

비교 연구에서 표본크기 결정

Sample size determination in comparative studies

2018년 1학기

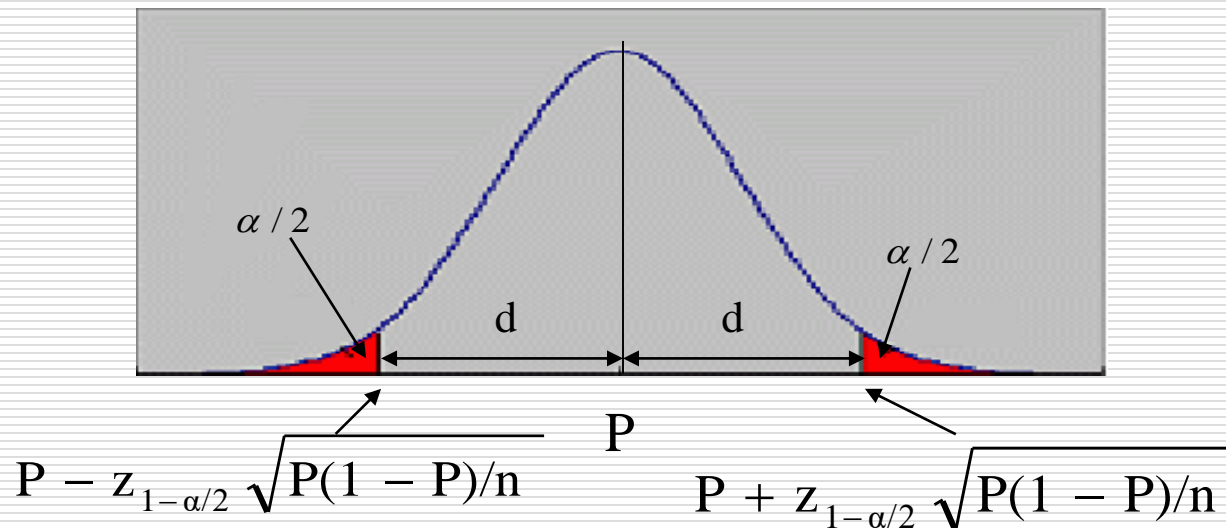
Contents

I.	One sample case	3
II.	Two samples case	12
III.	[Review] Epidemiologic Study Designs	19
IV.	Sample size for case-control studies	30
	● Sample size for the odds ratio	
V.	Sample size determination for Cohort studies	37
	● Sample size for the relative risk	
VI.	The incidence rate	41
	● Sample size for the hazard	
VII.	Sample size for continuous response variables	51

One sample case : introduction

1) Estimating the population proportion

cf. $E(p) = P$, $\text{Var}(p) = P(1 - P)/n$



-
- The desired precision using absolute error $d = |\hat{P} - P|$

$$n = \frac{z_{1-\alpha/2}^2 P(1 - P)}{d^2} \quad \text{from } d = |\hat{P} - P| = z_{1-\alpha/2} \sqrt{P(1 - P)/n}$$

- The desired precision using relative error $\varepsilon = \frac{|\hat{\theta} - \theta|}{\theta}$

$$\varepsilon = \frac{|\hat{P} - P|}{P} = z_{1-\alpha/2} \frac{\sqrt{P(1 - P)}}{\sqrt{n} P} = z_{1-\alpha/2} \frac{\sqrt{1 - P}}{\sqrt{n} P}$$

$$n = \frac{z_{1-\alpha/2}^2 (1 - P)}{\varepsilon^2 P}$$

- The desired precision using relative error (CV)

$$\varepsilon = \frac{|\hat{P} - P|}{P} = z_{1-\alpha/2} \frac{\frac{\sqrt{P(1-P)}}{\sqrt{n}}}{P} = z_{1-\alpha/2} \frac{CV}{\sqrt{n}} = z_{1-\alpha/2} \times CV_{\bar{y}}$$

$$n = \frac{z_{1-\alpha/2}^2 \times (CV)^2}{\varepsilon^2} = \frac{z_{1-\alpha/2}^2 \times (1-P)}{\varepsilon^2 P}$$

- The desired precision using relative standard error

$$\varepsilon = z_{1-\alpha/2} \times CV_{\bar{y}} = z_{1-\alpha/2} \times \frac{CV}{\sqrt{n}} \quad \text{where} \quad CV = \frac{S}{P} = \frac{\sqrt{P(1-P)}}{P} = \sqrt{\frac{(1-P)}{P}}$$

$$n = \left(\frac{CV}{CV_{\bar{y}}} \right)^2$$

- Continuous study

n' and $CV'_{\bar{y}}$ are the sample size and CV of the past survey.

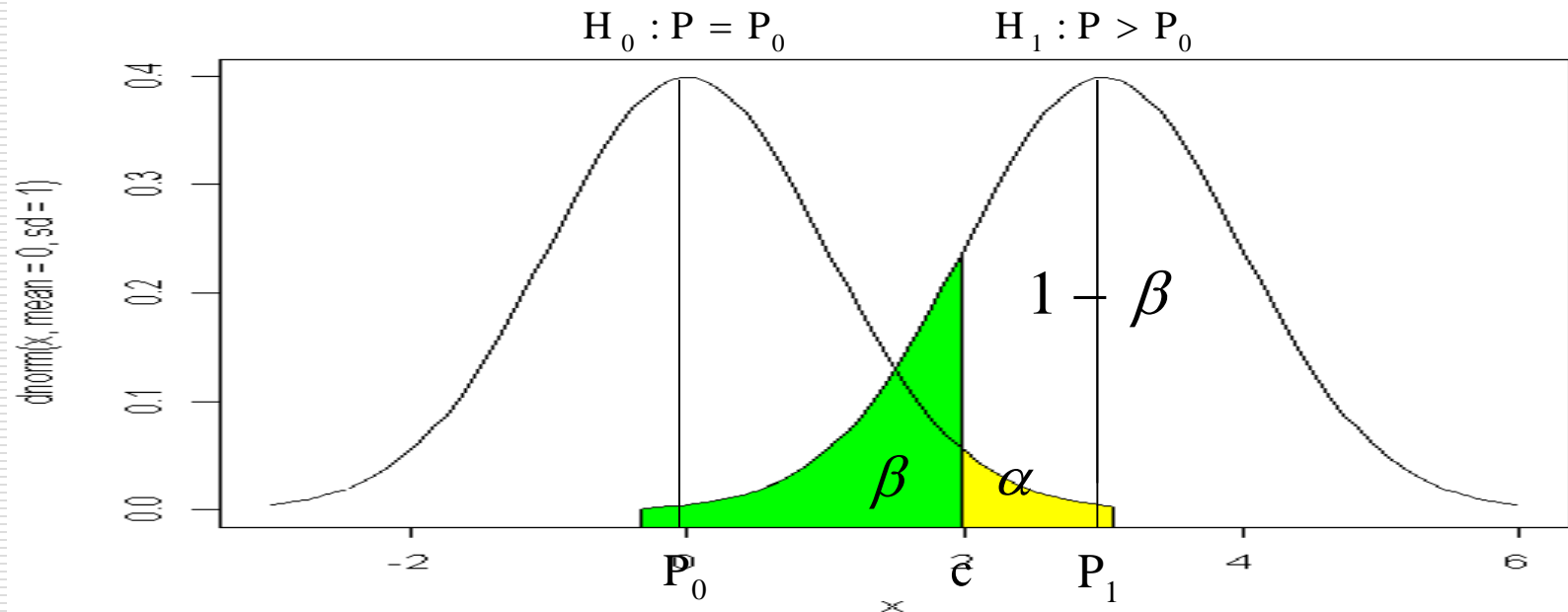
$$n = n' \times \left(\frac{CV'_{\bar{y}}}{CV_{\bar{y}}} \right)^2$$

- Without Replacement

$$n_0 = \left(\frac{z_{1-\alpha/2}^2 \times P(1-P)}{d^2} \right) : \text{With Replacement}$$

$$n = \frac{n_0}{1 + \frac{n_0}{N}}$$

2) Hypothesis testing for a single population proportion(1)



$$c = P_0 + z_{1-\alpha} \sqrt{P_0(1-P_0)/n} \quad \text{under } H_0$$

$$c = P_1 - z_{1-\beta} \sqrt{P_1(1-P_1)/n} \quad \text{under } H_1$$

$$c = P_0 + z_{1-\alpha} \sqrt{P_0(1-P_0)/n} = P_1 - z_{1-\beta} \sqrt{P_1(1-P_1)/n}$$

$$\begin{aligned} P_1 - P_0 &= z_{1-\alpha} \sqrt{P_0(1-P_0)/n} + z_{1-\beta} \sqrt{P_1(1-P_1)/n} \\ &= \left\{ z_{1-\alpha} \sqrt{P_0(1-P_0)} + z_{1-\beta} \sqrt{P_1(1-P_1)} \right\} / \sqrt{n} \end{aligned}$$

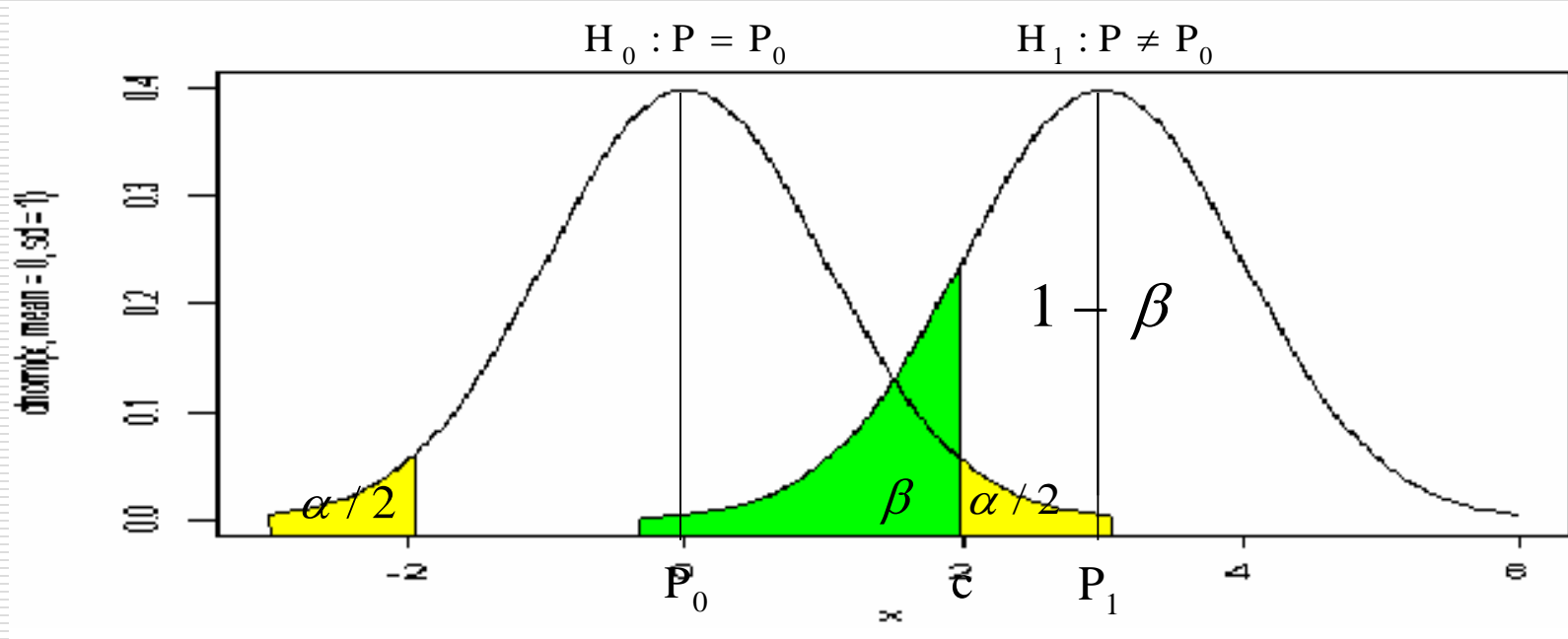
$$n = \frac{\left\{ z_{1-\alpha} \sqrt{P_0(1-P_0)} + z_{1-\beta} \sqrt{P_1(1-P_1)} \right\}^2}{(P_1 - P_0)^2}$$

Example 1

- 출생 시 발병률이 1000명당 150명에게서 나타나는 질병이 있다고 가정하자. 어떤 의사는 임상수준이 향상되어 1000명당 100명으로 감소되는 경향을 보이고 있다고 주장하고 있다. 유의수준 0.05수준에서 귀무가설 ($H_0 : P = 0.15$)을 검정하려고 하는 데, 90%의 수준에서 감소된 발병률 (검정결과)이 참이라고 확신하기를 원하고 있다. 이 때 필요한 표본크기는 얼마인가?

$$n = \frac{\left\{ z_{1-\alpha} \sqrt{P_0(1-P_0)} + z_{1-\beta} \sqrt{P_1(1-P_1)} \right\}^2}{(P_1 - P_0)^2}$$
$$= \frac{\left\{ 1.645 \sqrt{(0.15)(0.85)} + 1.282 \sqrt{(0.1)(0.9)} \right\}^2}{(0.1 - 0.15)^2} = 377.9$$

3) Hypothesis testing for a single population proportion(2)



$$c = P_0 + z_{1-\alpha/2} \sqrt{P_0(1-P_0)/n} \quad \text{under } H_0$$

$$c = P_1 - z_{1-\beta} \sqrt{P_1(1-P_1)/n} \quad \text{under } H_1$$

$$c = P_0 + z_{1-\alpha/2} \sqrt{P_0(1-P_0)/n} = P_1 - z_{1-\beta} \sqrt{P_1(1-P_1)/n}$$

$$\begin{aligned} P_1 - P_0 &= z_{1-\alpha/2} \sqrt{P_0(1-P_0)/n} + z_{1-\beta} \sqrt{P_1(1-P_1)/n} \\ &= \left\{ z_{1-\alpha/2} \sqrt{P_0(1-P_0)} + z_{1-\beta} \sqrt{P_1(1-P_1)} \right\} / \sqrt{n} \end{aligned}$$

$$n = \frac{\left\{ z_{1-\alpha/2} \sqrt{P_0(1-P_0)} + z_{1-\beta} \sqrt{P_1(1-P_1)} \right\}^2}{(P_1 - P_0)^2}$$

Example 2

- 어느 질병의 처치 성공률이 0.7이라고 알려져 있는 데, 동일한 성공률을 보장하는 새로운 처치법이 개발되었다. 담당전문의의 도움을 받을 수 없는 어느 병원에서 새로운 처치법을 환자에게 사용하려고 한다. 유의수준 0.05 수준에서 두 가설 ($H_0 : P = 0.70$)과 ($H_0 : P \neq 0.70$)에 대해 검정하려고 하는 데, 90%의 수준에서 기존의 처치와 10%p이상 차이가 나지 않기를 원한다. 이 조사를 수행하는 데 필요한 표본크기는 얼마인가?

$$\text{since } |P_0 - P_1| \leq 0.1, \quad P_1 = 0.8 \quad \text{or} \quad 0.6$$

$$n_2 = \frac{\left\{ z_{1-\alpha/2} \sqrt{P_0(1-P_0)} + z_{1-\beta} \sqrt{P_1(1-P_1)} \right\}^2}{(P_1 - P_0)^2}$$

$$= \frac{\left\{ 1.96 \sqrt{(0.7)(0.3)} + 1.282 \sqrt{(0.6)(0.4)} \right\}^2}{(0.7 - 0.8)^2} = 232.94$$

$$n_1 = \frac{\left\{ z_{1-\alpha/2} \sqrt{P_0(1-P_0)} + z_{1-\beta} \sqrt{P_1(1-P_1)} \right\}^2}{(P_1 - P_0)^2}$$

$$= \frac{\left\{ 1.96 \sqrt{(0.7)(0.3)} + 1.282 \sqrt{(0.8)(0.2)} \right\}^2}{(0.7 - 0.8)^2} = 199.09$$

$$\therefore n = \max(n_1, n_2) = 233$$

Two samples case

1) Estimating the difference between two proportions (or the risk difference)

$$\text{cf. } E(p_1 - p_2) = P_1 - P_2,$$

$$\text{Var}(p_1 - p_2) = P_1(1 - P_1)/n_1 + P_2(1 - P_2)/n_2$$

$$\text{if } n_1 = n_2 = n, \text{ then } \text{Var}(p_1 - p_2) = \left(\frac{1}{n}\right) \{P_1(1 - P_1) + P_2(1 - P_2)\}$$

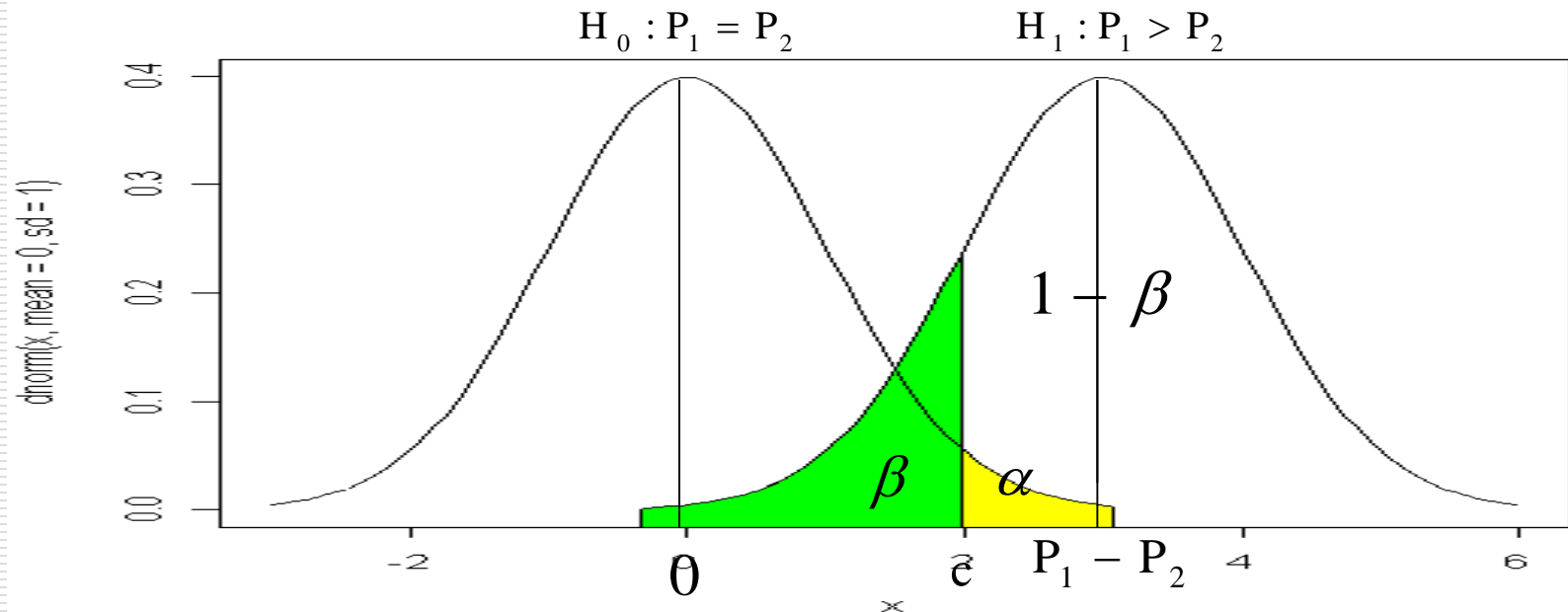
- The desired precision using absolute error and sample size

$$d = z_{1-\alpha/2} \sqrt{(1/n) \{P_1(1 - P_1) + P_2(1 - P_2)\}}$$

$$n = \frac{z_{1-\alpha/2}^2 \{P_1(1 - P_1) + P_2(1 - P_2)\}}{d^2}$$

- if $n_2 = k n_1$, then $n = \frac{z_{1-\alpha/2}^2 \{k \cdot P_1(1 - P_1) + P_2(1 - P_2)\}}{k d^2}$

2) Hypothesis testing for two population proportions(1)



$$\text{Var}(P_1 - P_2) = P_1(1 - P_1)/n_1 + P_2(1 - P_2)/n_2 \quad \text{under } H_0$$

$$= P(1 - P)(1/n_1 + 1/n_2) \quad \text{if } P_1 = P_2 = P$$

$$= 2 \{P(1 - P)/n\} \quad \text{if } n_1 = n_2 = n$$

$$\text{cf. } \hat{P} = \bar{p} = (p_1 + p_2)/2$$

● Sample size

$$c = 0 + z_{1-\alpha} \sqrt{2\bar{P}(1-\bar{P})/n} \quad \text{under } H_0, \quad \text{where } \bar{P} = (P_1 + P_2)/2$$

$$c = (P_1 - P_2) - z_{1-\beta} \sqrt{(1/n) \{P_1(1-P_1) + P_2(1-P_2)\}} \quad \text{under } H_1,$$

assuming $n_1 = n_2 = n$

$$n = \frac{\left\{ z_{1-\alpha} \sqrt{2\bar{P}(1-\bar{P})} + z_{1-\beta} \sqrt{P_1(1-P_1) + P_2(1-P_2)} \right\}^2}{(P_1 - P_2)^2}$$

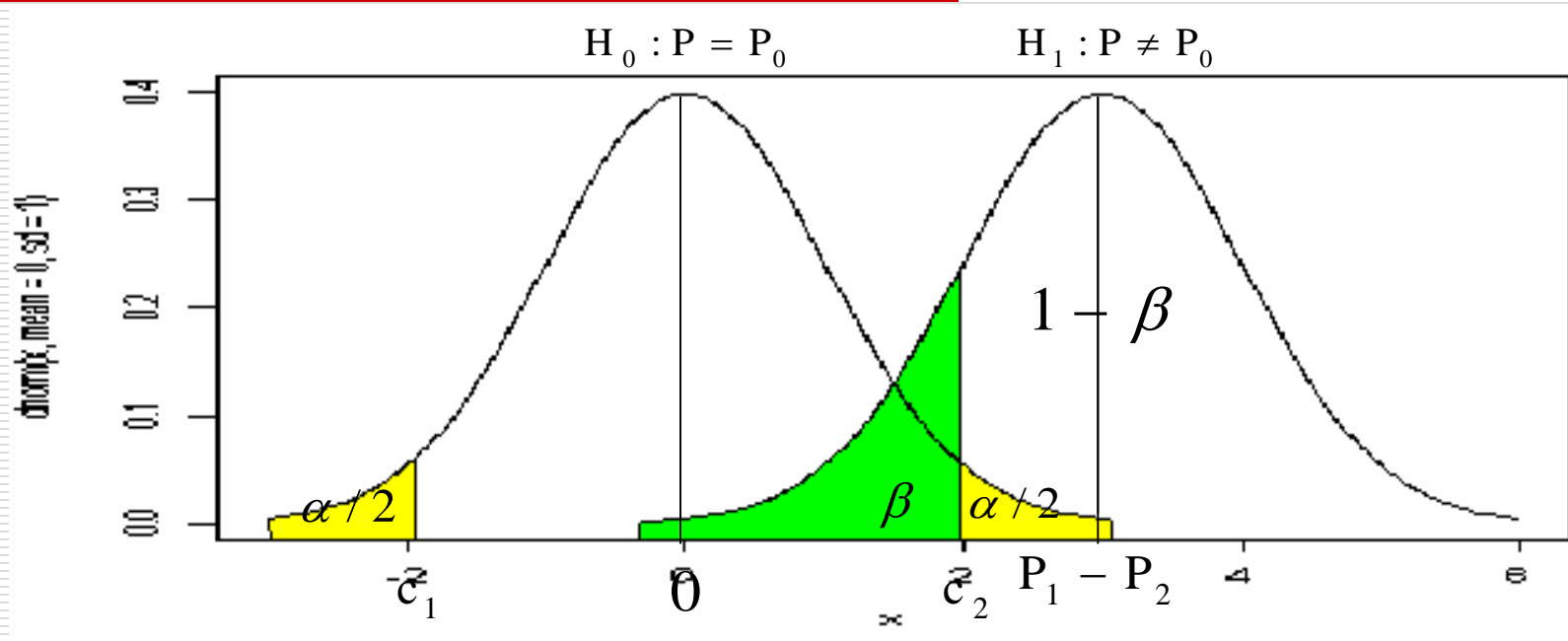
Example 3

- 총치발병률이 0.8인 A지역과 0.6인 B지역이 있다고 가정하자. 두 지역의 발병률차이가 10%인지 유의수준 10%에서 검정하려고 하는 데, 80%의 수준에서 이 차이가 실제 차이(검정결과)로 확신하고자 한다. 이 조사를 위한 필요한 표본크기는 각각 얼마로 결정하면 되는가?

$$\bar{P} = (P_1 + P_2)/2 = 0.7$$

$$\begin{aligned} n &= \frac{\left\{ z_{1-\alpha} \sqrt{2 \bar{P}(1 - \bar{P})} + z_{1-\beta} \sqrt{P_1(1 - P_1) + P_2(1 - P_2)} \right\}^2}{(P_1 - P_2)^2} \\ &= \frac{\left\{ 1.282 \sqrt{2(0.7)(0.3)} + 0.842 \sqrt{(0.8)(0.2) + (0.6)(0.4)} \right\}^2}{(0.8 - 0.6)^2} = 46.47 \end{aligned}$$

3) Hypothesis testing for two population proportions(2)



$$c_2 = 0 + z_{1-\alpha/2} \sqrt{2\bar{P}(1-\bar{P})/n} \quad \text{under } H_0, \quad \text{where } \bar{P} = (P_1 + P_2)/2$$

$$c_2 = (P_1 - P_2) - z_{1-\beta} \sqrt{(1/n) \{P_1(1-P_1) + P_2(1-P_2)\}} \quad \text{under } H_1, \quad n_1 = n_2 = n$$

- Sample size

$$n = \frac{\left\{ z_{1-\alpha/2} \sqrt{2 \bar{P}(1 - \bar{P})} + z_{1-\beta} \sqrt{P_1(1 - P_1) + P_2(1 - P_2)} \right\}^2}{(P_1 - P_2)^2}$$

Example 4

- 신경성 전염질환을 연구하는 역학연구자는 질환을 앓고 있는 그룹(실험군)과 무관한 그룹(대조군)을 비교하고자 50명을 각각 랜덤하게 표집하여 본 결과, 특정 화학약품을 취급하는 공장에 종사하는 비율이 실험군에서는 0.6, 대조군에서는 0.5인 것으로 나타났다. 예비조사에서 얻은 결과는 이 지역에 거주하는 인구 중 화학약품을 취급하는 공장에 근무하는 비율과 같다고 가정할 때, 이 차이가 유의한 지 유의수준 5%에서 검정하려고 하는데, 90%의 수준에서 두 그룹간 차이(검정결과)를 실제 차이로 인정하고자 한다. 이 연구를 위해 추가하여 표집해야 하는 표본 크기는 얼마인가?

$$P_1 = 0.6, P_2 = 0.5, \alpha = .05, \beta = .1$$

$$n = \frac{\left\{ z_{1-\alpha/2} \sqrt{2 \bar{P}(1 - \bar{P})} + z_{1-\beta} \sqrt{P_1(1 - P_1) + P_2(1 - P_2)} \right\}^2}{(P_1 - P_2)^2}$$

$$= \frac{\left\{ 1.96 \sqrt{2(0.55)(0.45)} + 1.282 \sqrt{(0.6)(0.4) + (0.5)(0.5)} \right\}^2}{(0.6 - 0.5)^2} = 518.19$$

[Review]

Epidemiologic Study Designs

1. Some basic concepts

□ The cohort or follow-up study

- 대상(개인)을 특정한 특성의 존재 여부에 따른 그룹화하여 관심을 두고 있는 발생결과와의 관련성 여부를 규명하는 역학 조사연구방법의 분야(전향적 연구 방법)
 - 특정 특성 : 흡연여부 등, the exposure variable
 - 발생 결과 : 질병의 존재 여부 등

□ A case-control design/study

- 발생 결과를 토대로 사례군(a case group)과 대조군(a control group)으로 분류하여 각 집단에 대해 과거 특정한 위험인자(a risk factor, 특성)의 존재 여부를 조사하는 역학 조사연구방법(후향적 연구 방법)

□ A prevalence study(유병율 연구)

- 모집단으로부터 랜덤 표집된 표본에서 특정 시점에서 측정된 특정 특성이나 위험인자의 존재나 발병에 대한 비율을 연구하는 방법
- (cf.) Incidence(발생율, 발병율) : 특정 기간 동안 모집단에서 새로이 발현된 혹은 나타난 병의 비율을 의미
- 일반적으로 유병율이 발병율보다 같거나 큰 값을 제공

2. The relative risk(RR) and odds ratio(OR)

- 역학 연구 분야의 코호트 연구나 사례-대조 연구에서의 중요한 모수

		Exposure		
		Present E	Absent \bar{E}	Total
Disease	Present D	a	b	n_1
	Absent \bar{D}	c	d	n_2
	Total	m_1	m_2	n

$$P_1 = \Pr(D | E), \quad 1 - P_1 = \Pr(\bar{D} | E), \quad P_2 = \Pr(D | \bar{E}), \quad 1 - P_2 = \Pr(\bar{D} | \bar{E})$$

$$P'_1 = \Pr(E | D), \quad 1 - P'_1 = \Pr(\bar{E} | D), \quad P'_2 = \Pr(E | \bar{D}), \quad 1 - P'_2 = \Pr(\bar{E} | \bar{D})$$

□ Relative Risk (RR, 상대 위험율)

■ 표현식과 추정량

$$RR = \frac{\text{실험군에서의 위험률}}{\text{대조군에서의 위험률}} = \frac{\Pr(D | E)}{\Pr(D | \bar{E})} = \frac{P_1}{P_2}$$

$$R\hat{R} = \frac{a/m_1}{b/m_2}$$

- 코호트 연구나 사례군과 대조군이 미리 정해진 후 그 결과를 관찰하는 임상시험 연구에서 계산 가능
- 사례-대조 연구에서는 계산 불가능

□ Odds Ratio (OR, 오즈비)

■ 표현식 : 코호트 연구

$$OR = \frac{\text{실험군에서의 오즈비}}{\text{대조군에서의 오즈비}} = \frac{O_1}{O_2} = \frac{\Pr(D | E)/\Pr(\bar{D} | E)}{\Pr(D | \bar{E})/\Pr(\bar{D} | \bar{E})} = \frac{P_1/(1 - P_1)}{P_2/(1 - P_2)}$$

■ 표현식 : 사례-대조연구

$$OR = \frac{\text{실험군에서의 오즈비}}{\text{대조군에서의 오즈비}} = \frac{O_1}{O_2} = \frac{\Pr(E | D)/\Pr(\bar{E} | D)}{\Pr(E | \bar{D})/\Pr(\bar{E} | \bar{D})} = \frac{P'_1/(1 - P'_1)}{P'_2/(1 - P'_2)}$$

■ 추정량 : the cross product ratio

$$\hat{OR} = \frac{\left(\frac{a}{m_1}\right) / \left(\frac{c}{m_1}\right)}{\left(\frac{b}{m_2}\right) / \left(\frac{d}{m_2}\right)} \text{ or } \frac{\left(\frac{a}{n_1}\right) / \left(\frac{b}{n_1}\right)}{\left(\frac{c}{n_2}\right) / \left(\frac{d}{n_2}\right)} = \frac{ad}{bc}$$

□ OR 의 표본분포

■ OR의 특성

- OR의 범위 $0 \leq OR \leq \infty$
- $OR = 1$ 의 의미 : 위험율이 노출그룹과 비노출그룹, 혹은 사례군과 대조군의 오즈비가 동일함을 의미
- OR 의 표본 분포 특성
 - 비정규분포, 꼬리가 큰 값으로 긴 강한 양의 왜도를 갖는 분포
 - 자연로그변환 $\ln(OR)$ 을 통한 분포 특성 개선 : 보다 근사정규분포
 - 신뢰구간(표준정규분포 이용)은 비대칭

■ $\ln(OR)$ 의 분산과 추정량

$$\text{Var}[\ln(OR)] \approx \left(\frac{1}{n_1} \right) \frac{1}{P'_1(1 - P'_1)} + \left(\frac{1}{n_2} \right) \frac{1}{P'_2(1 - P'_2)}$$
$$\hat{\text{Var}}[\ln(OR)] = \frac{1}{a} + \frac{1}{b} + \frac{1}{c} + \frac{1}{d}$$

- $H_0 : OR = 1$ vs $H_1 : OR \neq 1$ 에 대한 검정 : 2X2 카이제곱검정

□ RR 의 표본분포

■ $R\hat{R}$ 의 표본분포 특성

- 매우 큰 표본에서는 RR은 근사정규분포
- 역학연구의 표본크기 수준에서는 정규분포 형태가 아니며, 양의 왜도를 나타내는 분포
 - 자연로그 변환 $\ln(R\hat{R})$ 을 통해 보다 대칭적인 분포 형태를 취하게 되며, 정규분포로 근사

■ 추정량 : 코호트 연구에서 계산 가능하므로 $R\hat{R} = p_1/p_2$

■ $\ln(R\hat{R})$ 의 분산과 추정량

$$\text{Var}[\ln(R\hat{R})] = \text{Var}[\ln(p_1) - \ln(p_2)] = \text{Var}[\ln(p_1)] + \text{Var}[\ln(p_2)]$$

$$\hat{\text{Var}}[\ln(R\hat{R})] = \left(\frac{1}{m_1}\right) \frac{1-p_1}{p_1} + \left(\frac{1}{m_2}\right) \frac{1-p_2}{p_2} \quad \text{since} \quad \text{Var}[\ln(p)] = \left(\frac{1}{n}\right) \frac{1-p}{p}$$

■ 신뢰구간은 OR과 동일한 특성을 보임

3. Screening test for disease prevalence

- 초음파나 X-ray, PAP test 등의 간이검사 결과를 통해 발병 진단 시 오류 발생
- 진단법의 평가 결과 (H_0 : 환자)

		결과/환자의 실제 상황		
		환자	정상	Total
간이검사 진단 결과	발병 가능/예측 (양성, positive)	a True positives	b False positives	n_1
	정상 예측 (음성, negative)	c False negatives	d True negatives	n_2
	Total	m_1	m_2	n

□ 진단법의 평가 척도 : 민감도와 특이도

1) 민감도(sensitivity) : 환자를 양성으로 판정하는 비율

$$\text{true positive rate} = a / m_1$$

2) False negative rate false negative rate = c / m_1

➤ 검정의 1종의 오류와 동일한 의미

3) False positive rate false positive rate = b / m_2

➤ 검정의 2종의 오류와 동일한 의미

4) 특이도(specificity) : 정상을 음성으로 판정하는 비율

➤ 간이진단법의 진단 능력을 보여주는 척도 = 검정력

$$\text{true negative rate} = d / m_2$$

□ 진단법의 평가 : 예측

- 현실에서는 실제 환자 수와 정상인 수를 모르므로 민감도와 특이도를 정확하게 계산할 수 없는 상황
- 진단 결과에 대한 예측 : 병의 유병률에 의존
 - 1) 양성예측(the predictive value of a positive) $\frac{a}{n_1}$
 - 2) 음성예측 (the predictive value of a negative) $\frac{d}{n_2}$

- 예측도(the predictive value of the screening test)
: Bayes 정리 이용

1) 양성예측도 $\Pr(\text{환자} | \text{양성})$

$$\begin{aligned}
 &= \frac{\Pr(\text{환자})\Pr(\text{양성} | \text{환자})}{\Pr(\text{환자})\Pr(\text{양성} | \text{환자}) + \Pr(\text{정상})\Pr(\text{양성} | \text{정상})} \\
 &= \frac{\text{유병률} \times \text{민감도}}{\text{유병률} \times \text{민감도} + (1 - \text{유병률})(1 - \text{특이도})}
 \end{aligned}$$

2) 음성예측도 $\Pr(\text{정상} | \text{음성})$

$$\begin{aligned}
 &= \frac{\Pr(\text{정상})\Pr(\text{음성} | \text{정상})}{\Pr(\text{정상})\Pr(\text{음성} | \text{정상}) + \Pr(\text{환자})\Pr(\text{음성} | \text{환자})} \\
 &= \frac{(1 - \text{유병률}) \times \text{특이도}}{(1 - \text{유병률}) \times \text{특이도} + \text{유병률} \times (1 - \text{민감도})}
 \end{aligned}$$

Sample size for case-control studies

1) Estimating the odds ratio with stated precision ε

➤ $\ln(\hat{OR})$ 의 표본분포 특성

✓ OR의 표본분포 :

- 우측으로 꼬리(양의 왜도)가 긴 비대칭 분포
- 상당히 큰 표본 규모일 때 정규분포와 근사

✓ 표본크기에 영향을 받는 OR의 표본분포보다 정규분포와 더 근사

✓ 오즈비 추론에 널리 이용

➤ $\ln(\hat{OR})$ 의 특성 : 사례-대조 연구의 경우

✓ 현재 질병 존재 여부에 따른 특성의 발현(the exposure) 확률로 정의

✓ $\ln(\hat{OR})$ 의 분산 : $n_1 = n_2 = n$

$$\text{Var}[\ln(\hat{OR})] \approx \left(\frac{1}{n_1}\right) \frac{1}{P'_1(1-P'_1)} + \left(\frac{1}{n_2}\right) \frac{1}{P'_2(1-P'_2)} = \left(\frac{1}{n}\right) \left(\frac{1}{P'_1} + \frac{1}{1-P'_1}\right) + \left(\frac{1}{n}\right) \left(\frac{1}{P'_2} + \frac{1}{1-P'_2}\right)$$

$$\hat{\text{Var}}[\ln(\hat{OR})] = \frac{1}{a} + \frac{1}{b} + \frac{1}{c} + \frac{1}{d}$$

[Review]

$H_0 : OR = 1$ vs $H_1 : OR \neq 1$ 에 대한 검정 $\chi^2(1)$

□ 표본크기 결정을 위한 가정

- $OR > 1$ 의 가정 : 특성의 존재(exposed)와 비존재(unexposed)를 교체하여 $OR > 1$ 이 되도록 조정
- $w = OR - OR_L$ 를 기준으로 표본크기 결정 : $OR_U - OR$ 를 기준으로 결정하면 지나치게 큰 표본크기로 계산됨
(여기서 OR_L 과 OR_U 은 신뢰구간의 하한과 상한을 의미)
- ✓ ε 과 w 의 관계 $w = \varepsilon \cdot OR$, where $\varepsilon = |OR - OR| / OR$

□ 표본크기 결정

① w 와 신뢰구간과의 관계

$$\begin{aligned} w &= \varepsilon \cdot OR = e^{\ln(OR)} - e^{\ln(OR) - z \cdot SE[\ln(OR)]} = OR - OR_L \\ &= OR - OR \cdot e^{-z \cdot SE[\ln(OR)]} \end{aligned}$$

② ε 의 표현 $\varepsilon = 1 - e^{-z \cdot SE[\ln(OR)]}$

③ 자연로그변환 $1 - \varepsilon = e^{-z \cdot SE[\ln(OR)]} \Rightarrow \ln(1 - \varepsilon) = -z_{1-\alpha/2} \cdot SE[\ln(OR)]$

$$= -z_{1-\alpha/2} \cdot \sqrt{\left(\frac{1}{n}\right) \left(\frac{1}{[P'_1(1-P'_1)]} + \frac{1}{[P'_2(1-P'_2)]} \right)}$$

$$\therefore n = \frac{z_{1-\alpha/2}^2 \cdot \left(\frac{1}{[P'_1(1-P'_1)]} + \frac{1}{[P'_2(1-P'_2)]} \right)}{[\ln(1 - \varepsilon)]^2}$$

Example 5

- 표본크기 결정을 위한 모수 P'_1 , P'_2 , OR 의 관계(사례군 추정)
- 두 모수(대조군의 발현율, OR)에 대한 정보가 존재한다고 가정

$$P'_1 = \frac{OR \cdot P'_2}{OR \cdot P'_2 + (1 - P'_2)}$$

- 대조군의 특성 발현율(the exposure rate)이 0.30이며 오즈비가 2 정도로 예상되는 모집단에서 95%신뢰수준에서 모집단 오즈비의 25%이내 결과를 얻기 위한 사례-대조연구에 필요한 표본크기는 각각 얼마인가?

$$P'_1 = \frac{OR \cdot P'_2}{OR \cdot P'_2 + (1 - P'_2)} = \frac{2 \cdot 0.3}{2 \cdot 0.3 + 0(1 - 0.3)} = 0.46$$

$$\therefore n = \frac{z_{1-\alpha/2}^2 \cdot \left(\frac{1}{[P'_1(1 - P'_1)]} + \frac{1}{[P'_2(1 - P'_2)]} \right)}{[\ln(1 - \varepsilon)]^2} = \frac{1.96^2 \left[\frac{1}{(0.46 \times 0.54)} + \frac{1}{(0.3 \times 0.7)} \right]}{[\ln(1 - 0.25)]^2} = 407.91$$

2) Sample size for hypothesis testing of the odds ratio

□ 오즈비의 가설검정에 대한 관점

- 사례-대조연구에서 오즈비 검정에 대한 문제는 두 그룹의 특성 발현율(the proportion exposure)이 같은 지를 검정하는 것과 동일 $H_0 : OR = 1$

□ 표본크기 결정

- 1) 사례군의 특성 발현율 추정

$$P'_1 = \frac{OR \cdot P'_2}{OR \cdot P'_2 + (1 - P'_2)}$$

- 2) 가설 설정

$$H_0 : P'_1 = P'_2 \text{ vs } H_1 : P'_1 \neq P'_2$$

$$\text{cf. } H_0 : OR = 1 \text{ vs } H_1 : OR \neq 1$$

3) 표본크기 결정 : 두 모비율 차이의 과정과 동일

- ① 대조군의 특성 발현율에 대한 모집단 정보가 확실한 경우

$$n = \frac{\left\{ z_{1-\alpha/2} \sqrt{2 P'_2 (1 - P'_2)} + z_{1-\beta} \sqrt{P'_1 (1 - P'_1) + P'_2 (1 - P'_2)} \right\}^2}{(P'_1 - P'_2)^2}$$

- ② 두 그룹의 특성 발현율에 대한 정보가 없거나 불확신 하
다면,

$$n = \frac{\left\{ z_{1-\alpha/2} \sqrt{2 \bar{P}' (1 - \bar{P}')} + z_{1-\beta} \sqrt{P'_1 (1 - P'_1) + P'_2 (1 - P'_2)} \right\}^2}{(P'_1 - P'_2)^2}$$

$$\text{where } \bar{P}' = (P'_1 + P'_2) / 2$$

Example 6

- 유아의 BCG 백신 효능에 대한 연구를 위해 유아기에 결핵 접종을 한 그룹과 하지 않은 그룹을 비교하고자 한다. 대조군에서의 BCG 접종율이 약 30%라고 할 때, 유의수준 5%에서 두 그룹의 오즈비 차이가 존재하는 지를 검정하며, 검정 결과를 80% 수준에서 확신 (두 그룹의 접종율로 인지)하고자 한다. 오즈비가 2정도이면 두 그룹간 의미있는 차이로 고려한다고 할 때, 이 사례-대조 연구를 위해 각 그룹마다 어느 정도의 표본이 필요한가?

$$n = \frac{\left\{ z_{1-\alpha/2} \sqrt{2 P'_2 (1 - P'_2)} + z_{1-\beta} \sqrt{P'_1 (1 - P'_1) + P'_2 (1 - P'_2)} \right\}^2}{(P'_1 - P'_2)^2} \quad \text{where } P'_1 = \frac{2 \cdot 0.3}{(2 \cdot 0.3 + 0.7)} = 0.4615$$

$$= \frac{\left(1.96 \sqrt{2 \times 0.3 \times 0.7} + 0.842 \times \sqrt{0.4615 \times 0.5385 + 0.3 \times 0.7} \right)^2}{(0.4615 - 0.3)^2} = 129.79$$

$$n = \frac{\left\{ z_{1-\alpha/2} \sqrt{2 \bar{P}' (1 - \bar{P}')} + z_{1-\beta} \sqrt{P'_1 (1 - P'_1) + P'_2 (1 - P'_2)} \right\}^2}{(P'_1 - P'_2)^2} \quad \text{where } \bar{P}' = \frac{(P'_1 + P'_2)}{2} = \frac{(0.3 + 0.46)}{2} = 0.38$$

$$= \frac{\left(1.96 \sqrt{2 \times 0.38 \times 0.62} + 0.842 \times \sqrt{0.4615 \times 0.5385 + 0.3 \times 0.7} \right)^2}{(0.4615 - 0.3)^2} = 140.69$$

Sample size determination for Cohort studies

□ 모집단 상대위험율(RR)의 상대오차 ε 이내 추정 결과를 얻기 위한 표본크기 결정

➤ 오즈비(OR)와 동일 $w = \varepsilon \cdot RR$, where $\varepsilon = |\hat{RR} - RR| / RR$

$$w = \varepsilon \cdot RR = e^{\ln(RR)} - e^{\ln(RR) - z \cdot SE[\ln(RR)]} = RR - RR_L$$

$$= RR - RR \cdot e^{-z \cdot SE[\ln(RR)]}$$

$$\Rightarrow \varepsilon = 1 - e^{-z \cdot SE[\ln(RR)]} \Rightarrow 1 - \varepsilon = e^{-z \cdot SE[\ln(RR)]}$$

$$\Rightarrow \ln(1 - \varepsilon) = -z_{1-\alpha/2} \cdot SE[\ln(RR)]$$

$$= -z_{1-\alpha/2} \cdot \sqrt{\left(\frac{1}{m}\right) \left(\frac{(1-P_1)}{P_1} + \frac{(1-P_2)}{P_2} \right)}$$

$$\therefore m = \frac{z_{1-\alpha/2}^2 \cdot \left(\frac{(1-P_1)}{P_1} + \frac{(1-P_2)}{P_2} \right)}{[\ln(1 - \varepsilon)]^2}$$

Example 7

- 코호트 연구의 비발현그룹(the unexposure group)의 20%가 환자라고 하자. 발현 그룹과 비발현그룹의 상대위험이 약 1.75배 정도인 모집단에서 모집단 상대위험율의 10%범위 내에서 상대위험율(RR)을 95% 신뢰수준으로 추정하려고 하는 코호트 연구에서 각 그룹마다 필요한 표본크기의 규모는 어느 정도인가?

$$P_2 = 0.2 \quad \text{and} \quad P_1 = (RR)P_2 = 0.35$$

$$\therefore m = \frac{z_{1-\alpha/2}^2 \cdot \left(\frac{(1-P_1)}{P_1} + \frac{(1-P_2)}{P_2} \right)}{[\ln(1-\varepsilon)]^2} = \frac{1.96^2 \left(\frac{0.65}{0.35} + \frac{0.8}{0.2} \right)}{(\ln(1-0.1))^2} = 2026.95$$

1) Sample size for Hypothesis testing of the population relative risk

- 기본적인 과정은 오즈비(OR)와 동일
 - 검정은 두 모비율 차이 검정과 내용면에서 동일
- 기본 가설 : 두 그룹의 상대 위험(질병 유병)은 동일하다
$$H_0 : RR = 1 \quad \text{or} \quad H_0 : P_1 = P_2$$
 - 대립가설 : $H_1 : RR > 1$ (or $H_1 : RR < 1$) or $H_1 : RR \neq 1$
 $H_1 : P_1 > P_2$ (or $H_1 : P_1 < P_2$) or $H_1 : P_1 \neq P_2$
- 표본크기 결정 : 양측검정의 경우

$$n = \frac{\left\{ z_{1-\alpha/2} \sqrt{2 P(1-P)} + z_{1-\beta} \sqrt{P_1(1-P_1) + P_2(1-P_2)} \right\}^2}{(P_1 - P_2)^2}$$

where $P = (P_1 + P_2) / 2 = P_2 (RR + 1) / 2$, $P_1 = RR \cdot P_2$, $0 < RR < 1/P_2$

Example 8

- 암을 치료하는 두 가지 치료법이 있는 데 환자는 처치 A와 B의 치료를 랜덤하게 선택하여 5년 동안 치료 받는다고 가정하자. 비특성 그룹(특성 비발현 그룹)의 유병율이 $P_2 = 0.35$ 이고, 상대위험이 $RR = 0.5$ 인 모집단에서 유의수준 5%수준에서 두 그룹의 상대위험이 동일한지 여부 $H_0 : RR = 1$ vs $H_0 : RR \neq 1$ 에 대한 검정을 실시하고자 하며, 이 때 검정결과를 90% 신뢰수준에서 확신하려고 한다. 이 연구를 위해 필요한 표본크기는 그룹별로 각각 어느 정도인가?

$$P_1 = RR \cdot P_2 = 0.5 \times 0.35 = 0.175, \quad P = P_2(RR + 1) / 2 = 0.2625$$

$$n = \frac{\left\{ z_{1-\alpha/2} \sqrt{2 P(1-P)} + z_{1-\beta} \sqrt{P_1(1-P_1) + P_2(1-P_2)} \right\}^2}{(P_1 - P_2)^2}$$

$$= \frac{\left\{ 1.96 \sqrt{2 \cdot (0.2625)(0.7375)} + 1.282 \sqrt{0.175 \cdot 0.825 + 0.35 \cdot 0.65} \right\}^2}{(0.175 - 0.35)^2} = 130.79$$

The incidence rate

□ 많은 역학연구에서 특정시점에 위험에 노출된 전체 대상 보다는 관심의 질병(혹은 특성)이 관찰된 대상인 새로이 나타난 질병 발생자 수를 측정하고자 한다.

➤ 질병 발생률(the incidence rate)

- ✓ 대상이 노출된 관측 기간 중 발생한 환자 수의 비로 측정
- ✓ 질병률(the force of morbidity), 위험률(the hazard)

□ 질병 발생률(발병률 or 위험함수)의 측정

➤ 발병률은 포아송분포 모수 λ 형태를 따름

➤ 예 : 5년 동안 5명의 환자를 추적하여 보니 2년 이후에 1명, 3년 이후에 1명이 발병하였다. 연간 (평균)발병률은?

$$\hat{\lambda} = \frac{\text{발생환자수}}{\text{개인별 관측기간동안 노출된 대상합}} = \frac{2}{(5 + 5 + 5 + 2 + 3)} = 0.1$$

1) Sample size determination for the incidence rate studies(1)

□ 위험(혹은 발병률)의 추정량 $\hat{\lambda} = d/F$ d = 관심사건의 수, F = 총 추적 기간

- 발병밀도(the incidence density)는 지수 생존함수 조건하의 위험함수 추정량과 동일
- 표본크기 결정에 이용
- 연구기간 동안 위험(the hazard)은 상수로 가정
- 자료의 절단없이 성공이 발생할 때까지 진행되는 시행에서 대상 n 이 관측되는 시간을 t_1, t_2, \dots, t_n 이라 할 때의 추정량 $\hat{\lambda} = 1/t$ where $t = (1/n) \sum t_i$

✓ n 이 충분히 큰 경우, ML 추정이 가능하며 추정량의 분포는 $\hat{\lambda} \sim \text{app. } N\left(\lambda, \lambda^2/n\right)$

□ 추정에 필요한 표본크기 결정

- 상대허용오차 ε 이내 결과를 얻기 위해 필요한 표본크기

$$n = \left[\frac{z_{1-\alpha/2}}{\varepsilon} \right]^2$$

여기서 $|\hat{\lambda} - \lambda| = z_{1-\alpha/2} \cdot \frac{\lambda}{\sqrt{n}}$, $\varepsilon = \frac{|\hat{\lambda} - \lambda|}{\lambda}$

□ 가설검정에 필요한 표본크기의 결정

- 위험함수(혹은 발병률)에 대한 가설검정의 문제는 성공이 나타나는 시간(즉, 실패시간)과 동일한 관점으로 검정이 가능 $\mu = 1/\lambda$
- 발병률 자료가 유용한 경우는 위험함수를 이용하여 직접 검정이 가능하지만, 그렇지 않은 경우는 실패시간의 평균 소요시간을 이용하여 검정 가능
- $H_0 : \lambda = \lambda_0$ 에 대한 검정 통계량 $z_0 = \frac{\sqrt{n}(\hat{\lambda} - \lambda_0)}{\lambda_0} \sim N(0,1)$ under H_0
- $H_1 : \lambda \neq \lambda_0$ 에 대한 검정력 $\Pr \left\{ \sqrt{n}(\hat{\lambda} - \lambda_0) / \lambda_0 > z_{1-\alpha/2} \mid H_1 \right\} = 1 - \beta$
- 양측검정을 위해 필요한 표본크기 : [참고] 모비율 추정의 그림

$$\lambda_0 + z_{1-\alpha/2} \left(\frac{\lambda_0}{\sqrt{n}} \right) = \lambda_1 - z_{1-\beta} \left(\frac{\lambda_1}{\sqrt{n}} \right) \quad \text{이므로} \quad n = \frac{(z_{1-\alpha/2} \cdot \lambda_0 + z_{1-\beta} \cdot \lambda_1)^2}{(\lambda_0 - \lambda_1)^2}$$

Example 9

- A회사에서 특정 화학약품에 노출된 대상의 위험함수가 0.2인 데, 최근 새로운 생산 기법으로 인해 위험이 25% 정도 변화가 있었다고 가정하자. 유의수준 5%에서 수행되는 위험함수의 변화에 대한 검정결과를 80% 수준에서 신뢰할만한 결과로 얻고자 한다. 얼마나 많은 사람을 표본으로 선정해야 하는가?

$$H_0 : \lambda = .2 \text{ vs } H_1 : \lambda = 0.2 \pm (0.2 \times 0.25)$$

$$n_{0.15} = \frac{(z_{1-\alpha/2} \cdot \lambda_0 + z_{1-\beta} \cdot \lambda_1)^2}{(\lambda_0 - \lambda_1)^2} = \frac{(1.96 \times 0.2 + 0.842 \times 0.15)^2}{(0.2 - 0.15)^2} = 107.45$$

$$n_{0.25} = \frac{(z_{1-\alpha/2} \cdot \lambda_0 + z_{1-\beta} \cdot \lambda_1)^2}{(\lambda_0 - \lambda_1)^2} = \frac{(1.96 \times 0.2 + 0.842 \times 0.25)^2}{(0.2 - 0.25)^2} = 145.20$$

$$\therefore n = \max(n_{0.15}, n_{0.25}) = 146$$

2) Sample size determination for the incidence rate studies(2)

□ $H_0 : \lambda_1 = \lambda_2$ 에 대한 검정(차이의 추정보다 검정에 관심)

➤ 검정통계량
$$z_0 = \frac{(\hat{\lambda}_1 - \hat{\lambda}_2)}{\sqrt{2 \cdot \bar{\lambda}^2 / n}} = \frac{\sqrt{n}(\hat{\lambda}_1 - \hat{\lambda}_2)}{\bar{\lambda} \sqrt{2}} \quad \text{where} \quad \bar{\lambda} = \frac{(\hat{\lambda}_1 + \hat{\lambda}_2)}{2}$$

➤ $H_1 : \lambda_1 \neq \lambda_2$ 에 대한 검정력 $\Pr\{z_0 > z_{1-\alpha/2} \mid H_1\} = 1 - \beta$

➤ 검정을 위한 표본크기 결정

$$0 + z_{1-\alpha/2} \sqrt{2 \cdot \bar{\lambda}^2 / n} = (\lambda_1 - \lambda_2) - z_{1-\beta} \sqrt{(\lambda_1^2 + \lambda_2^2) / n} \quad \text{이므로}$$

$$n = \frac{\left(z_{1-\alpha/2} \cdot \sqrt{2 \cdot \bar{\lambda}^2} + z_{1-\beta} \cdot \sqrt{\lambda_1^2 + \lambda_2^2} \right)^2}{(\lambda_1 - \lambda_2)^2}$$

➤ $k = n_2 / n_1$ (불균등표본)인 경우

$$n = \frac{\left(z_{1-\alpha/2} \cdot \sqrt{(1+k) \cdot \bar{\lambda}^2} + z_{1-\beta} \cdot \sqrt{k\lambda_1^2 + \lambda_2^2} \right)^2}{k \cdot (\lambda_1 - \lambda_2)^2} \quad \text{여기서} \quad \bar{\lambda} = \frac{(\hat{\lambda}_1 + k\hat{\lambda}_2)}{(1+k)}$$

Example 10

- B회사에서 특정 화학약품에 노출된 경우 사망 위험이 약 0.1이며, 경쟁사의 사망 위험이 0.05라고 하자. 유의 수준 5%에서 두 회사의 사망 위험에 차이가 있는지 검정을 하고자 하며, 검정 결과에 대한 신뢰정도를 80%수준에서 유지하고자 한다. 이 연구를 위해 실시되는 추적조사(follow-up survey)에 필요한 표본크기는 각각 얼마인가?

$$\bar{\lambda} = (\lambda_1 + \lambda_2) / 2 = 0.075$$

$$n = \frac{\left(z_{1-\alpha/2} \cdot \sqrt{2 \cdot \bar{\lambda}^2} + z_{1-\beta} \cdot \sqrt{\lambda_1^2 + \lambda_2^2} \right)^2}{(\lambda_1 - \lambda_2)^2} = \frac{\left(1.96 \sqrt{2 \times 0.075^2} + 0.842 \sqrt{0.1^2 + 0.05^2} \right)^2}{(0.1 - 0.05)^2} = 36.49$$

3) Sample size determination for the incidence rate studies(3)

□ 연구기간을 설정한 후 실시되는 추적조사에 필요한 표본크기의 결정

➤ Gross and Clark(1975)의 연구 : 총 연구기간 T 로 설정

$$n = \frac{\left(z_{1-\alpha/2} \cdot \sqrt{2 \cdot f(\bar{\lambda})} + z_{1-\beta} \cdot \sqrt{f(\lambda_1) + f(\lambda_2)} \right)^2}{(\lambda_1 - \lambda_2)^2}$$

$$\text{where } f(\lambda) = \frac{\lambda^3 \cdot T}{(\lambda \cdot T - 1 + e^{-\lambda \cdot T})}$$

➤ Lachin(1981)의 연구 : 최초연구기간 T_1 , 총 연구기간은 T 로 설정

$$n = \frac{\left(z_{1-\alpha/2} \cdot \sqrt{2 \cdot g(\bar{\lambda})} + z_{1-\beta} \cdot \sqrt{g(\lambda_1) + g(\lambda_2)} \right)^2}{(\lambda_1 - \lambda_2)^2}$$

$$\text{where } g(\lambda) = \frac{\lambda^3 \cdot T_1}{(\lambda \cdot T_1 - e^{-\lambda \cdot (T-T_1)} + e^{-\lambda \cdot T})}$$

Example 11

- 예제 10의 연구를 5년 동안 진행할 예정이라고 한다. 연구자는 $\alpha = 0.05$ and $\beta = 0.2$ 의 수준에서 가설 $H_0 : \lambda_1 = \lambda_2 = 0.1$ 에 대한 $H_1 : \lambda_1 = 0.1$ and $\lambda_2 = 0.05$ 의 가설을 검정하려고 한다. 추적조사 연구에 필요한 표본규모는 얼마인가?

$$f(\bar{\lambda}) = \frac{\bar{\lambda}^3 \cdot T}{(\bar{\lambda} \cdot T - 1 + e^{-\bar{\lambda} \cdot T})} = 0.0339, \quad f(\lambda_1) = 0.0469, \quad f(\lambda_2) = 0.0217$$

$$\begin{aligned} \therefore n &= \frac{\left(z_{1-\alpha/2} \cdot \sqrt{2 \cdot f(\bar{\lambda})} + z_{1-\beta} \cdot \sqrt{f(\lambda_1) + f(\lambda_2)} \right)^2}{(\lambda_1 - \lambda_2)^2} \\ &= \frac{\left(1.96 \sqrt{2 \times 0.0339} + 0.842 \sqrt{(0.0469 + 0.0217)} \right)^2}{(0.1 - 0.05)^2} = 213.7 \end{aligned}$$

Example 12

- 어느 질병에 대해 표준의 처치를 받은 환자의 평균 생존기간은 2년이라고 한다. 새로운 처치가 개발되어 평균 생존기간이 최소 1년이 더 연장되었다고 주장한다. 새로운 처치에 대한 연구를 5년 동안 진행하면서 새로운 처치에 대한 치료 결과를 검정하려고 한다. 이 연구에 필요한 표본규모는 각각 얼마인가?

$$\lambda_1 = \frac{1}{\mu_1} = 0.5, \quad \lambda_2 = \frac{1}{\mu_2} = 0.333, \quad \bar{\lambda} = 0.4167$$

$$f(\bar{\lambda}) = \bar{\lambda}^3 \cdot T / (\bar{\lambda} \cdot T - 1 + e^{-\bar{\lambda} \cdot T}) = 0.2995, \quad f(\lambda_1) = 0.3950, \quad f(\lambda_2) = 0.2164$$

$$\begin{aligned} \therefore n &= \frac{\left(z_{1-\alpha/2} \cdot \sqrt{2 \cdot f(\bar{\lambda})} + z_{1-\beta} \cdot \sqrt{f(\lambda_1) + f(\lambda_2)} \right)^2}{(\lambda_1 - \lambda_2)^2} \\ &= \frac{\left(1.645 \sqrt{2 \times 0.2995} + 0.842 \sqrt{(0.3950 + 0.2164)} \right)^2}{(0.5 - 0.333)^2} = 163.74 \end{aligned}$$

Example 13

- 예제 12의 연구를 전/후반기로 나누어 전반기에 처음 2.5년 동안 진행한 후 후반기 연구로 2.5년을 계속 진행하려고 계획하고 있다. 이 추적조사 연구에 필요한 표본 규모는 각각 얼마인가? (표본크기는 전반기에 필요한 표본규모를 우선 결정한 후 후반기에는 전반기 결과를 반영하여 표본규모를 정하게 됨)

$$g(\bar{\lambda}) = \frac{\bar{\lambda}^3 \cdot T_1}{\left(\bar{\lambda} \cdot T_1 - e^{-\bar{\lambda} \cdot (T - T_1)} + e^{-\bar{\lambda} \cdot T} \right)} = 0.2224, \quad g(\lambda_1) = 0.2989, \quad g(\lambda_2) = 0.1576$$

$$\begin{aligned} \therefore n &= \frac{\left(z_{1-\alpha/2} \cdot \sqrt{2 \cdot g(\bar{\lambda})} + z_{1-\beta} \cdot \sqrt{g(\lambda_1) + g(\lambda_2)} \right)^2}{(\lambda_1 - \lambda_2)^2} \\ &= \frac{\left(1.645 \sqrt{2 \times 0.2224} + 0.842 \sqrt{0.2989 + 0.1576} \right)^2}{(0.5 - 0.3333)^2} = 99.88 \end{aligned}$$

Sample size for continuous response variables

□ 모평균 추정의 경우

$$n = \frac{z_{1-\alpha/2}^2 \sigma^2}{d^2} \quad \text{where} \quad d = z_{1-\alpha/2} \sqrt{\sigma^2 / n}$$

➤ 상대오차로 주어진 경우

$$n = \frac{z_{1-\alpha/2}^2 \sigma^2}{\varepsilon^2 \mu^2} \quad \text{where} \quad \varepsilon = \frac{|\hat{\mu} - \mu|}{\mu}$$

□ 가설검정 $H_1 : \mu > \mu_0$ 에 필요한 표본크기의 결정

$$n = \frac{\sigma^2 (z_{1-\alpha} + z_{1-\beta})^2}{(\mu_0 - \mu_1)^2}$$

□ 두 모평균 차이 추정에 필요한 표본크기의 결정

$$\text{Var}(\bar{X}_1 - \bar{X}_2) = \frac{\sigma_1^2}{n_1} + \frac{\sigma_2^2}{n_2} \Rightarrow \sigma^2 \left(\frac{1}{n_1} + \frac{1}{n_2} \right) \Rightarrow 2 \cdot \sigma^2 / n$$

$$n = \frac{z_{1-\alpha/2}^2 (2 \cdot \sigma^2)}{d^2} \quad \text{where} \quad d = z_{1-\alpha/2} \sqrt{2\sigma^2 / n}$$

□ 가설검정 $H_1: \mu_1 > \mu_2$ 에 필요한 표본크기의 결정

$$n = \frac{2\sigma^2 (z_{1-\alpha} + z_{1-\beta})^2}{(\mu_1 - \mu_2)^2} \quad \text{cf.} \quad s_p^2 = \frac{(n_1 - 1)s_1^2 + (n_2 - 1)s_2^2}{(n_1 - 1) + (n_2 - 1)}$$