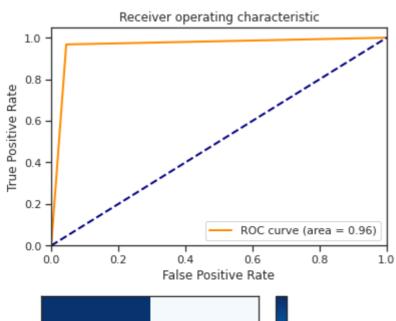


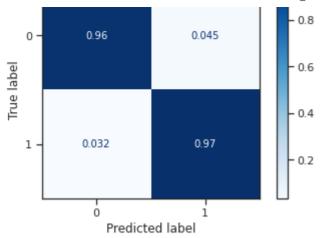
\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*



\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*

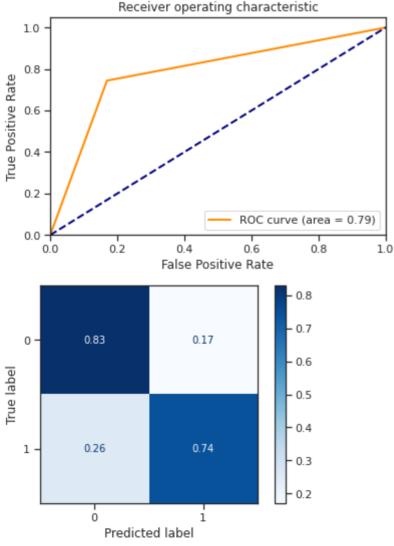
RandomForestClassifier(bootstrap=True, ccp\_alpha=0.0, class\_weight=None, criterion='gini', max\_depth=None, max\_features='auto', max\_leaf\_nodes=None, max\_samples=None, min\_impurity\_decrease=0.0, min\_impurity\_split=None, min\_samples\_leaf=1, min\_samples\_split=2, min\_weight\_fraction\_leaf=0.0, n\_estimators=100, n\_jobs=None, oob\_score=False, random\_state=None, verbose=0, warm start=False)





\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*

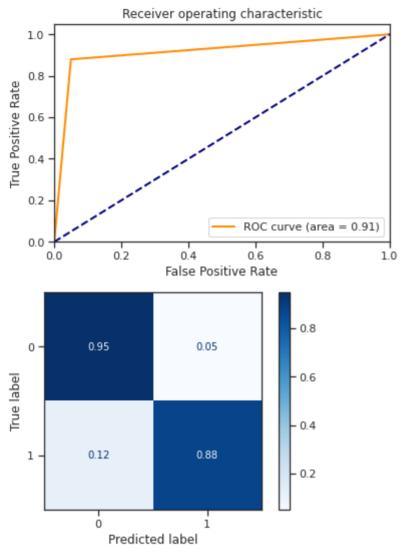
\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*



\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*

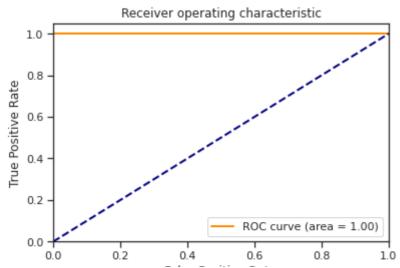
n\_jobs=None, oob\_score=False, random\_state=None, verbose=0,
warm start=False)

\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*

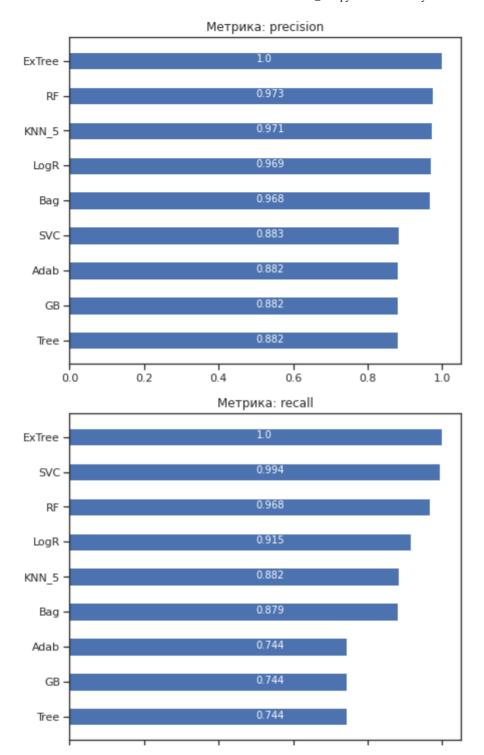


\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*

\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*



Мы видим, что RandomForestClassifier и ExtraTreesClassifier имеют наилучшую производител кривой ROC. Мы также увидит меру других показателей по всем классификаторам, так что



B соответствии с precision: ExtraTreesClassifier имеет наилучшие значения, потом BaggingCla Согласно recall: ExtraTreesClassifier имеет наилучшие значения, потом SVC, потом RandomFo Score»: наилучший результат имеют ExtraTreesClassifier, потом RandomForestClassifier, потом

# - 7)Подбор гиперпараметров для выбранных моделей.

Мы будем изменять количество соседей, которое имеет классификатор k-соседей. и увидет поиска по сетке

n\_range = np.array(range(1,22,1))
tuned parameters = [{'n neighbors': n range}]
https://colab.research.google.com/drive/16opNzsLa7z0l3mEfpRt6N2jbmpCPc\_oS#scrollTo=vRV9q\_tvnAnj&printMode=true

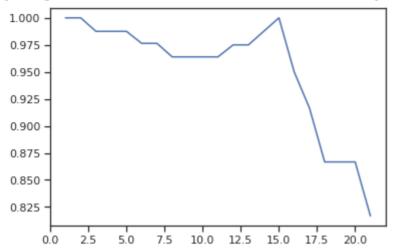
```
tuned parameters
   [{'n_neighbors': array([ 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14
             18, 19, 20, 21])}]
                           Motputes roc suc
#%%time
clf gs = GridSearchCV(KNeighborsClassifier(), tuned parameters, cv=5, scoring='roc
clf_gs.fit(X_train, y_train)
GridSearchCV(cv=5, error score=nan,
                 estimator=KNeighborsClassifier(algorithm='auto', leaf_size=30,
                                               metric='minkowski',
                                               metric params=None, n jobs=None,
                                               n neighbors=5, p=2,
                                               weights='uniform'),
                 iid='deprecated', n jobs=None,
                 param_grid=[{'n_neighbors': array([ 1,  2,  3,  4,  5,  6,  7,  8
           18, 19, 20, 21])}],
                 pre dispatch='2*n jobs', refit=True, return train score=False,
                 scoring='roc auc', verbose=0)
                                                        I
clf_gs.cv_results_
Г⇒
```

```
{'mean fit time': array([0.00310426, 0.0018362 , 0.00173659, 0.00171471, 0.002
            0.00186629, 0.00178323, 0.00172935, 0.0017169 , 0.00179191,
            0.00165772, 0.00164089, 0.00162826, 0.00163569, 0.00164137,
            0.00168605, 0.00163426, 0.00164008, 0.00164742, 0.0018301,
            0.00204983]),
     'mean score time': array([0.0036181 , 0.00236197, 0.00221562, 0.00217724, 0.00
            0.00231009, 0.00225224, 0.00219083, 0.00220208, 0.00230036,
            0.00220351, 0.00217261, 0.0021749 , 0.00221562, 0.00223656,
            0.00219994, 0.00216308, 0.00216784, 0.00219531, 0.00236921,
            0.00279932]),
     'mean_test_score': array([1. , 1. , 0.9875 , 0.9875
                                                                          , 0.9
            0.97638889, 0.97638889, 0.96388889, 0.96388889, 0.96388889,
            0.96388889, 0.975 , 0.975 , 0.9875 , 1.
            0.95
                     , 0.91666667, 0.86666667, 0.86666667, 0.86666667,
            0.816666671),
     'param n neighbors': masked array(data=[1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12
                       17, 18, 19, 20, 21],
                 mask=[False, False, False, False, False, False, False, False,
                       False, False, False, False, False, False, False,
                       False, False, False, False, False],
            fill value='?',
                dtype=object),
     'params': [{'n neighbors': 1},
      {'n neighbors': 2},
      {'n neighbors': 3},
      {'n neighbors': 4},
      {'n neighbors': 5},
      {'n neighbors': 6},
      {'n neighbors': 7},
      {'n neighbors': 8},
      {'n neighbors': 9},
      {'n neighbors': 10},
      {'n neighbors': 11},
      {'n neighbors': 12},
      {'n neighbors': 13},
      {'n neighbors': 14},
      {'n neighbors': 15},
      {'n neighbors': 16},
      {'n neighbors': 17},
      {'n neighbors': 18},
      {'n neighbors': 19},
      {'n neighbors': 20},
# Лучшая модель
clf qs.best estimator

☐→ KNeighborsClassifier(algorithm='auto', leaf size=30, metric='minkowski',
                        metric params=None, n jobs=None, n neighbors=1, p=2,
                        weights='uniform')
            0.55/5, 0.55/5, 0.55/5, 0.55/5, 0.55/5, 1. , 0.75 ,
clf gs.best score
[→ 1.0
            # Лучшее значение параметров
clf gs.best params
   {'n neighbors': 1}
```

# Изменение качества на тестовой выборке в зависимости от K-соседей plt.plot(n\_range, clf\_gs.cv\_results\_['mean\_test\_score'])





clas\_models\_grid = {'KNN\_1':clf\_gs.best\_estimator\_}

for model\_name, model in clas\_models\_grid.items():
 clas train model(model name, model, clasMetricLogger)

Г⇒

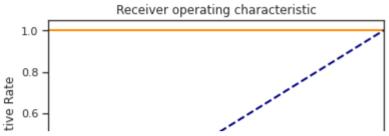
```
***************
    KNeighborsClassifier(algorithm='auto', leaf size=30, metric='minkowski',
                       metric params=None, n jobs=None, n neighbors=1, p=2,
                       weights='uniform')
    ***************
from sklearn.model selection import KFold
from sklearn.model selection import cross val score
k fold = KFold(n splits=10, shuffle=True, random state=0)
clf = ExtraTreesClassifier()
scoring = 'accuracy'
score = cross val score(clf, X train, y train, cv=k fold, n jobs=1, scoring=scoring
print(score)
round(np.mean(score)*100, 2)
   [1. 1. 1. 1. 1. 1. 1. 1. 1. 1.]
    100.0
                          --- ROC curve (area = 0.93) |
```

## 8)Решение задачи классификации

Итак, наконец, мы используем классификатор LogisticRegression и видим его производител тестовыми данными.

```
clas_models_grid = {'Tree':ExtraTreesClassifier()}

for model_name, model in clas_models_grid.items():
    clas_train_model(model_name, model, clasMetricLogger)
```



# 9)Вывод

Таким образом, в нашей модели мы хорошо изучили данные и решили, какой из ее столбцо (после обработки всего объекта и пропущенных данных из него). Затем мы использовали ноценки их работы с нашими данными. Наилучшая производительность была у классификат можем использовать нашу модель для прогнозирования, у кого рак, а у кого нет, и мы можем использовать и 100% recall.

