

Systemy równoległe i rozproszone

Drzewa wszystkich najkrótszych ścieżek - algorytm Dijkstra'y Aplikacja równoległa MPI

Arkadiusz Kasprzak Aleksandra Poręba

21 kwietnia 2020

Spis treści

1	Wst	sęp 3
	1.1	Algorytm Dijkstry
	1.2	Aplikacje równoległe
2	Buc	lowa projektu 3
	2.1	Podział na komponenty
		Klasy w projekcie
3	Dzi	ałanie projektu 6
	3.1	Inicjalizacja
	3.2	Implementacja i zakończenie algorytmu
	3.3	Zastosowane funkcjonalności MPI
4	Tes	ty projektu 15
5	Obs	sługa programu 15
	5.1	Kompilacja
	5.2	Uruchomienie
		Dodatkowe opcje
		Generowanie grafów

1 Wstęp

1.1 Algorytm Dijkstry

Implementowany w projekcie algorytm Dijkstry jest algorytmem poszukiwania najkrótszych ścieżek z pojedynczego, wybranego wierzchołka do wszystkich pozostałych.

Oparty jest on na metodzie zachłannej, w każdym kroku wybierany jest wierzchołek, do którego koszt dojścia jest najmniejszy.

```
V - zbiór wierzcholkow
E - zbiór krawedzi z wagami
v - wierzcholek startowy
Dijkstra(V, E, v)
         Q := V;
         p := null;
         \mathtt{d} \; := \; \infty
         d(v) := 0
         dopoki Q != ∅ wykonaj
                  wybierz ze zbioru Q wierzcholek u o \hookleftarrow
                      najmniejszym koszcie dojscia d(u)
                  Q := Q \setminus \{u\}
                  dla kazdego sasiada w wierzcholka u, ktory \hookleftarrow
                      nalezy do zbioru Q wykonaj
                            jesli d(w) > d(u) + E(w, u) to
                                     d(w) := d(u) + E(w, u)
                                     p(w) := u
```

Listing 1: Pseudokod algorytmu Dijkstry.

1.2 Aplikacje równoległe

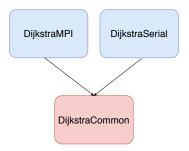
2 Budowa projektu

W tej części dokumentacji opisana została budowa przygotowanego projektu - zarówno jeśli chodzi o podział projektu na komponenty (biblioteki), jak i na poszczególne klasy. Nie jest to natomiast dokumentacja kodu - ta została przygotowana odrębnie, w postaci zbioru dokumentów HTML, przy pomocy narzędzia *Doxygen*.

2.1 Podział na komponenty

Projekt podzielony został na trzy główne komponenty:

- DijkstraCommon biblioteka statyczna zawierająca klasy oraz funkcje współdzielone przez pozostałe dwa komponenty. W jej skład wchodzą klasy odpowiedzialne za: zapis wyników obliczeń, walidację danych podanych przez użytkownika, przechowywanie danych na temat przetwarzanego grafu i jego poszczególnych wierzchołków czy przetwarzanie argumentów linii poleceń. Zawiera również klasę DijkstraAlgorithmBackend stanowiącą szkielet implementowanego algorytmu.
- DijkstraSerial implementacja algorytmu bez użycia protokołu MPI, czyli w formie klasycznego algorytmu szeregowego. Komponent ten został dołączony do projektu jako punkt odniesienia w procesie testowania wydajności implementacji równoległej. Zawiera funkcję main.
- DijkstraMPI implementacja algorytmu używająca protokołu MPI. Jest to jedyny komponent projektu używający tej biblioteki. Zawiera funkcję main.



Rysunek 1: Komponenty wchodzące w skład projektu wraz z wzajemnymi zależnościami.

Zależności między poszczególnymi komponentami przedstawia rysunek 1. Na niebiesko oznaczone zostały komponenty produkujące plik wykonywalny, na czerwono natomiast biblioteki. Każdy z komponentów znajduje się w osobnym katalogu o nazwie odpowiadającej nazwie komponentu.

2.2 Klasy w projekcie

 ${\bf TODO: Wtorek}$

3 Działanie projektu

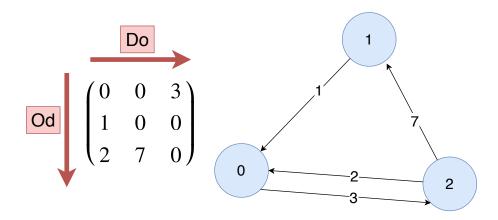
W tej części dokumentacji omówiony zostanie sposób działania implementacji algorytmu Dijkstra'y wykorzystującej protokół MPI. Algorytm składa się z trzech głównych części:

- inicjalizacja podział danych wejściowych na części, walidacja, rozesłanie danych do poszczególnych procesów
- obliczenie odległości i ścieżek (algorytm Dijkstra'y)
- zapisanie wyników do pliku i zakończenie działania programu

3.1 Inicjalizacja

Pierwsza część programu składa się z kilku mniejszych etapów. Na początku ma miejsce standardowa inicjalizacja protokołu MPI oraz przypisanie każdemu z procesów rangi. Kolejnym etapem jest utworzenie klasy odpowiedzialnej za wyświetlanie informacji o przebiegu programu na standardowe wyjście. W dalszej kolejności przetwarzane i walidowane są dane wejściowenumer wierzchołka stanowiącego źródło oraz ścieżka do pliku z danymi wejściowymi. W przypadku, gdy dane są niepoprawne, program kończy działanie wyświetlając odpowiedni komunikat.

Następnie odbywa się przede wszystkim podział danych wejściowych na części i rozesłanie ich do poszczególnych procesów. Program przyjmuje informacje na temat przetwarzanego grafu w postaci tzw. **macierzy sąsiedztwa**. W i-tym rzędzie i j-tej kolumnie takiej macierzy znajduje się waga przypisana do krawędzi łączącej wierzchołek i z wierzchołkiem j. W przypadku braku krawędzi waga wynosi 0. Rysunek 2 przedstawia przykład tego typu reprezentacji wraz z odpowiadającym jej grafem.



Rysunek 2: Przykładowa macierz sąsiedztwa wraz z odpowiadającym jej grafem skierowanym.

Macierz sąsiedztwa wczytywana jest z pliku z danymi wejściowymi przez proces główny (proces root o identyfikatorze 0). Proces ten dokonuje podziału macierzy na części zgodnie z ilością procesów biorących udział w wykonaniu algorytmu. Każdy z procesów otrzymuje k kolumn oryginalnej macierzy w formie ciągłego obszaru pamięci - przykładowy podział dla grafu o 5 wierzchołkach i 3 procesów przedstawia rysunek 3.

Algorytm podziału jest prosty. Dana jest macierz o n kolumnach i m procesów. Najpierw każdemu z procesów przypisywane jest:

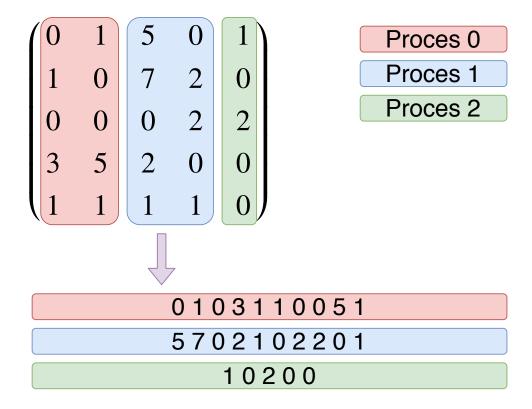
$$a = \left\lfloor \frac{n}{m} \right\rfloor \tag{1}$$

kolumn - w przypadku n=5 i m=3 każdy proces otrzymuje domyślnie jedną kolumnę. Ilość pozostałych kolumn dana jest zależnością:

$$k = n \mod m \tag{2}$$

W analizowanym przykładzie jest to k=2. Kolumny te rozdzielane są po jednej pomiędzy k pierwszych (zgodnie z numeracją nadaną przez MPI) procesów. Ostatecznie w omawianym przykładzie proces zerowy i pierwszy

otrzymują po dwie kolumny, proces drugi otrzymuje natomiast tylko jedną kolumnę.



Rysunek 3: Przykładowy podział macierzy sąsiedztwa reprezentującej graf o 5 wierzchołkach. W wykonaniu algorytmu biorą udział 3 procesy.

Kolumny przypisywane są każdemu procesowi po kolei, tzn. proces 0 otrzymuje x_0 pierwszych kolumn macierzy, proces 1 kolejne x_1 itd. Zbiór kolumn reprezentowany jest za pomocą jednowymiarowej tablicy - ułożone są w niej kolejno dane z pierwszej, drugiej itd. kolumny.

Po dokonaniu przez proces root podziału, do każdego z procesów wysyłane są trzy informacje:

 całkowita liczba wierzchołków w przetwarzanym grafie - wysyłanie odbywa się za pomocą operacji kolektywnej MPI_Bcast

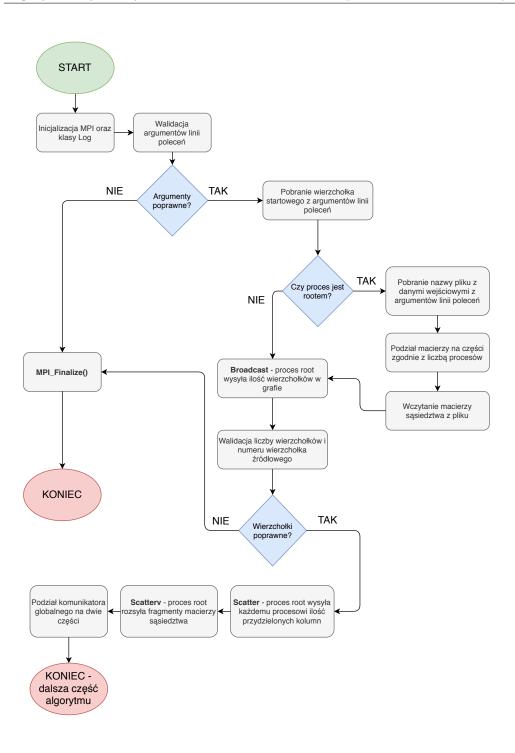
- ilość kolumn macierzy sąsiedztwa, jaka każdy z procesów będzie musiał obsłużyć. Informacja ta jest w tym momencie potrzebna, ponieważ każdy z procesów musi przygotować sobie odpowiednio duży bufor na dane z samej macierzy. Wysyłanie tej informacji odbywa się za pomocą operacji MPI_Scatter, ponieważ każdy z procesów otrzymuje swoją indywidualną informację.
- zawartość kolumn macierzy sąsiedztwa, które będą przetwarzane przez dany proces. Wysyłanie tej informacji odbywa się za pomocą funkcji MPI_Scatterv, ponieważ jest ona w stanie obsłużyć wysyłanie innej ilości danych do każdego z procesów.

Po zakończeniu wysyłania danych następuje podział procesów na dwie grupy: procesy które otrzymały przynajmniej jedną kolumnę oraz takie, które nie otrzymały żadnej (ma to miejsce, gdy do wykonania algorytmu przydzielone zostaje więcej procesów, niż przetwarzany graf posiada wierzchołków). W tym celu za pomocą operacji MPI_Comm_split komunikator globalny dzielony jest na dwa komunikatory. Kryterium podziału stanowi tutaj właśnie sprawdzenie, czy procesowi zostały przydzielone kolumny macierzy do obsługi (numberOfColumnsToHandle > 0). Pozwala to wykluczyć nadmiarowe procesy z dalszego przebiegu algorytmu.

Przebieg procesu inicjalizacji jest komunikowany użytkownikowi - na standardowym wyjściu pojawiają się odpowiednie informacje. Poniżej zamieszczono przykład takich informacji wygenerowany dla przykładu widocznego na rysunku 3:

```
[Process 0] This process will handle 2 vertices in range \begin{bmatrix} 0 \ , \ 1 \end{bmatrix} [Process 1] This process will handle 2 vertices in range \begin{bmatrix} 2 \ , \ 3 \end{bmatrix} [Process 2] This process will handle 1 vertices in range \begin{bmatrix} 4 \ , \ 4 \end{bmatrix} ....
```

Rysunek 4 przedstawia **schemat blokowy** ilustrujący przebieg procesu inicjalizacji.



Rysunek 4: Schemat blokowy ilustrujący przebieg procesu inicjalizacji.

3.2 Implementacja i zakończenie algorytmu

Początek właściwej części programu stanowi sprawdzenie, czy danemu procesowi przydzielone zostały wierzchołki grafu (czyli kolumny macierzy sąsiedztwa) do przetworzenia. Jeśli nie, to taki proces nie bierze udziału w dalszym wykonaniu algorytmu - następuje dealokacja utworzonego komunikatora i zakończenie działania. W przeciwnym wypadku proces przystępuje do realizacji algorytmu.

Implementacja algorytmu Dijkstra'y za pomocą protokołu MPI nie różni się w sposób znaczący od klasycznej implementacji szeregowej. Każdy z procesów obsługuje dwie tablice:

- tablica odległości (kosztów) od wierzchołka źródłowego do każdego z wierzchołków w grafie
- tablica poprzedników każdego z wierzchołków służy do odtworzenia najkrótszych ścieżek między wierzchołkami

oraz zbiór obsłużonych wierzchołków (często nazywany klastrem). Początkowo zbiór ten jest pusty, tablica kosztów zainicjalizowana jest nieskończonościami, a tablica poprzedników wartościami -1. Różnica w stosunku to szeregowej wersji algorytmu jest taka, że w przypadku implementacji równoległej każdy z procesów przechowuje **fragmenty tych tablic** odpowiadające przydzielonym im wierzchołkom grafu.

W procesie obsługującym wierzchołek źródłowy jego wpis w tablicy kosztów ustawiany jest na wartość 0. Następnie, dopóki wszystkie wierzchołki nie zostały przetworzone, wykonywany jest w pętli algorytm:

- każdy proces wybiera spośród przydzielonych mu wierzchołków taki, który nie został jeszcze dodany do zbioru wierzchołków obsłużonych i którego wartość w tablicy kosztów jest najmniejsza
- za pomocą operacji MPI_Allreduce wybierany jest wierzchołek o globalnie najniższej wartości kosztu (czyli najlepszy spośród najlepszych z każdego procesu)
- jeśli nie został wyznaczony taki wierzchołek, to następuje wyjście z pętli i zakończenie algorytmu
- w przeciwnym razie wierzchołek zostaje dodany do zbioru wierzchołków przetworzonych (w każdym procesie zbiór ten jest przechowywany osobno, w całości)

 dla każdego nieprzetworzonego sąsiada wyznaczonego wierzchołka dokonywana jest aktualizacja w tablicy kosztów i poprzedników (wybrany wierzchołek staje się poprzednikiem swoich sąsiadów), jeśli nowy koszt okazuje się niższy od dotychczasowego

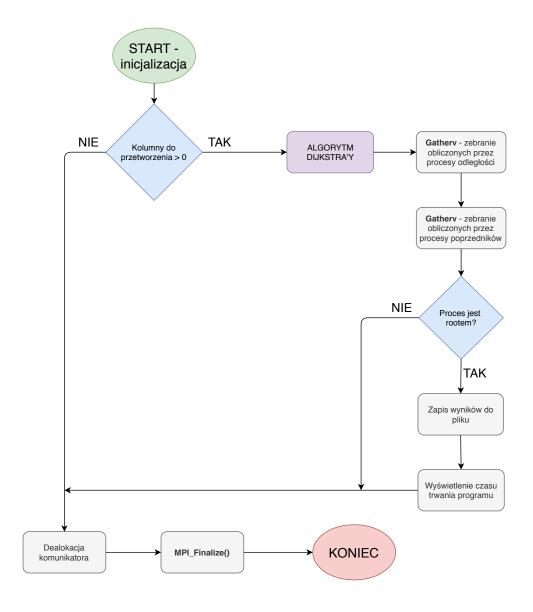
Po zakończeniu działania algorytmu fragmenty tablic kosztów i poprzedników są łączone w całość za pomocą operacji MPI_Gatherv. Proces root wyznacza ścieżki z wierzchołka źródłowego do każdego wierzchołka w grafie i zapisuje wyniki do pliku. Następnie wyświetlany jest czas działania algorytmu. Ostatnim krokiem jest zwolnienie utworzonego wcześniej komunikatora, wywołanie operacji MPI_Finalize i zakończenie działania programu.

W kilku miejscach w programie tworzona jest zmienna zawierająca aktualny czas. Pod koniec działania, proces root zbiera te informacje i wyświetla czas wykonywania się każdej z trzech części programu:

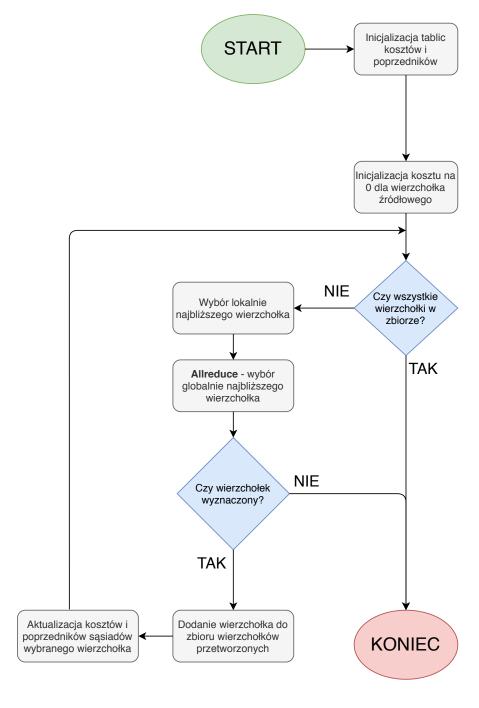
Wyświetlane są wyniki pomiarów dokonanych jedynie w procesie głównym - wyniki z pozostałych procesów są pomijane. Pomiar wykonywany jest z użyciem biblioteki chrono z C++11.

Rysunek 5 przedstawia schemat blokowy ilustrujący przebieg działania algorytmu po inicjalizacji. Kolorem fioletowym oznaczony został blok związany z główną pętlą algorytmu Dijkstra'y. Schemat ten nie zawiera szczegółów jej działania.

Rysunek 6 przedstawia schemat blokowy ilustrujący działania głównej pętli algorytmu Dijkstra'y. Schemat ten stanowi rozwinięcie fioletowego bloku z rysunku 5.



Rysunek 5: Schemat blokowy ilustrujący przebieg głównej części programu wraz z zapisaniem wyników i zakończeniem. Schemat nie zawiera implementacji algorytmu Dijkstra'y.



Rysunek 6: Schemat blokowy ilustrujący przebieg głównej pętli algorytmu Dijkstra'y.

3.3 Zastosowane funkcjonalności MPI

TODO:Wtorek W ramach projektu zastosowane zostały następujące funkcjonalności MPI:

- operacja kolektywna MPI_Bcast
- operacja kolektywna MPI_Scatter
- operacja MPI_Scatterv
- operacja MPI_Gatherv
- operacja MPI_Allreduce
- tworzenie nowego komunikatora za pomocą MPI_Comm_split

4 Testy projektu

TODO:Wtorek

5 Obsługa programu

5.1 Kompilacja

Do kompilacji projektu został przygotowany CMakeLists.txt. Za jego pomocą możemy utworzyć potrzebne biblioteki oraz pliki wykonywalne.

```
$ cmake CMakeLists.txt
$ make
```

Listing 2: Kompilacja programu.

Aby kompilacja przeszła poprawnie wymagane jest posiadanie zainstalowanej biblioteki MPI. Na pracowni wiąże się to z załadowaniem zmiennych środowiskowych przed kompilacją.

```
$ source /opt/nfs/config/source_mpich32.sh
```

Listing 3: Skonfigurowanie dostępu do pakietu MPI na pracowni.

5.2 Uruchomienie

Aby uruchomić program użytkownik może skorzystać z opcji udostępnianych w programie Makefile.

- make runMPI uruchomiona zostaje równoległa wersja programu,
- make runSerial uruchomiona zostaje sekwencyjna wersja programu.

Można skorzystać z domyślnych parametrów uruchomienia, lub podać własne:

- VERTEX=V jako wierzchołek startowy zostanie wybrany wierzchołek V, domyślną wartością jest 0,
- FILE=F jako plik wejściowy zostanie użyty plik F, plik domyślny to '../data/graph.dat'.

```
$ make runMPI VERTEX=1 FILE="../data/graph.dat"
```

Listing 4: Przykładowe uruchomienie programu.

Jeśli użytkownik nie chce skorzystać z udostępnionych opcji można również uruchomić pliki wykonywalne samodzielnie. Po wykonaniu komendy make install—all zostaną one udostępnione w katalogu kompilacji. Jako argument należy podać kolejno numer wierzchołka startowego oraz plik wsadowy. Pierwszy argument jest obligatoryjny.

```
$ make install-all
$ ./DijkstraMPI 1 "../data/graph.dat"
```

Listing 5: Przykładowe uruchomienie programu z bezpośrednim użyciem plików wykonywalnych.

Po uruchomieniu programu, jeśli zostało włączone logowanie, zostaną wyświetlone informacje na temat czasu wykonania. Znalezione ścieżki są zapisywane do plików odpowiednio resultMPI.txt oraz resultSerial.txt.

5.3 Dodatkowe opcje

Korzystając z udostępnionego CMakeLists.txt można również włączyć dodatkowe opcje, takie jak:

- -DBUILD_DOC=ON|OFF generowanie dokumentacji Doxygen, domyślnie ta opcja jest wyłączona,
- -DSHOULD_LOG=TRUE|FALSE włączenie/wyłączenie generowania logów w czasie działania programu.

Dostępne są również dodatkowe opcje programu Makefile, takie jak:

- make clean—all przywrócenie zawartości podkatalogu do stanu wyjściowego,
- make install—all udostępnienie plików wykonywalnych w podkatalogu,
- make doc wygenerowanie dokumentacji Doxygen,
- make runMPI uruchomienie programu w wersji równoległej, opisane w punkcie 5.2,
- make runSerial uruchomienie programu w wersji sekwencyjnej, opisane w punkcie 5.2,

5.4 Generowanie grafów

W ramach projektu został udostępniony dodatkowy skrypt generateGraphs.py. Służy on do generowania grafów skierowanych o wybranej przez użytkownika liczbie wierzchołków i krawędzi. Znajduje się on w katalogu \data. Dostępne są opcje:

- -h pomoc skryptu,
- -e liczba krawędzi w grafie, jeśli wartość nie została podana, ustawiana jest wartość domyślna = 10,
- -v liczba wierzchołków w grafie, wartość domyślna = 10,
- f nazwa pliku wyjściowego, domyślna nazwa to 'qraph.dat'.

Jeśli wartość krawędzi jest zbyt duża dla danej liczby wierzchołków, użytkownik zostaje poinformowany i zostaje ustawiona nowa, losowa wartość.

Wagi krawędzi są nieujemnymi liczbami rzeczywistymi, z zakresu [0, 10].

Listing 6: Pomoc skryptu generateGraphs.

Wygenerowane grafy za pomocą tego skryptu można użyć jako plik wejściowy do programu.