SEBAOUNE Ahmed

N_ETUDIANT: 22206789

Rapport TP: Calcul Numérique

13 janvier 2023

Exo 1: on suppose que E >0 et soit hER (XEE) Sh utilisat le developpement de tay tor ST(x+h) = T(x)+h $\frac{\partial T}{\partial x}$ + $\frac{h^2}{2}$ $\frac{\partial^2 T}{\partial x^2}$ $\frac{\partial h}{\partial x}$ = $\frac{\partial^2 T}{\partial x^2}$ $\frac{\partial h}{\partial x}$ + $\frac{\partial T}{\partial x}$ T(x+h) +T(n-h)= 2T(n) + h222T +0(h) 32T -T(x-h) +2T(x) -T(x+h) 21 On note pour tie Eo, n+1) 5 Tai) = Vi LAXU=3

Ki = ixh un nntl no ne $2n+1 = (N+1)h = \frac{N+1}{N+1} = 1$ alors $h = \frac{1}{N+1}$ eT(xo) = To = Vo T (renti) = T(1) = T1 = UNEL k - Ui + 2Ui - Ui+1 = gi Vie[1,n] Pour i=1 K-U1-2U4-UD=94 Var 2 83 2 13

Bour Uz & K= -U1+2W2-U3 =g2 on déduitque: -U1 + 2U2 - U3 = 12 92 Pour i=N SK-UN-1+2UN-UN+1=9n T CXN+1) = T1 = NNel end alos: -UN-1+ 2UN = ht gn ti Alors le syste linéaire: SAXU= & LAERNAN, v et FERM

Les matrices General Band

EXO 3:

1. creation et allocation de matrice pour CBLAS et LAPACK

Une matrice doit être stockée sous forme "General Band" c'est-à-dire on stocke les sous diagonales comme des lignes ou des colonnes.

Row Major : les éléments contigus appartiennent `à la m'eme ligne,

Column Major: les éléments contigus appartiennent à la même colonne.

```
1 double* AB = (double *) malloc(sizeof(double)*lab*la);
```

2. LAPACK_COL_MAJOR

signifie que les matrices sont stockées en mémoire en suivant un ordre de colonne. Cela signifie que les éléments d'une colonne de la matrice sont stockés les uns à la suite des autres dans la mémoire.

- dgbmv : Double General Banded Matrix-Vector elle permet de calculer le produit d'une matrice bande générale double précision par un vecteur. La fonction modifie le vecteur y pour lui donner la solution du système linéaire d'équations A*x = y. Les paramètres :
 - trans: Cette variable spécifie la forme de la matrice A. Elle peut prendre les valeurs 'N' pour une matrice non transposée ou 'T' pour une matrice transposée.
 - o m: C'est le nombre de lignes de la matrice A.

- n: C'est le nombre de colonnes de la matrice A.
- kl: C'est le nombre de bandes inférieures de la matrice A. Il s'agit du nombre de colonnes de la matrice qui sont situées en dessous de la diagonale principale.
- ku: C'est le nombre de bandes supérieures de la matrice A. Il s'agit du nombre de colonnes de la matrice qui sont situées au-dessus de la diagonale principale.
- alpha: C'est un scalaire qui multiplie la matrice A.
- A: C'est un pointeur vers la matrice A. La matrice A est stockée en mémoire sous forme de bande générale, c'est-à-dire que seuls les coefficients de la diagonale principale et des diagonales adjacentes sont stockés en mémoire.
- o Ida: C'est la taille de l'espacement entre les lignes de la matrice A.
- o x: C'est un pointeur vers le vecteur x.
- o incx: C'est l'espacement entre les éléments consécutifs du vecteur x.
- beta: C'est un scalaire qui multiplie le vecteur y avant de l'additionner à la matrice A multiplié par x.
- o y: C'est un pointeur vers le vecteur y.
- o incy: C'est l'espacement entre les éléments consécutifs du vecteur y.
- dgbtrf: Double General Banded Matrix LU factorization. elle calcule la factorisation LU de la matrice bande générale A. Cela signifie qu'elle décompose la matrice A en deux matrices triangulaires L et U tels que A = LU. Les matrices L et U remplacent les coefficients de A dans la mémoire. les paramètres:
 - n: C'est la dimension de la matrice bande générale A.
 - kl: C'est le nombre de bandes inférieures de la matrice A. Il s'agit du nombre de colonnes de la matrice qui sont situées en dessous de la diagonale principale.
 - ku: C'est le nombre de bandes supérieures de la matrice A. Il s'agit du nombre de colonnes de la matrice qui sont situées au-dessus de la diagonale principale.
 - A: C'est un pointeur vers la matrice A. La matrice A est stockée en mémoire sous forme de bande générale, c'est-à-dire que seuls les

- coefficients de la diagonale principale et des diagonales adjacentes sont stockés en mémoire.
- Ida: C'est la taille de l'espacement entre les lignes de la matrice A.
- ipiv: C'est un pointeur vers un tableau de taille n qui contiendra les permutations de pivot de Gauss.
- info: C'est un entier qui contiendra un code d'erreur après l'exécution de la fonction. Si info = 0, la factorisation a réussi. Si info < 0, il y a eu une erreur.
- dgbtrs: utilisée pour résoudre un système linéaire d'équations matricielles de la forme Ax = B, où A est une matrice de bande générale à double précision de dimension (n x n), La fonction dgbtrs utilise la méthode de LU (décomposition en matrices triangulaires) pour résoudre le système linéaire.
 - trans (input) : spécifie la forme de la matrice de bande. Peut prendre les valeurs 'N' (non transposée), 'T' (transposée) ou 'C' (conjuguée transposée).
 - o n (input): nombre de lignes de la matrice B.
 - kl (input) : nombre de bandes inférieures de la matrice A.
 - o ku (input) : nombre de bandes supérieures de la matrice A.
 - nrhs (input): nombre de colonnes de la matrice B.
 - o ab (input): matrice de bande A de dimension (kl+ku+1) x n.
 - Idab (input): longueur de la première dimension de la matrice A,
 c'est-à-dire la longueur de la ligne.
 - o ipiv (input): vecteur d'indice de permutation de dimension n.
 - b (input/output): matrice de dimension n x nrhs qui contient les termes indépendants (input) et les solutions (output).
 - o Idb (input) : longueur de la première dimension de la matrice B.
 - info (output): variable d'état qui contient 0 si la résolution s'est déroulée avec succès, sinon un entier positif indiquant la raison de l'échec.
- dgbtsv: est une routine de LAPACK qui résout un système linéaire de type Ax =
 b. La routine utilise un algorithme de décomposition LU de bande pour résoudre ce système linéaire. Ensuite, on résout le système linéaire en deux étapes en utilisant les matrices triangulaires L et U.
 - o N: la taille de la matrice A et des vecteurs x et b.
 - o KL: le nombre de bandes inférieures de la matrice A.

- KU : le nombre de bandes supérieures de la matrice A.
- o A: la matrice bande A, stockée dans l'ordre COL MAJOR.
- o LDA: la taille de l'allocation mémoire de la matrice A.
- o IPIV : un tableau qui stocke les permutations de ligne.
- o B: le vecteur b.
- o LDB : la taille de l'allocation mémoire du vecteur b.

8.

- 1. Calculer le vecteur résidu r = b Ax.
- 2. Calculer la norme euclidienne du vecteur résidu en utilisant la fonction BLAS "dnrm2" .
- 3. Calculer la norme euclidienne de b en utilisant la même fonction BLAS.
- 4. Calculer la norme du résidu relatif en divisant la norme du résidu par la norme de b, c'est-à-dire: ||r|| / ||b||.

EXO 4:

1. Écriture de stockage GB en priorité colonne pour la matrice de Poisson 1D

```
1 set_GB_operator_colMajor_poisson1D(AB, &lab, &la, &kv);
2 write_GB_operator_colMajor_poisson1D(AB, &lab, &la, "DATA/DIRECT/AB/AB.dat");
3
```

```
1 void set_GB_operator_colMajor_poisson1D(double* AB, int *lab, int *la, int *kv){
   int ii, jj, kk;
3
    for (jj=0;jj<(*la);jj++){
4
     kk = jj*(*lab);
5
      if (*kv>=0) {
        for (ii=0;ii< *kv;ii++){
7
    AB[kk+ii]=0.0;
8
        }
9
10
      AB[kk+ *kv]=-1.0;
      AB[kk+ *kv+1]=2.0;
11
12
      AB[kk+ *kv+2]=-1.0;
13
14
   AB[0]=0.0;
15
    if (*kv == 1) \{AB[1]=0;\}
16
17
     AB[(*lab)*(*la)-1]=0.0;
18 }
```

2. Utilisation la fonction BLAS dgbmv avec cette matrice

```
cblas_dgbmv(CblasColMajor,CblasConjTrans,la,la,kl,ku,1.0,AB+1,lab,EX_SOL,1,0.0,RHS,1);
```

3 .Proposez une méthode de validation

On peut calculer l'erreur relative et on vérifi

$$ERR = \frac{EX \ SOL - RHS}{RHS}$$

Le résultat obtenu après exécution est : 2.692638e-16 ,donc la fonction dgbmv donne des valeurs cohérentes.

EXO 5:

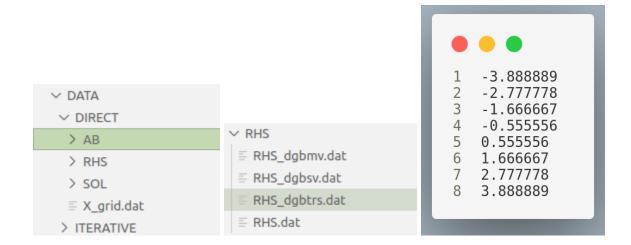
1. Résolution du système linéaire par une méthode directe en faisant appel à LAPACK

A.Partie DGBTRF, DGBTRS:

Utilisant les fonctions DGBTRF pour la factorisation et DGBTRS pour résoudre le système Ax =B on aura se code :

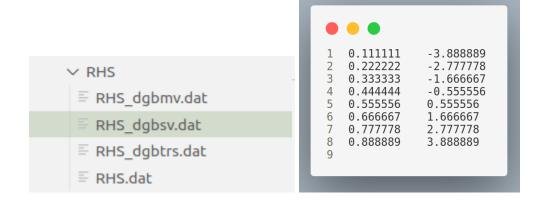
```
1 // DGBMV and DGBTRF DGBTRS to find RHS
 3
        // double* VECTOR dgbm
        cblas_dgbmv(CblasColMajor,CblasConjTrans,la,la,kl,ku,1.0,AB+1,lab,EX_SOL,1,0.0,RHS,1);
 4
        write_vec(RHS, &la, "DATA/RHS/RHS_dgbmv.dat");
 5
 6
        printf("Solution with LAPACK\n");
 7
 8
        /* LU Factorization */
 9
        info=0;
10
        ipiv = (int *) calloc(la, sizeof(int));
11
        LAPACK_dgbtrf(&la, &la, &kl, &ku, AB, &lab, ipiv, &info);
12
13
    /* LU for tridiagonal matrix (can replace dgbtrf_) */
14
        ierr = dgbtrftridiag(&la, &la, &kl, &ku, AB, &lab, ipiv, &info);
15
        write_GB_operator_colMajor_poisson1D(AB, &lab, &la, "DATA/AB/AB_dgbtrftridiag.dat");
16
17
        /* Solution (Triangular) */
        if (info==0) {
18
            LAPACK_dgbtrs("N", &la, &kl, &ku, &NRHS, AB, &lab, ipiv, RHS, &la, &info);
19
20
            write_vec(RHS, &la, "DATA/RHS/RHS_dgbtrs.dat");
            if (info!=0){printf("\n INFO DGBTRS = %d\n",info);}
21
22
        }else{
23
         printf("\n INFO = %d\n",info);
24
25
```

les résultats seront stockés dans le répertoire DATA/DIRECT :



B.Partie DGBSV:

```
1    set_GB_operator_colMajor_poisson1D(AB, &lab, &la, &kv);
2    set_dense_RHS_DBC_1D(RHS,&la,&T0,&T1);
3
4
5    /* It can also be solved with dgbsv (dgbtrf+dgbtrs) */
6    LAPACK_dgbsv(&la, &kl, &ku, &NRHS, AB, &lab, ipiv, RHS, &la, &info);
7
```



2. Evaluation de performances :

en calculant le temps d'exécution on aura :

```
• ahmed@ahmed-UX550VD:~/Desktop/CHPS/Claculs/Rapp_V2$ make run_tpPoisson1D_direct
bin/tpPoisson1D_direct
------ Poisson 1D ------

Solution with LAPACK
Execution time of DGBTRF and DGBTRS 0.004077 seconds
Execution time of DGBSV 0.000360 seconds
The relative forward error is relres = 2.692638e-16
```

On voit que les performances de DGBSV sont meilleures que celles de DGBTRF + DGBTRS.

EXO 6:

1.Implémentation de la méthode de factorisation LU pour les matrices tridiagonales avec le format GB.

```
1 void LU_Facto(double* AB, int *lab, int *la, int *kv){
      int i, j, k, k1 = 3;
 2
 3
      if (*kv>=0) {
 4
        k1 = 4;
        for (i=0;i< *kv;i++){
 5
          AB[i]=0.0;
 6
 7
        }
8
9
      AB[*kv+2]/=AB[*kv+1];
10
      for (j=1;j<(*la);j++){
        k = j*(*lab);
11
12
        if (*kv>=0) {
13
          for (i=0; i< *kv; i++){
14
            AB[k+i]=0.0;
15
          }
16
        }
17
18
        printf("kv+2 = %lf\n", AB[(k-3)+ *kv+2]);
19
20
        AB[k+ *kv+1] -= AB[k+ *kv] *AB[(k-k1) + *kv+2];
21
        AB[k+ *kv+2]/=AB[k+ *kv+1];
22
      }
23
24 }
```

2. Méthode de validation :

On va remplacer la fonction de dgbtrf par notre fonction LU_Facto.

```
LU_Facto(AB, &lab, &la, &kv);

if (info==0){

// ierr = dgbtrs_("N", &la, &kl, &ku, &NRHS, AB, &lab, ipiv, RHS, &la, &info);

LAPACK_dgbtrs("N", &la, &kl, &ku, &NRHS, AB, &lab, ipiv, RHS, &la, &info);

write_vec(RHS, &la, "DATA/DIRECT/RHS/RHS_dgbtrs.dat");

if (info!=0){printf("\n INFO DGBTRS = %d\n",info);}

}else{

printf("\n INFO = %d\n",info);

}
```

On calculant l'erreur relative entre le vecteur solution et le vecteur RHS qui est le résultat de la résolution du système Ax =B avec la fonction dgbtrf et on aura l'erreur : 3.776012e-01, une valeur négligeable donc le résultat est valide.

$$ERR = \frac{EX \ SOL - RHS}{RHS}$$

Méthode de résolution itérative:

1. L'implantation de Richardson avec des matrices au format GB

la fonction pour calculer le alpha optimale :

```
1 double richardson_alpha_opt(int *la){
2 
3  return 2 / (eigmax_poisson1D(la) + eigmin_poisson1D(la));
4 }
```

et on a créé les deux fonctions sigma max et sigma min:

```
1 double eigmax_poisson1D(int *la){
      double eigmax;
 3
      eigmax=sin(*la *M_PI_2*(1.0/(*la+1)));
 4
      eigmax=4*eigmax*eigmax;
 5
      return eigmax;
 6 }
 7
 8 double eigmin_poisson1D(int *la){
 9
      double eigmin;
10
      eigmin=sin(M_PI_2*(1.0/(*la+1)));
11
      eigmin=4*eigmin*eigmin;
12
      return eigmin;
13 }
```

et voici le code de l'itération de Richardson :

```
1 void richardson_alpha(double *AB, double *RHS, double *X, double *alpha_rich, int *lab,
                         int *la,int *ku, int*kl, double *tol, int *maxit, double *resvec, int *nbite){
3
      int nb itertions =0;
      cblas_dgbmv(CblasColMajor, CblasConjTrans, *la, *la, *kl, *ku, 1.0, AB, *lab, X, 1, 0.0, resvec, 1);
5
6
      cblas_dscal(*la, -1.0, resvec, 1);
      cblas_daxpy(*la, 1.0, RHS, 1, resvec, 1);
     double releres = cblas_dnrm2(*la, resvec, 1) / cblas_dnrm2(*la, RHS, 1);
9
10
11
      while (releres > (*tol) && *nbite < *maxit)</pre>
12
        cblas_daxpby(*la, *alpha_rich, resvec, 1, 1.0, X, 1);
13
14
15
        cblas_dgbmv(CblasColMajor, CblasConjTrans, *la, *la, *kl, *ku, 1.0, AB, *lab, X, 1, 0.0, resvec, 1);
16
        cblas_dscal(*la, -1.0, resvec, 1);
17
18
        cblas_daxpy(*la, 1.0, RHS, 1, resvec, 1);
19
        *nbite += 1;
20
        releres = cblas_dnrm2(*la, resvec, 1) / cblas_dnrm2(*la, RHS, 1);
21
       nb itertions++;
22
     printf("\nLe nombre d'iteration %d\n",nb itertions);
23
24 }
25
```

après l'exécution on se trouve avec 125 itération dans notre cas de figure.

```
• ahmed@ahmed-UX550VD:~/Desktop/CHPS/Claculs/Rapp_V2$ make run_tpPoisson1D_ir
bin/tpPoisson1D_iter
------ Poisson 1D -------
Optimal alpha for simple Richardson iteration is : 0.500000
Le nombre d'iteration 125
```

2. Calcule d'erreur par rapport au résultat analytique

on calculant l'erreur relative :

err_rel = 1.770223e+00

3. La courbe de convergence utilisant le fichier RESVEC.dat

