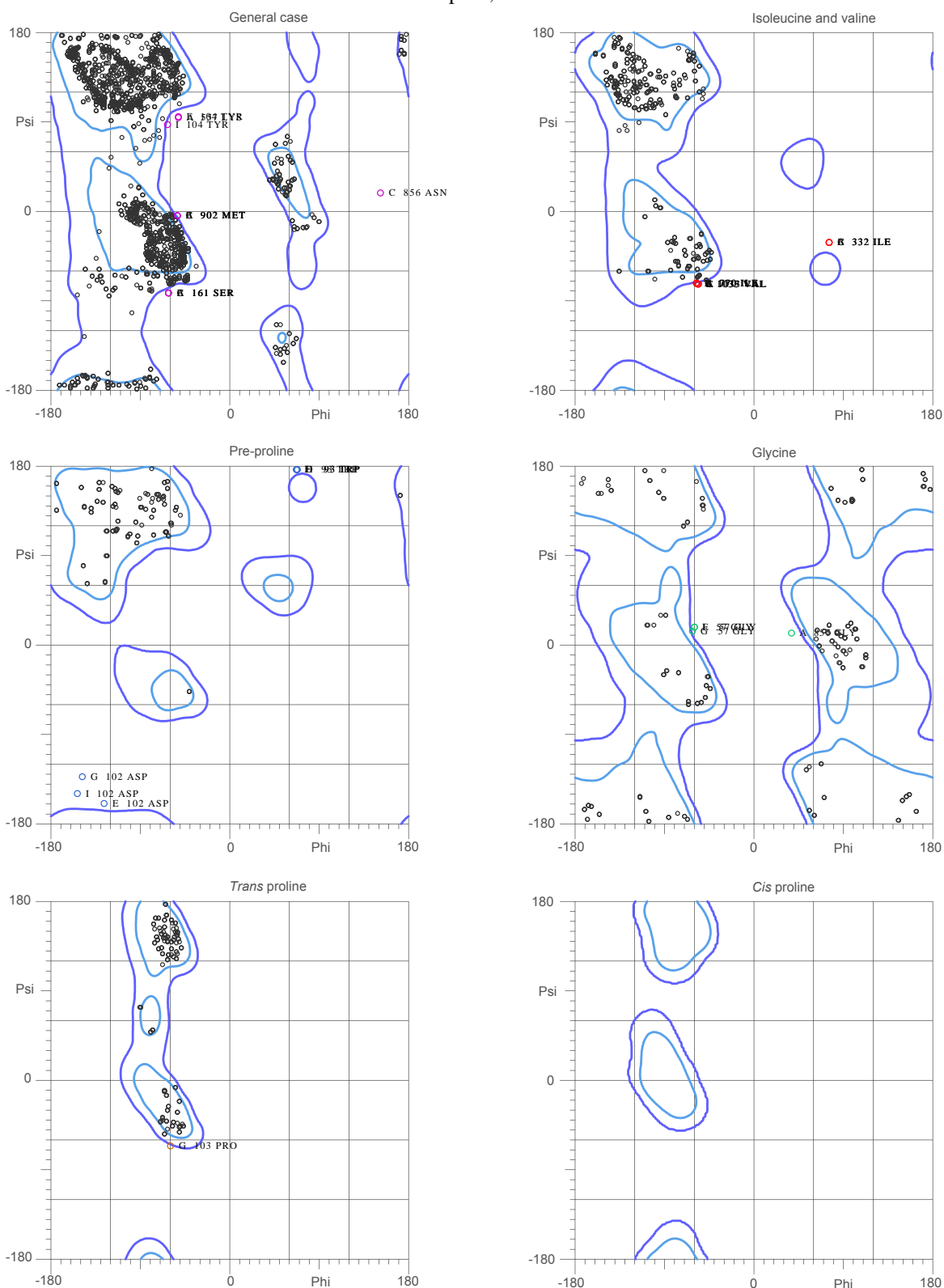


MolProbity Ramachandran analysis

7cak.H.pdb, model 1



40 (4) (2022) 1111 of all residues were in favored (98%) regions.

40 (4) (2022) 1111 of all residues were in allowed (100%) regions.

There were 50 outliers (40%):

- A 100 VAL (1.0, 1.0)
- A 101 VAL (1.0, 1.0)
- A 102 ASP (1.0, 1.0)
- A 103 PRO (1.0, 1.0)
- A 104 VAL (1.0, 1.0)
- A 105 VAL (1.0, 1.0)
- A 106 VAL (1.0, 1.0)
- A 107 VAL (1.0, 1.0)
- A 108 VAL (1.0, 1.0)
- A 109 VAL (1.0, 1.0)
- A 110 VAL (1.0, 1.0)
- A 111 VAL (1.0, 1.0)
- A 112 VAL (1.0, 1.0)
- A 113 VAL (1.0, 1.0)
- A 114 VAL (1.0, 1.0)
- A 115 VAL (1.0, 1.0)
- A 116 VAL (1.0, 1.0)
- A 117 VAL (1.0, 1.0)
- A 118 VAL (1.0, 1.0)
- A 119 VAL (1.0, 1.0)
- A 120 VAL (1.0, 1.0)
- A 121 VAL (1.0, 1.0)
- A 122 VAL (1.0, 1.0)
- A 123 VAL (1.0, 1.0)
- A 124 VAL (1.0, 1.0)
- A 125 VAL (1.0, 1.0)
- A 126 VAL (1.0, 1.0)
- A 127 VAL (1.0, 1.0)
- A 128 VAL (1.0, 1.0)
- A 129 VAL (1.0, 1.0)
- A 130 VAL (1.0, 1.0)
- A 131 VAL (1.0, 1.0)
- A 132 VAL (1.0, 1.0)
- A 133 VAL (1.0, 1.0)
- A 134 VAL (1.0, 1.0)
- A 135 VAL (1.0, 1.0)
- A 136 VAL (1.0, 1.0)
- A 137 VAL (1.0, 1.0)
- A 138 VAL (1.0, 1.0)
- A 139 VAL (1.0, 1.0)
- A 140 VAL (1.0, 1.0)
- A 141 VAL (1.0, 1.0)
- A 142 VAL (1.0, 1.0)
- A 143 VAL (1.0, 1.0)
- A 144 VAL (1.0, 1.0)
- A 145 VAL (1.0, 1.0)
- A 146 VAL (1.0, 1.0)
- A 147 VAL (1.0, 1.0)
- A 148 VAL (1.0, 1.0)
- A 149 VAL (1.0, 1.0)
- A 150 VAL (1.0, 1.0)