

Significant Latent Factors – Marginals (bold/italic) and Interactions

Genes Associated with Significant Latent Factors

c.0.HSPA1A	<i>c.2.ISG15</i>		<i>c.3.PRSS23</i>	c.5.THBS4	<i>c.3.MT1X</i>	<i>c.7.APOE</i>	<i>c.2.HLADRB5</i>	c.9.HSPA1A	<i>c.10.HSPA1B</i>	c.11.KRT16	c.12.RGS1	c.12.JUN	<i>c.4.TC1M</i>	<i>c.15.SAA1</i>
c.0.HSPA1B	<i>c.2.IF16</i>		<i>c.3.SERPINE2</i>	c.12.CCL4L2	<i>c.6.MT1X</i>	<i>c.7.APOC1</i>	<i>c.7.HLADRB5</i>	c.9.HSP90AA1	<i>c.10.DNAJB1</i>	c.11.KRT6B	c.12.TSC22D3	c.12.GADD45B	<i>c.13.FLNA</i>	<i>c.15.SAA2</i>
c.12.HSPD1	<i>c.5.TM4SF1</i>		<i>c.3.MFAP5</i>	c.13.SCGB2A2	<i>c.12.AREG</i>	<i>c.7.S100A9</i>	<i>c.9.HLADRB5</i>	c.13.RERGL	<i>c.10.HSPA1A</i>	c.4.MT1X	c.8.HES1	c.10.CSF2	<i>c.9.CCR7</i>	<i>c.15.LTF</i>
c.10.HSPH1	<i>c.2.IF144L</i>	<i>c.3.IGFBP5</i>	<i>c.3.IGFBP2</i>	c.5.HBA2	<i>c.5.MT1X</i>	<i>c.10.HSPA6</i>	<i>c.15.CXCL2</i>	c.13.ACTC1	<i>c.15.TSC22D1</i>	c.13.SYNPO2	c.12.ID2	c.8.TAGLN	<i>c.16.SPINK5</i>	<i>c.15.SOD2</i>
c.10.HSPA6	<i>c.14.IF127</i>	<i>c.3.CD55</i>	<i>c.10.LPAR6</i>	c.16.KRTDAP	<i>c.17.TOB1</i>	<i>c.17.HSPA6</i>	<i>c.1.CXCL14</i>	c.13.ZFP36	<i>c.7.TNF</i>	c.16.DCD	c.8.POSTN	c.15.LTF	<i>c.17.HSPA6</i>	<i>c.15.SLC12A2</i>
c.16.CCL2	<i>c.1.NEAT1</i>	<i>c.12.AREG</i>	<i>c.8.DPEP1</i>	c.7.HBB	<i>c.4.MT1X</i>	<i>c.12.ID2</i>	<i>c.3.PLA2G2A</i>	c.13.SLMAP	<i>c.12.HSPE1</i>	c.2.HSP90AA1	c.13.CCDC80	c.8.POSTN	<i>c.3.PTN</i>	<i>c.15.MALAT1</i>
c.0.FLG2	<i>c.13.PTGDS</i>	<i>c.9.CCR7</i>	<i>c.6.GPC3</i>	c.12.GPR65	<i>c.6.CLU</i>	<i>c.8.HES1</i>	<i>c.17.IFNG</i>	c.13.MYLK	<i>c.6.CXCL2</i>	c.17.HSPE1	c.14.HES1	c.12.AP3S1	<i>c.4.PLN</i>	<i>c.10.CSF2</i>
c.17.IFITM1	<i>c.16.IF127</i>	<i>c.17.CXCR6</i>	<i>c.3.LUM</i>	c.16.SPINK5	<i>c.3.MFAP5</i>	<i>c.7.SPP1</i>	<i>c.13.CFD</i>	c.4.XIST	<i>c.8.HES1</i>	c.8.CTGF	c.8.TIMP3	c.8.THBS4	<i>c.15.TSC22D1</i>	<i>c.8.TAGLN</i>
c.9.HSPA6	<i>c.14.FOS</i>	<i>c.10.TXNIP</i>	<i>c.17.CCL4L2</i>	c.15.HBB	<i>c.3.WISP2</i>	<i>c.9.CCR7</i>	<i>c.0.HES1</i>	c.10.CACYBP	<i>c.7.S100A9</i>	c.11.KRT17	c.3.CRIP1	c.14.IGFBP5	<i>c.15.SLC12A2</i>	<i>c.8.POSTN</i>
c.8.APOD	<i>c.0.S100A7</i>	<i>c.3.APOE</i>	<i>c.5.ACTA2</i>	c.16.LY6D	<i>c.7.PLTP</i>	<i>c.2.HSPA1A</i>	<i>c.5.HSPA6</i>	c.17.CCL4L2	<i>c.8.APOD</i>	c.5.ACTA2	c.9.CCR7	c.12.PPP1R15A	<i>c.16.KRT6B</i>	<i>c.12.AP3S1</i>
c.3.SLPI	<i>c.3.SLPI</i>	<i>c.9.SGK1</i>	<i>c.3.SLPI</i>	c.3.SLPI	<i>c.3.SLPI</i>	<i>c.3.SLPI</i>	<i>c.3.SLPI</i>	c.3.SLPI	<i>c.3.SLPI</i>	c.3.SLPI	c.3.SLPI	c.3.SLPI	<i>c.3.SLPI</i>	<i>c.3.SLPI</i>
c.3.TPPP3	<i>c.3.TPPP3</i>	<i>c.10.XCL2</i>	<i>c.3.TPPP3</i>	c.3.TPPP3	<i>c.3.TPPP3</i>	<i>c.3.TPPP3</i>	<i>c.3.TPPP3</i>	c.3.TPPP3	<i>c.3.TPPP3</i>	c.3.TPPP3	c.3.TPPP3	c.3.TPPP3	<i>c.3.TPPP3</i>	<i>c.3.TPPP3</i>
c.10.FOS	<i>c.10.FOS</i>	<i>c.5.MT1X</i>	<i>c.10.FOS</i>	c.10.FOS	<i>c.10.FOS</i>	<i>c.10.FOS</i>	<i>c.10.FOS</i>	c.10.FOS	<i>c.10.FOS</i>	c.10.FOS	c.10.FOS	c.10.FOS	<i>c.10.FOS</i>	<i>c.10.FOS</i>
c.10.TXNIP	<i>c.10.TXNIP</i>	<i>c.3.SLPI</i>	<i>c.10.TXNIP</i>	c.10.TXNIP	<i>c.10.TXNIP</i>	<i>c.10.TXNIP</i>	<i>c.10.TXNIP</i>	c.10.TXNIP	<i>c.10.TXNIP</i>	c.10.TXNIP	c.10.TXNIP	c.10.TXNIP	<i>c.10.TXNIP</i>	<i>c.10.TXNIP</i>
c.3.DIO2	<i>c.3.DIO2</i>	<i>c.3.TPPP3</i>	<i>c.3.DIO2</i>	c.3.DIO2	<i>c.3.DIO2</i>	<i>c.3.DIO2</i>	<i>c.3.DIO2</i>	c.3.DIO2	<i>c.3.DIO2</i>	c.3.DIO2	c.3.DIO2	c.3.DIO2	<i>c.3.DIO2</i>	<i>c.3.DIO2</i>
c.10.KLF6	<i>c.10.KLF6</i>	<i>c.10.FOS</i>	<i>c.10.KLF6</i>	c.10.KLF6	<i>c.10.KLF6</i>	<i>c.10.KLF6</i>	<i>c.10.KLF6</i>	c.10.KLF6	<i>c.10.KLF6</i>	c.10.KLF6	c.10.KLF6	c.10.KLF6	<i>c.10.KLF6</i>	<i>c.10.KLF6</i>
c.3.TNC	<i>c.3.TNC</i>	<i>c.3.DIO2</i>	<i>c.3.TNC</i>	c.3.TNC	<i>c.3.TNC</i>	<i>c.3.TNC</i>	<i>c.3.TNC</i>	c.3.TNC	<i>c.3.TNC</i>	c.3.TNC	c.3.TNC	c.3.TNC	<i>c.3.TNC</i>	<i>c.3.TNC</i>
c.4.CXCL3	<i>c.4.CXCL3</i>	<i>c.10.KLF6</i>	<i>c.4.CXCL3</i>	c.4.CXCL3	<i>c.4.CXCL3</i>	<i>c.4.CXCL3</i>	<i>c.4.CXCL3</i>	c.4.CXCL3	<i>c.4.CXCL3</i>	c.4.CXCL3	c.4.CXCL3	c.4.CXCL3	<i>c.4.CXCL3</i>	<i>c.4.CXCL3</i>
c.3.TNXB	<i>c.3.TNXB</i>	<i>c.3.TNC</i>	<i>c.3.TNXB</i>	c.3.TNXB	<i>c.3.TNXB</i>	<i>c.3.TNXB</i>	<i>c.3.TNXB</i>	c.3.TNXB	<i>c.3.TNXB</i>	c.3.TNXB	c.3.TNXB	c.3.TNXB	<i>c.3.TNXB</i>	<i>c.3.TNXB</i>
c.5.IGFBP5	<i>c.5.IGFBP5</i>	<i>c.4.CXCL3</i>	<i>c.5.IGFBP5</i>	c.5.IGFBP5	<i>c.5.IGFBP5</i>	<i>c.5.IGFBP5</i>	<i>c.5.IGFBP5</i>	c.5.IGFBP5	<i>c.5.IGFBP5</i>	c.5.IGFBP5	c.5.IGFBP5	c.5.IGFBP5	<i>c.5.IGFBP5</i>	<i>c.5.IGFBP5</i>

5

17

19

20

42

46

58

74
Significant Latent Factor

79

88

110

116

119

129

142