

Chapitre 5:

Méthodes analytiques avancées

Clustering

Clustering - Définition

- Le clustering ou la classification automatique vise à regrouper un ensemble de données en groupes de sorte que :
 - Les objets d'un même groupe soient aussi similaires que possible
 - Les objets de groupes différents soient aussi dissemblables que possible

$$I_{intraclass} = \frac{1}{N} \sum_{i=1}^k \sum_{j=1}^{n_i} d^2(O_{ij}, G_i)$$

$$I_{interclass} = \sum_{i=1}^k \frac{n_i}{N} d^2(G_i, G)$$

- Minimiser l'inertie intra-classes.
- Maximiser l'inertie inter-classes.

Similarité VS Dissimilité

- L'indice de similarité
 - $\forall x \in \Omega, s(x, x) = 1$
 - s est symétrique : $s(x_1, x_2) = s(x_2, x_1)$
 - $s(x_1, x_1) = s(x_2, x_2) > s(x_1, x_2)$
- L'indice de dissimilarité:
 - $\forall x \in \Omega, d(x, x) = 0$
 - d est symétrique: $d(x_1, x_2) = d(x_2, x_1)$
 - $d(x_1, x_1) = d(x_2, x_2) < d(x_1, x_2)$

Distance

- La distance : est un indice de dissimilarité qui vérifie :
- $d(x_1, x_2) = 0$ if $x_1 = x_2$
- La symétrie: $d(x_1, x_2) = d(x_2, x_1)$
- Pour tout x_1, x_2, x_3 de Ω ,
- $d(x_1, x_2) \leq d(x_1, x_3) + d(x_3, x_2)$ -- inégalité triangulaire

Exemples de mesures de distance

- Distance Euclidienne

$$d(X, Y) = \sqrt{\sum_{i=1}^p (x_i - y_i)^2}$$

- Distance Euclidienne Carrée

$$d(X, Y) = \sum_{i=1}^p (x_i - y_i)^2$$

- Distance de Chebychev

$$d(X, Y) = \max_{i=\{1, \dots, p\}} |x_i - y_i|$$

Exemples de mesures de distance

- Distance de Manhattan

$$d(X, Y) = \sum_{i=1}^p |x_i - y_i|$$

- Distance de Minkowski

$$d(X, Y) = \sqrt[\lambda]{\sum_{i=1}^p |x_i - y_i|^\lambda}$$

- Pour $\lambda = 1$, nous avons la somme des valeurs absolues (Distance de Manhattan)
- For $\lambda = 2$, Distance Euclidienne
- For $\lambda \rightarrow +\infty$, Distance de Chebychev

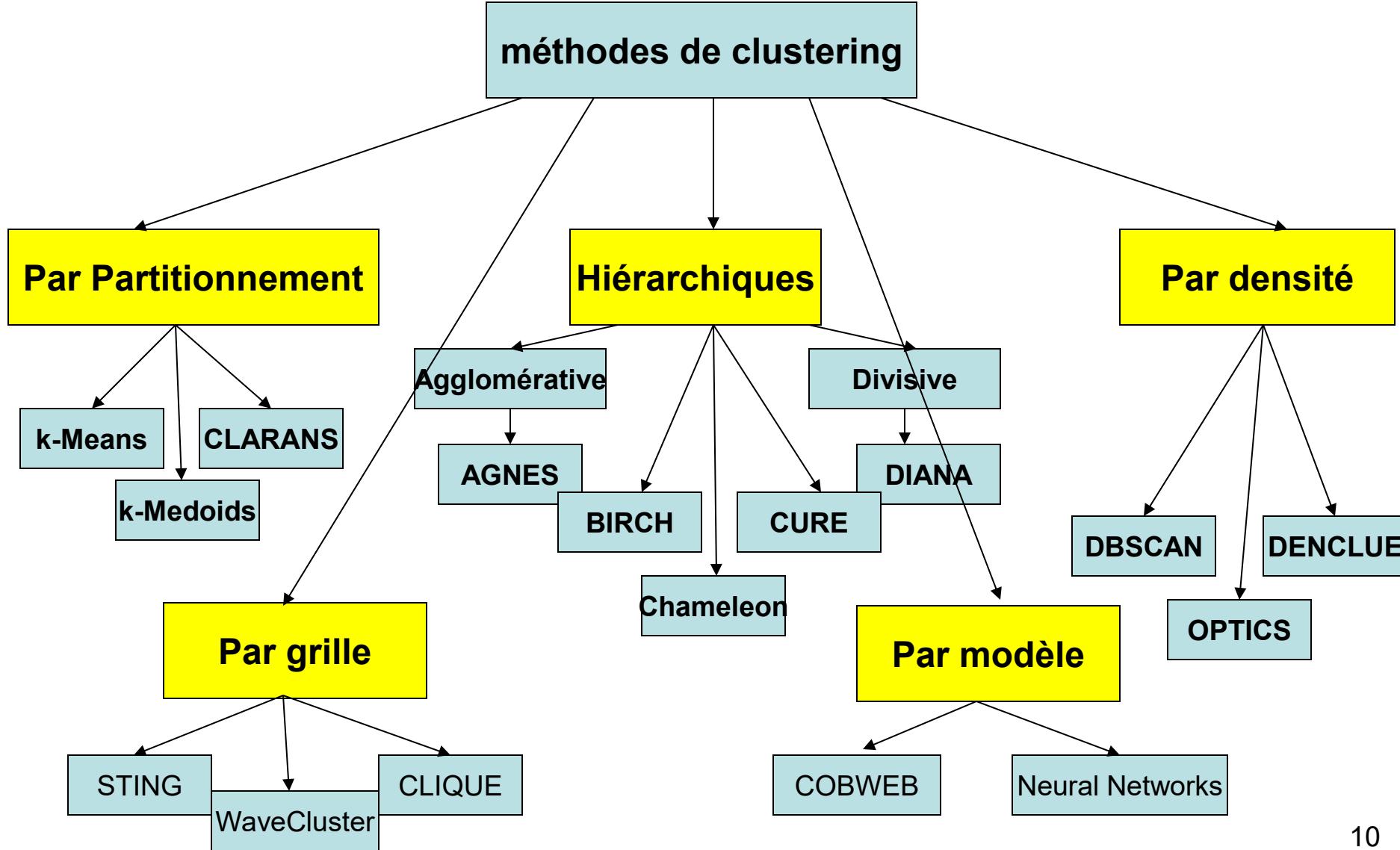
Distances (données binaires)

- On considère X et Y deux vecteurs binaires :
 - Soit a le nombre de fois où $X_j = Y_j = 1$
 - Soit b le nombre de fois où $X_j = 0$ et $Y_j = 1$
 - Soit c le nombre de fois où $X_j = 1$ et $Y_j = 0$
 - Soit d le nombre de fois où $X_j = Y_j = 0$
- Exemple de similarités souvent utilisées :
 - $D1(X, Y) = a / (a+b+c+d)$
 - $D2(X, Y) = a / (a+b+c)$ *Mesure de Jaccard*
 - $D3(X, Y) = 2a / (2a+b+c)$
 - $D4(X, Y) = a / (a+2(b+c))$
 - $D5(X, Y) = (a+d) / (a+b+c+d)$ *Mesure de Sokal & Michener*

Distances (données qualitatives)

- Similarités entre individus :
 - Codage disjonctif complet; permet de se ramener à un tableau de variables binaires (One-Hot Encoding)

Les méthodes de clustering



Principales méthodes de clustering

- Méthodes par partitionnement:
 - Construire k partitions et les corriger jusqu'à obtenir une similarité satisfaisante
 - k-means
 - k-medoids ou PAM (Partitionning Around Medoid)
 - CLARA (Clustering LARge Applications)
 - CLARANS (Clustering Large Applications based RANdomized Search)
- Méthodes hiérarchiques:
 - Créer une décomposition hiérarchique par agglomération ou division de groupes similaires ou dissimilaires
 - CAH, AGNES, DIANA, BIRCH, CURE, ROCK, ...

Principales méthodes de clustering

- Méthodes par densité:
 - Grouper les objets tant que la densité de voisinage excède une certaine limite
 - DBSCAN, OPTICS, DENCLUE
- Méthodes par grille:
 - Diviser l'espace en cellules formant une grille multi-niveaux et grouper les cellules voisines en terme de distance
 - STING, WaveCluster, CLIQUE
- Méthodes par modèle:
 - Modéliser les groupes et utilise le modèle pour classer les points
 - COBWEB, Neural Networks

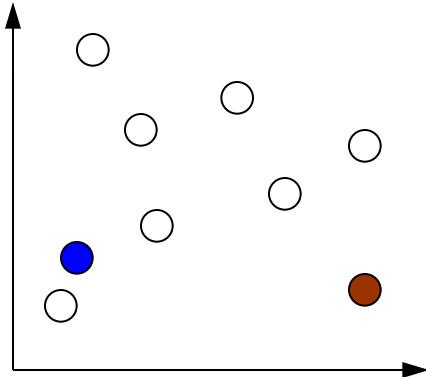
Principe du partitionnement

- N objets sont classés en k -partitions
 - Construire k partitions et les corriger jusqu'à obtenir une similarité satisfaisante
 - Optimisation d'une fonction d'objectif
 - similarité inter-classe
 - k-means, k-medoids (PAM)
 - CLARANS

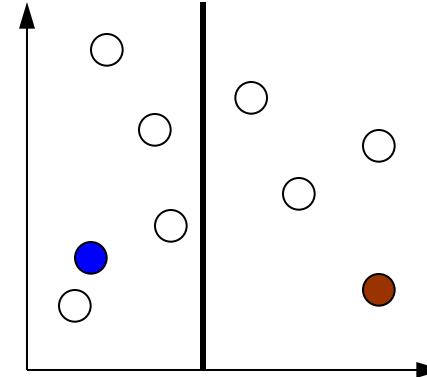
K-Means

- Méthode des K-moyennes (*MacQueen'67*)
 1. choisir K éléments initiaux "centres" des K groupes
 2. placer les objets dans le groupe de centre le plus proche
 3. recalculer le centre de gravité de chaque groupe
 4. itérer l'algorithme (répéter 2 et 3) jusqu'à ce que les objets ne changent plus de groupe
- Encore appelée méthode des centres mobiles
- C'est l'algorithme le plus utilisé

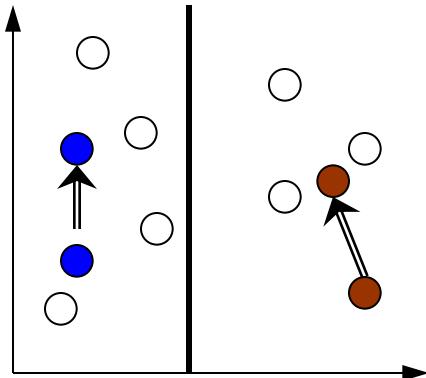
Exemple de K-means (k=2)



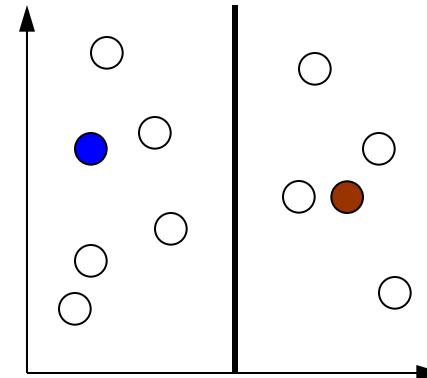
Choisir 2 centres



Assigner les objets

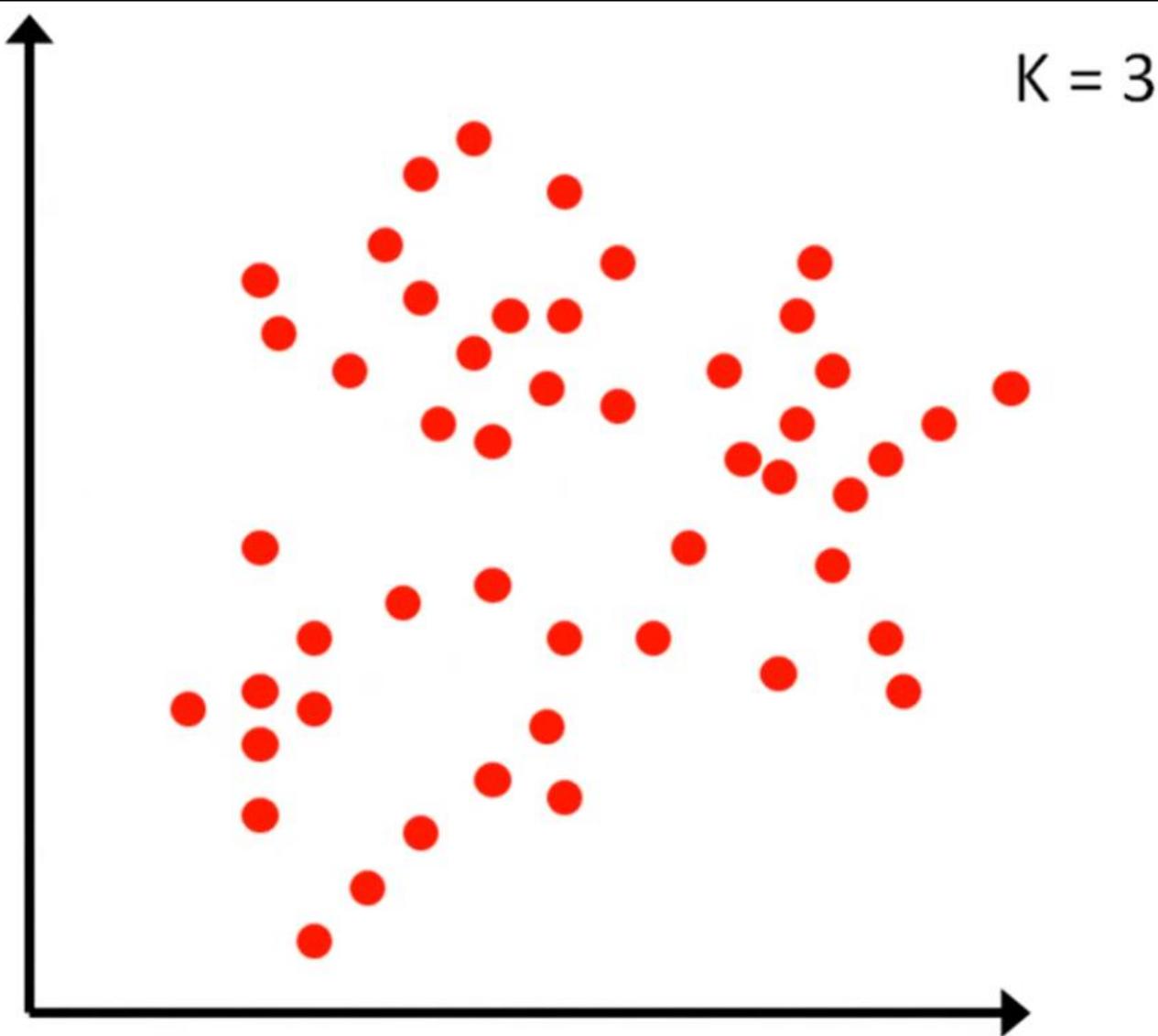


Recalculer les centres

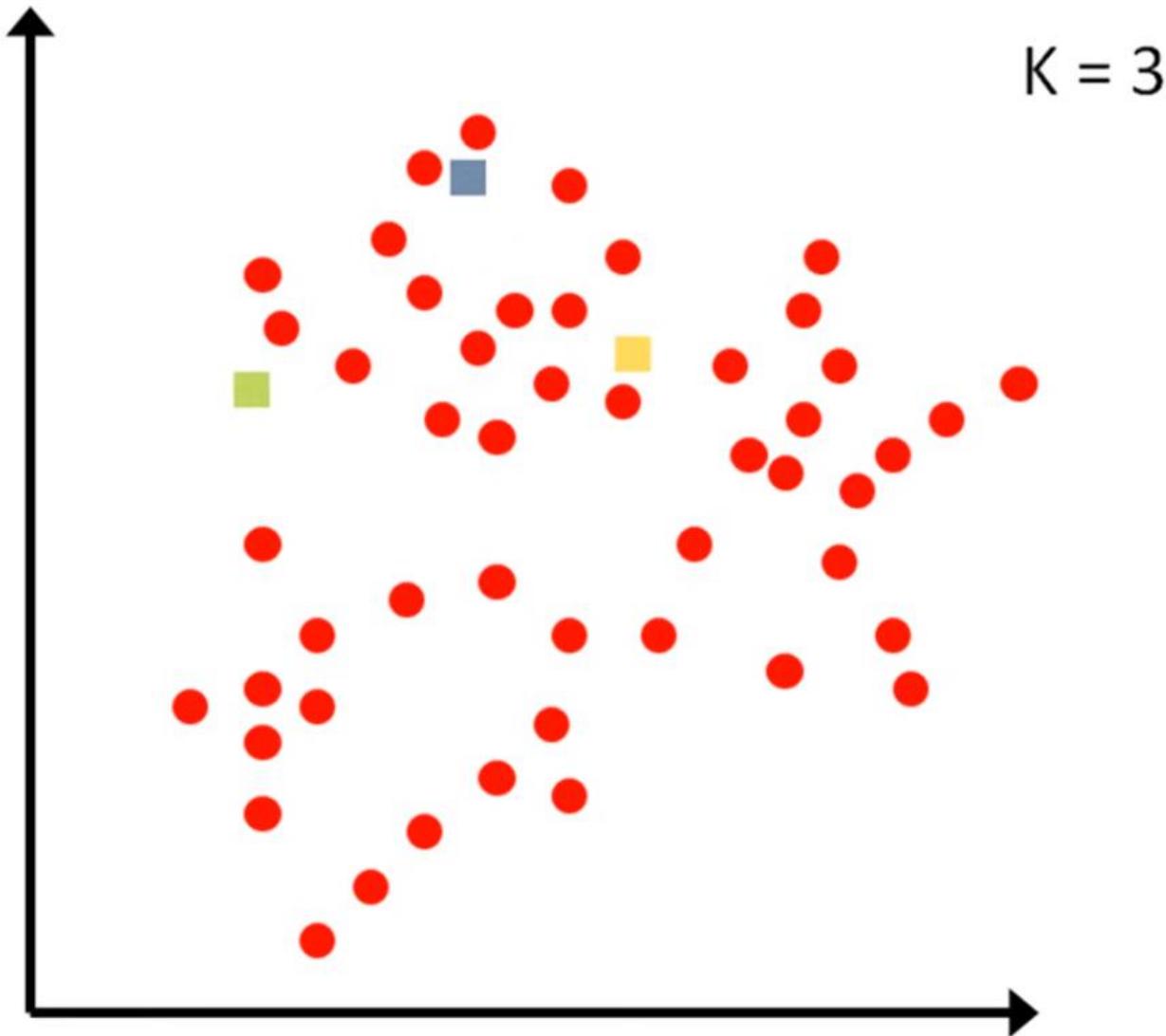


Réassigner les objets

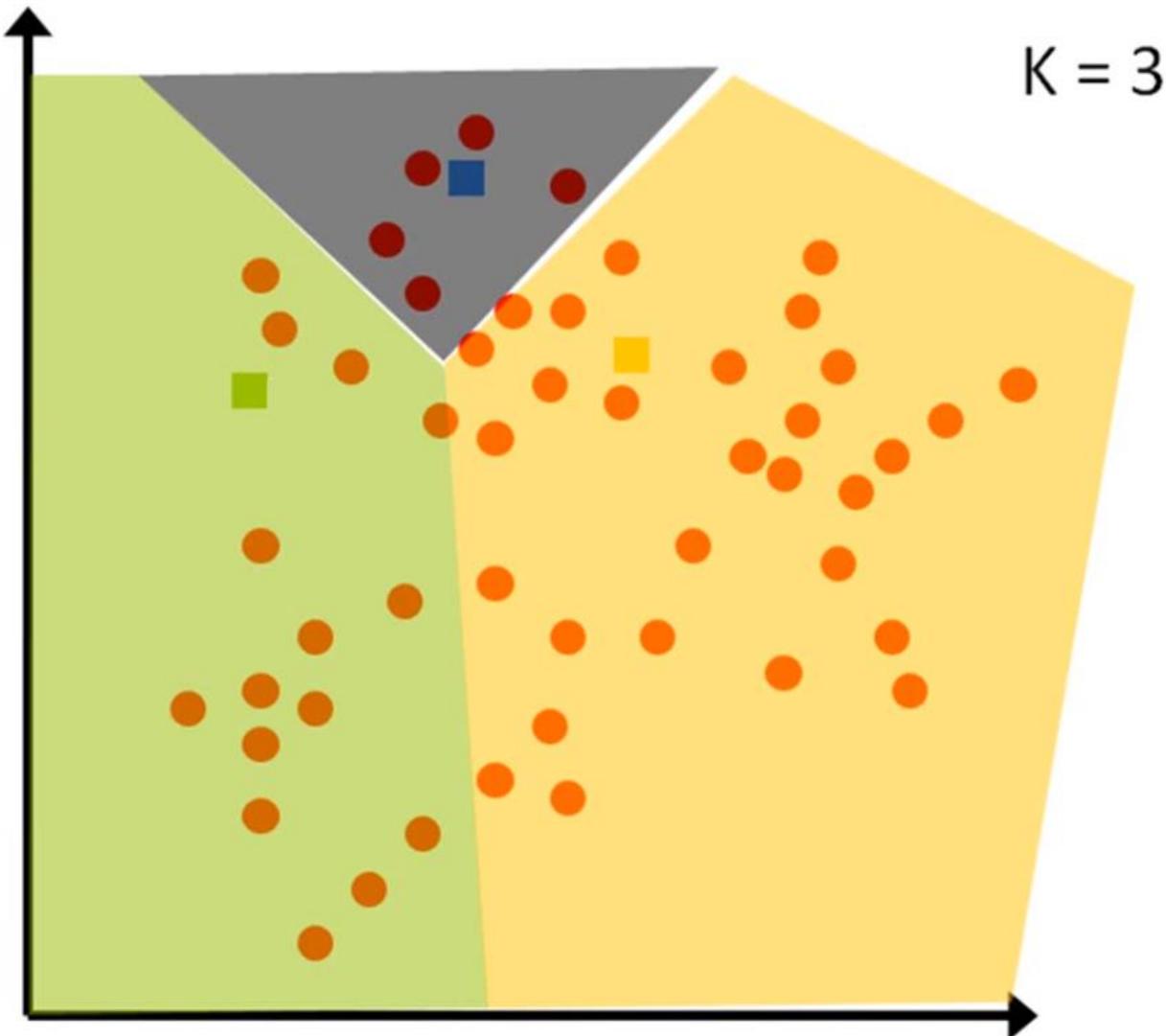
Exemple de K-means (k=3)



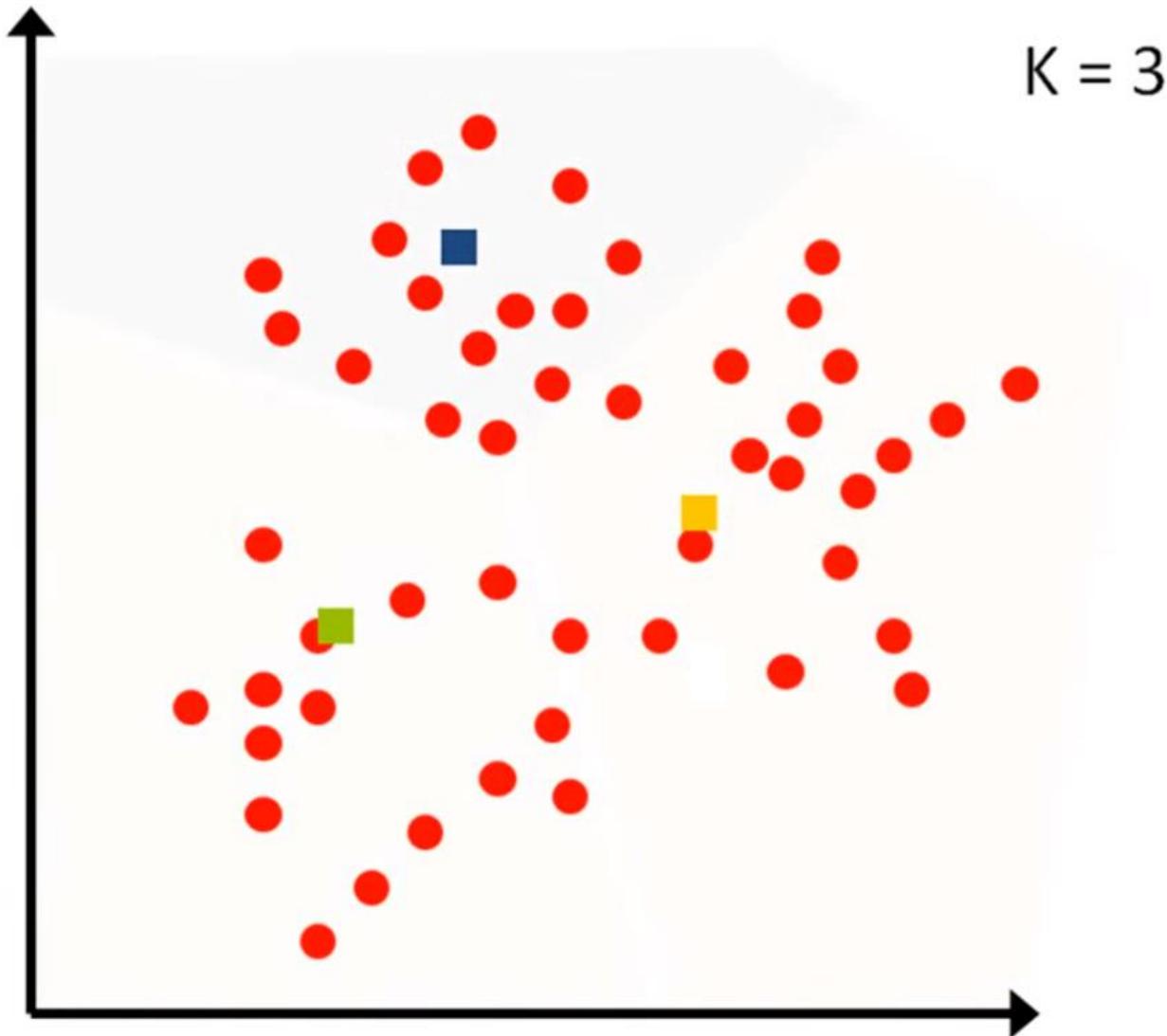
Exemple de K-means (k=3)



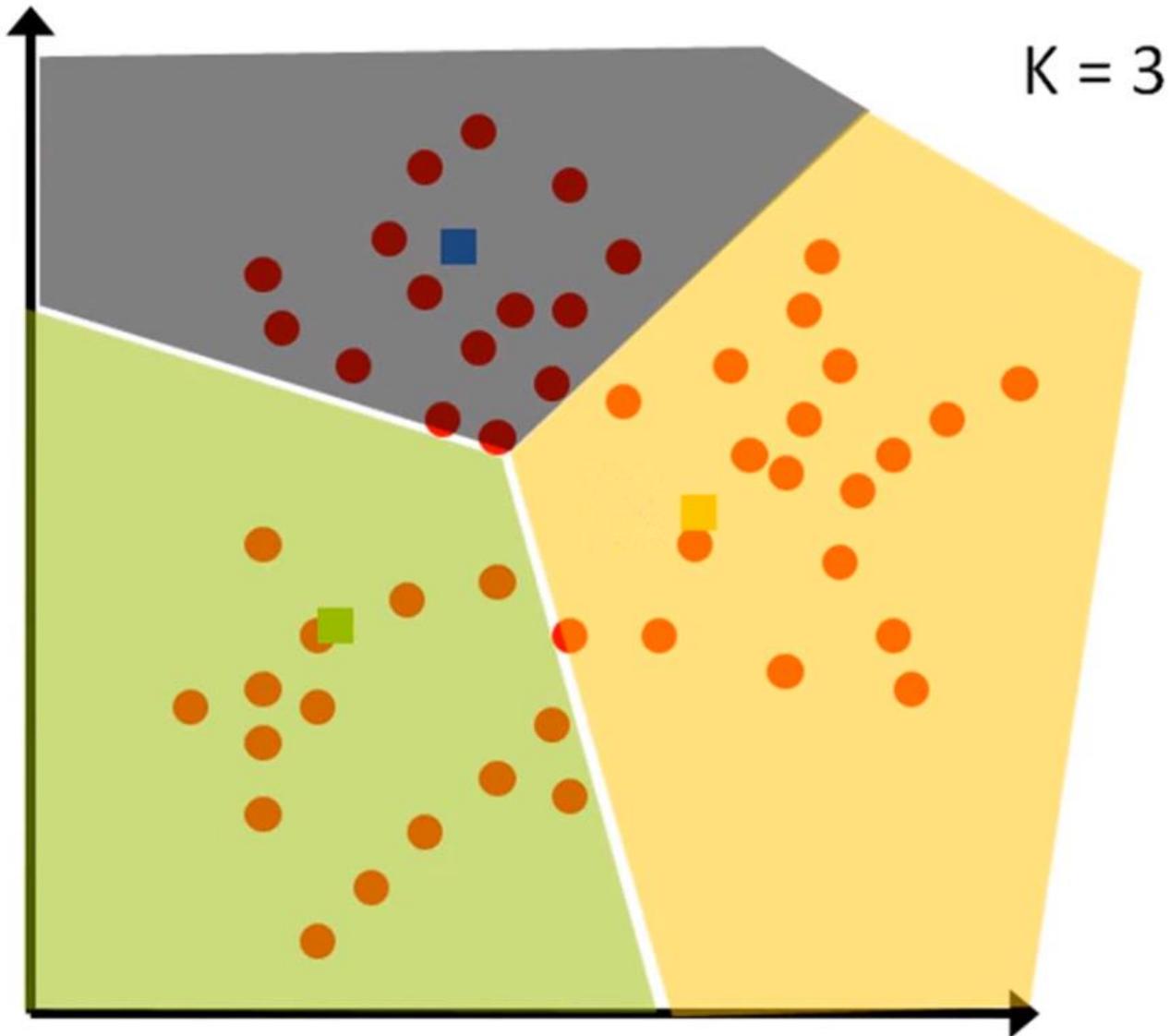
Exemple de K-means (k=3)



Exemple de K-means (k=3)



Exemple de K-means (k=3)



Faiblesse

- Mauvaise prise en compte des "outliers"
 - points extrêmes en dehors des groupes
 - faussent les moyennes et donc les centres
- Convergence plus ou moins rapide
- Amélioration:
 - utilisation de points centraux (médoïdes)

k-Médoïds ou PAM

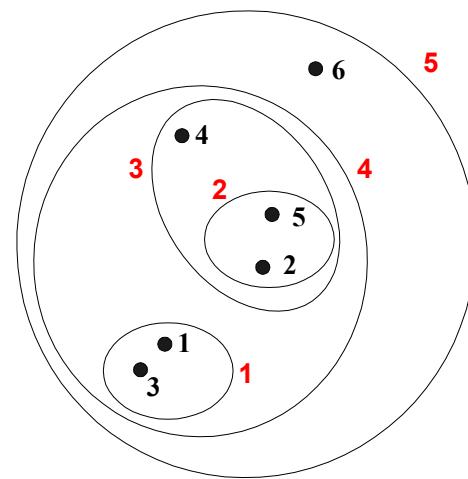
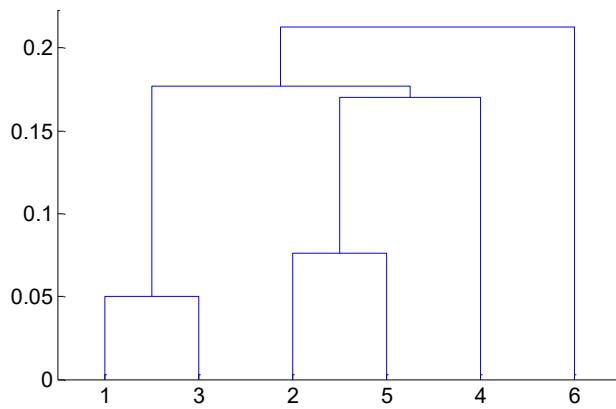
- Kaufman & Rousseeuw 1987
- Les centres sont des points effectifs
 - recherche de centres approchés des groupes
 - calculés par substitution aléatoire:
 - choix aléatoire d'un nouveau centre
 - calcul de la différence en distance des points
 - substitution si la différence est négative
 - essai de tous les couples (x,y) de chaque groupe
 - l'un est centre, l'autre non

Forces et faiblesses

- Beaucoup plus coûteux que K-Means
 - Plus de calculs
- Plus robuste que k-means
 - Moins sensible aux "outliers"

La Classification Hiérarchique

- Produit un ensemble de groupes imbriqués organisés sous forme d'arbre hiérarchique.
- Impose une structure hiérarchique (par paires) à toutes les données.
- Souvent utile pour la visualisation : dendrogramme.
 - Un diagramme arborescent qui enregistre les séquences de fusions ou de divisions.



La Classification Hiérarchique

- Deux principaux types de classification hiérarchique :
 - Agglomérative (CAH: Classification Ascendante Hiérarchique)
 - Les points sont initialement considérés comme des clusters individuels.
 - À chaque étape, les clusters les plus proches sont fusionnés jusqu'à ce qu'il ne reste qu'un seul cluster (ou k clusters).
 - Divisive (CDH: Classification Descendante Hiérarchique)
 - Un seul cluster englobe tous les points.
 - À chaque étape, un cluster est divisé jusqu'à ce que chaque cluster contienne un point (ou qu'il y ait k clusters).

La Classification Hiérarchique

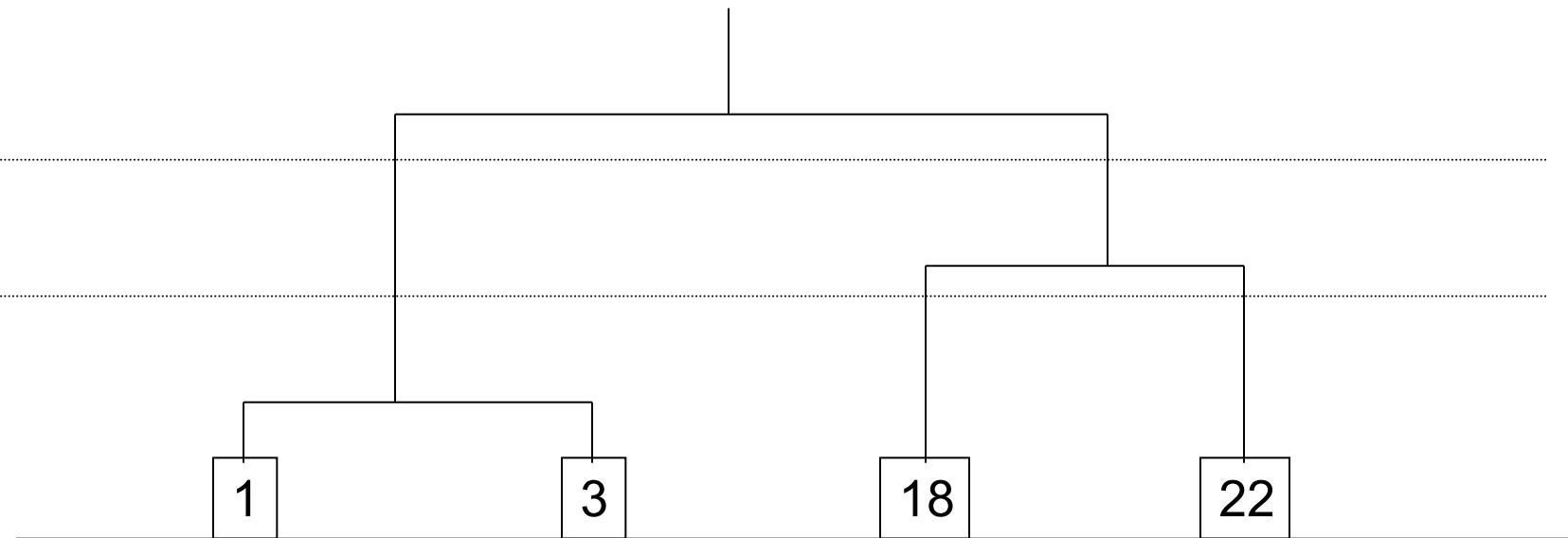
- Méthode de base (agglomérative) :
 1. Calculer toutes les distances entre toutes les paires.
 2. Combiner la paire d'individus les plus proches.
 3. Calculer la distance de cette paire à toutes les autres.
 4. Répéter à partir de l'étape 2 jusqu'à ce que toutes les paires soient combinées.

Agglomération hiérarchique - Principe

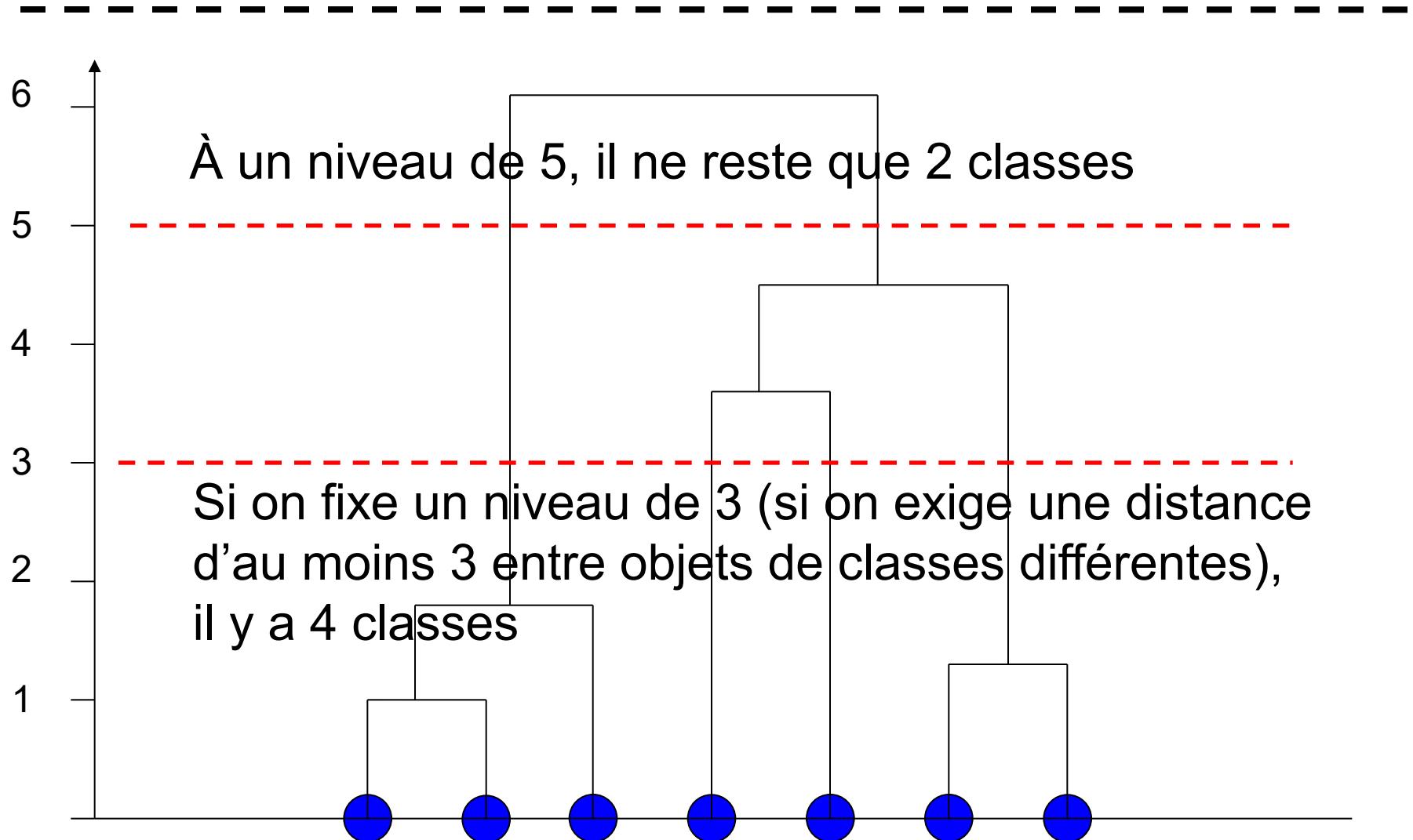
- Etapes :
 - Chaque individu représente un groupe
 - Trouver les deux groupes les plus proches
 - Grouper ces deux groupes en un nouveau groupe
 - Itérer jusqu'à obtenir tous les individus dans un seul groupe.

Agglomération - CAH

- Exemple de CAH (Classification Ascendante Hiérarchique)
- Dendrogramme

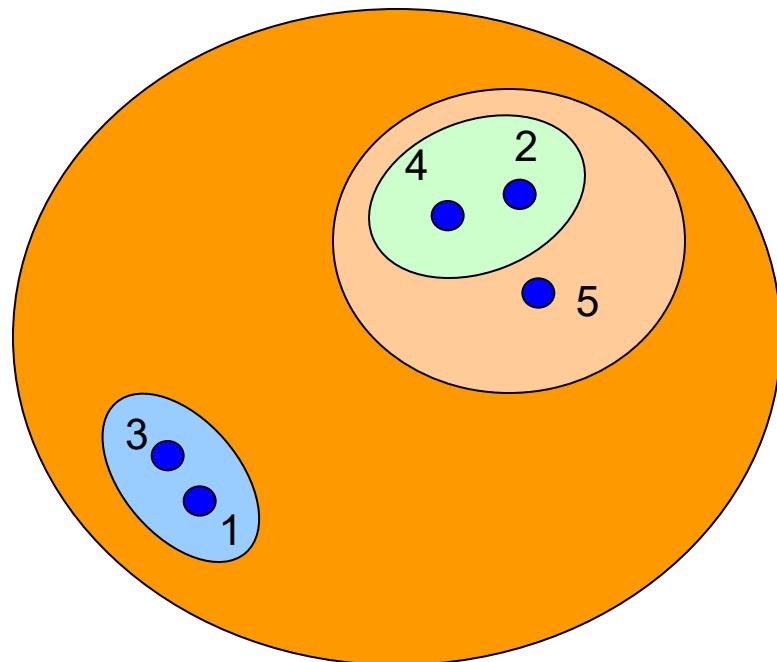
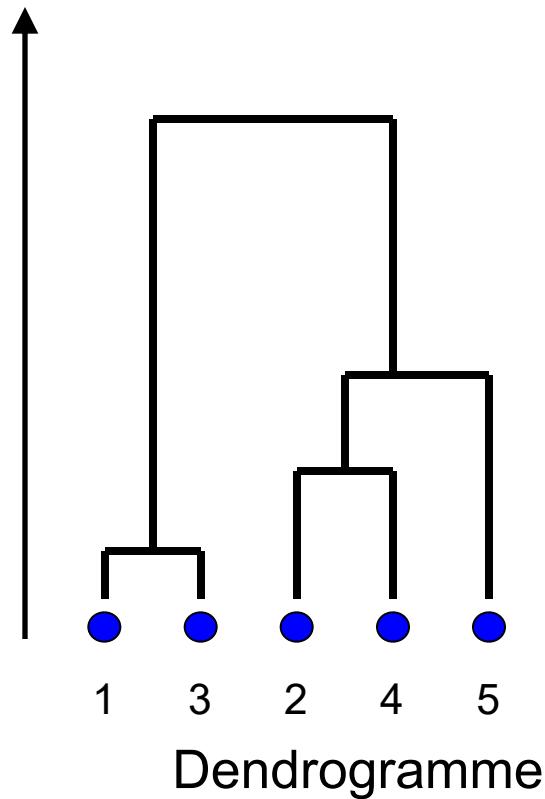


Exemple de dendrogramme



Exemple de dendrogramme

Distance entre les clusters joints

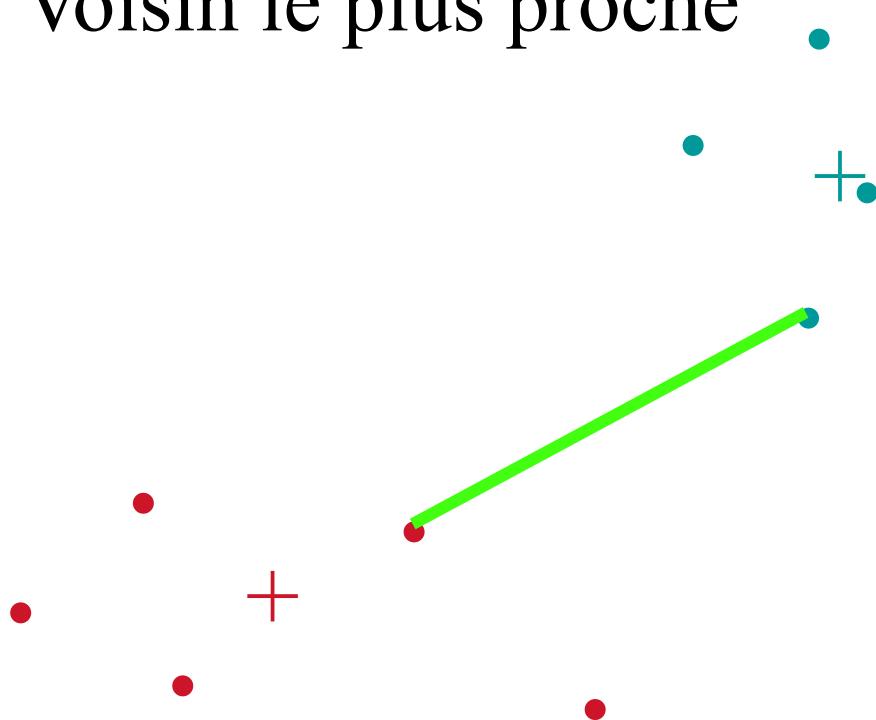


CAH: différentes méthodes d'agrégation

- Lien simple (single link)
- Lien complet (complete link)
- Lien moyen (average link)
- Lien centroïde (centroid link)

Lien simple (single link)

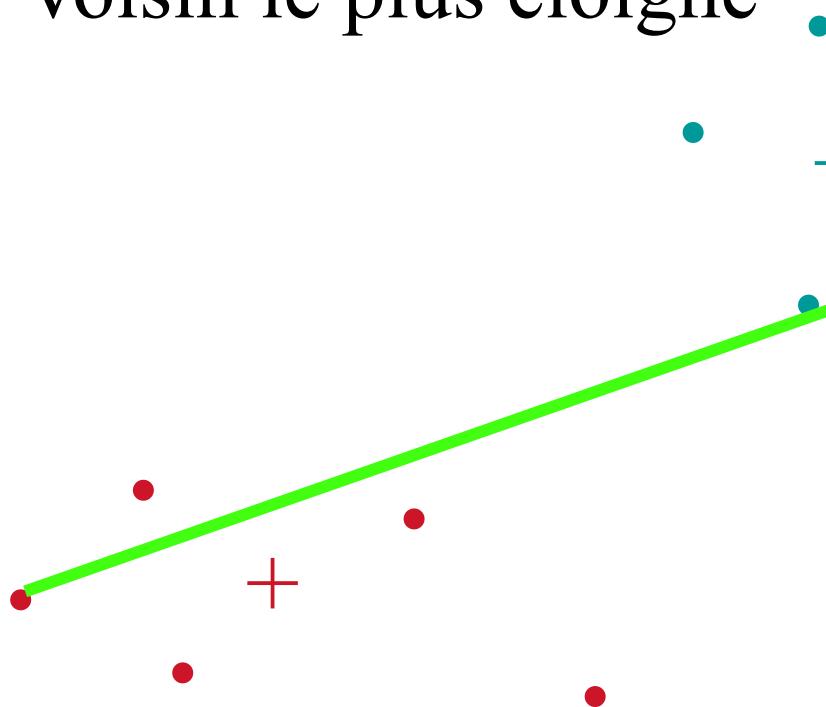
Voisin le plus proche



Cette méthode produit de longues chaînes qui forment des clusters épars.

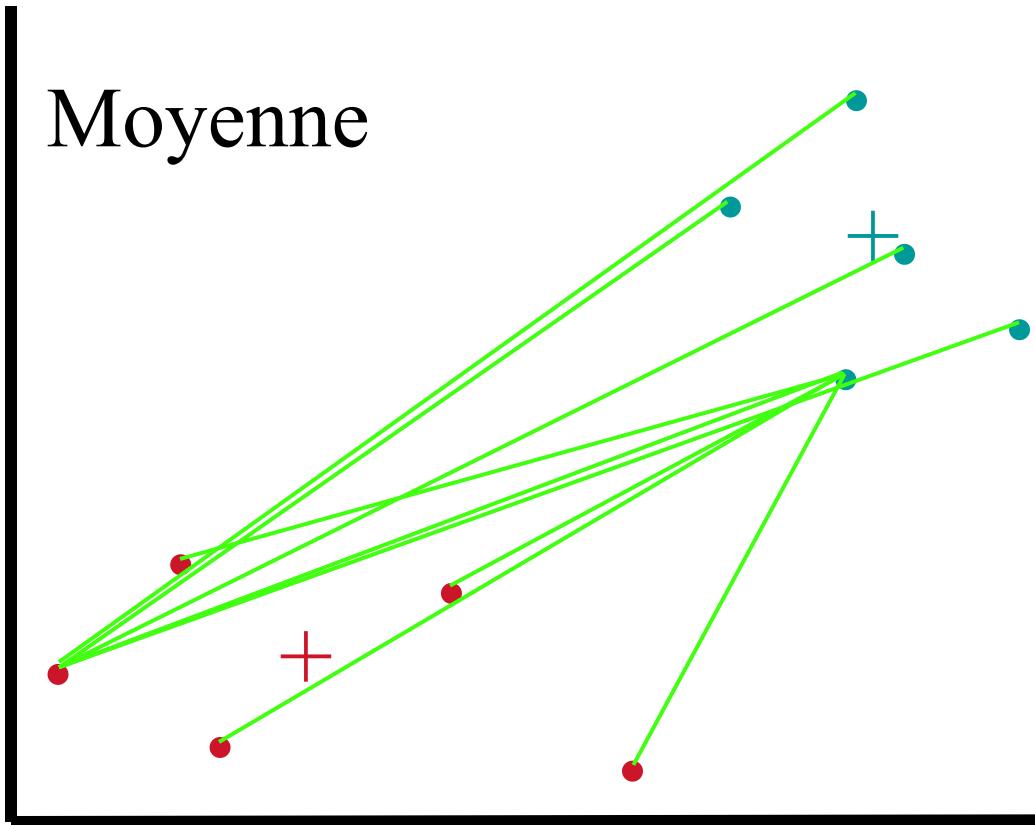
Lien complet (complete link)

Voisin le plus éloigné

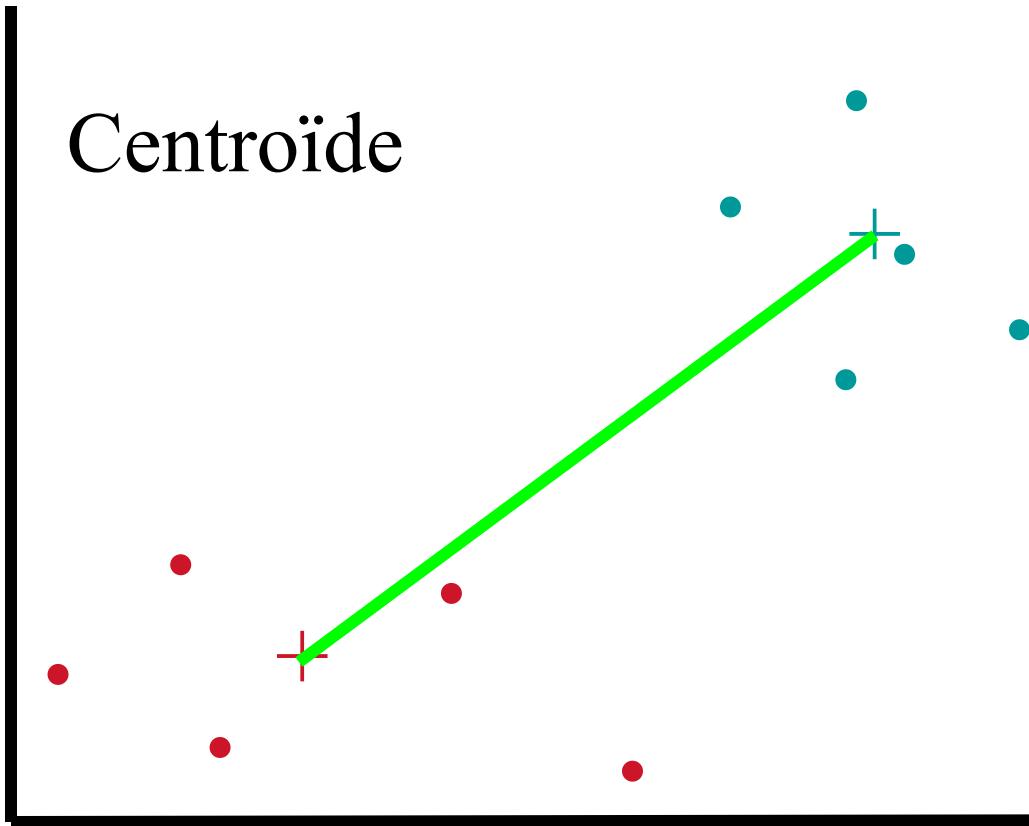


Cette méthode tend à produire des groupes très compacts de motifs similaires.

Lien moyen (average link)

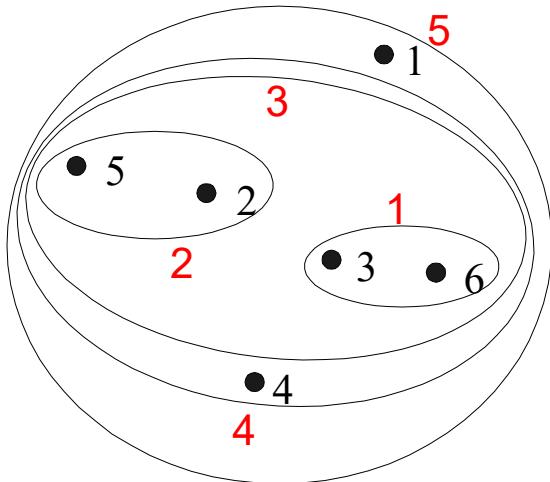


Lien centroïde (centroid link)

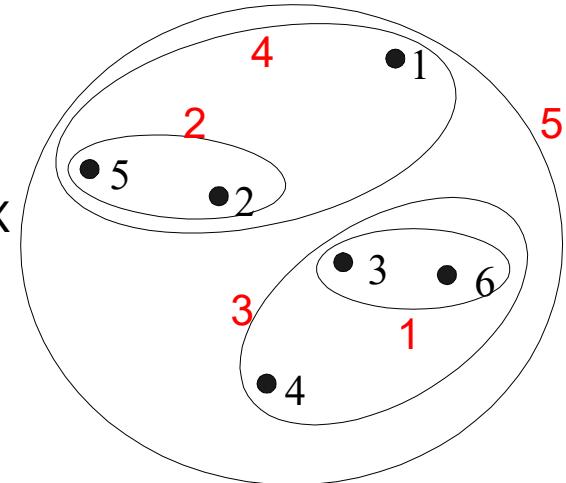


Les symboles « + »
rouges et bleus
indiquent les
centroïdes des deux
groupes.

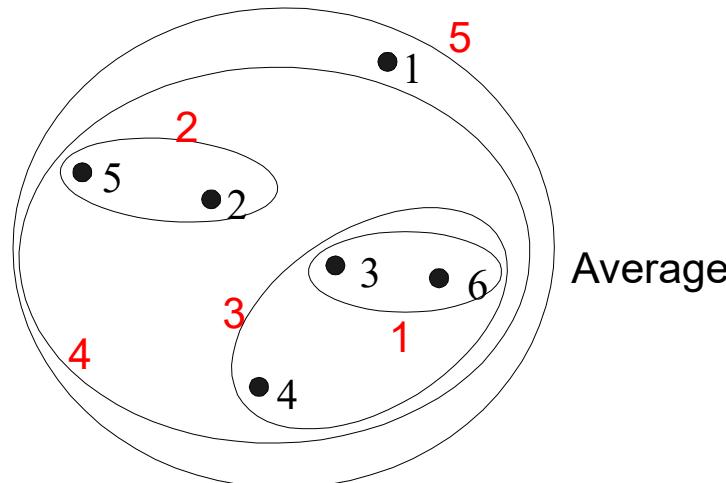
Classification hiérarchique : comparaison



MIN

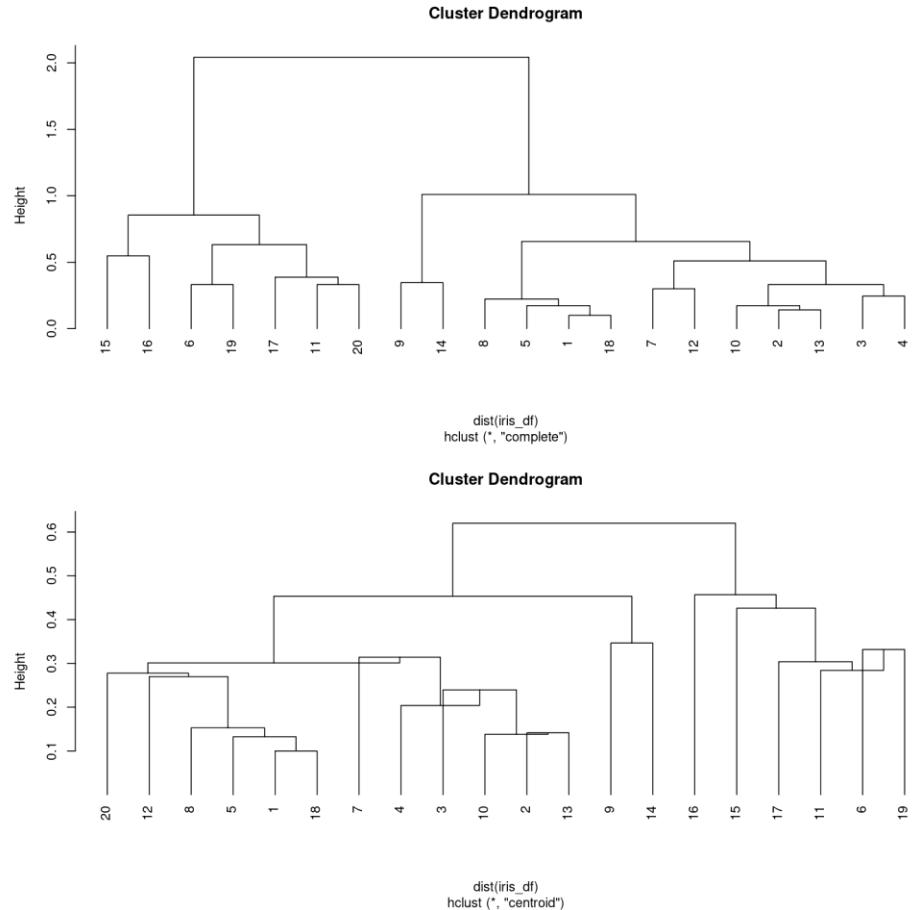
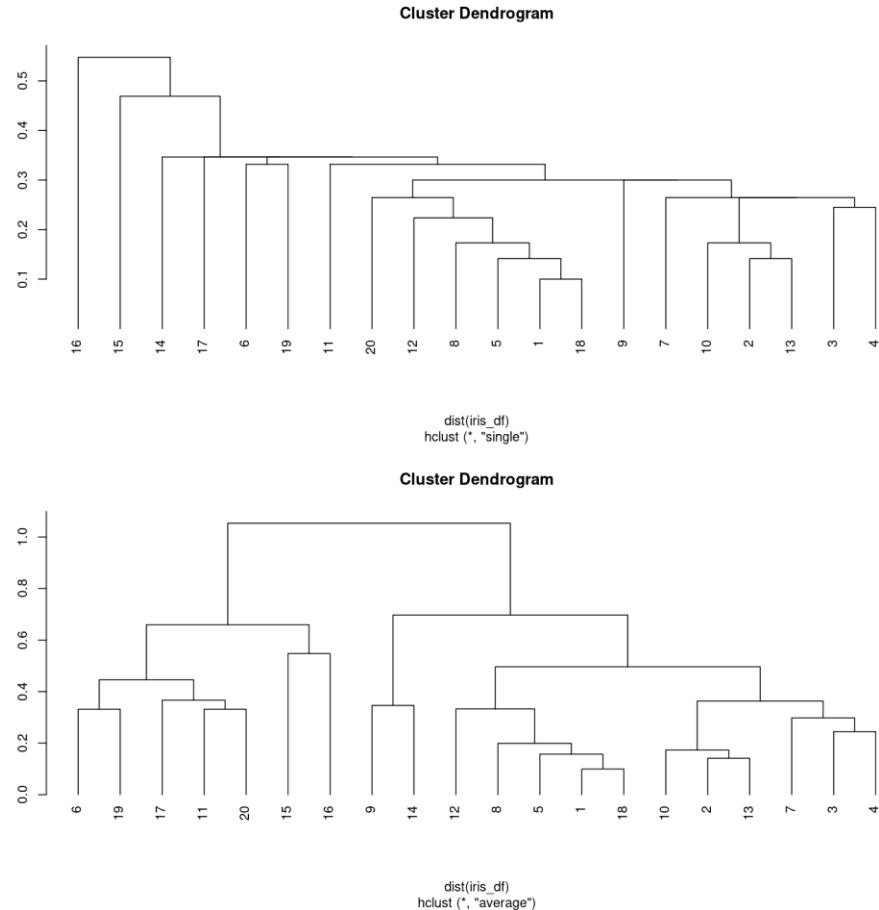


MAX

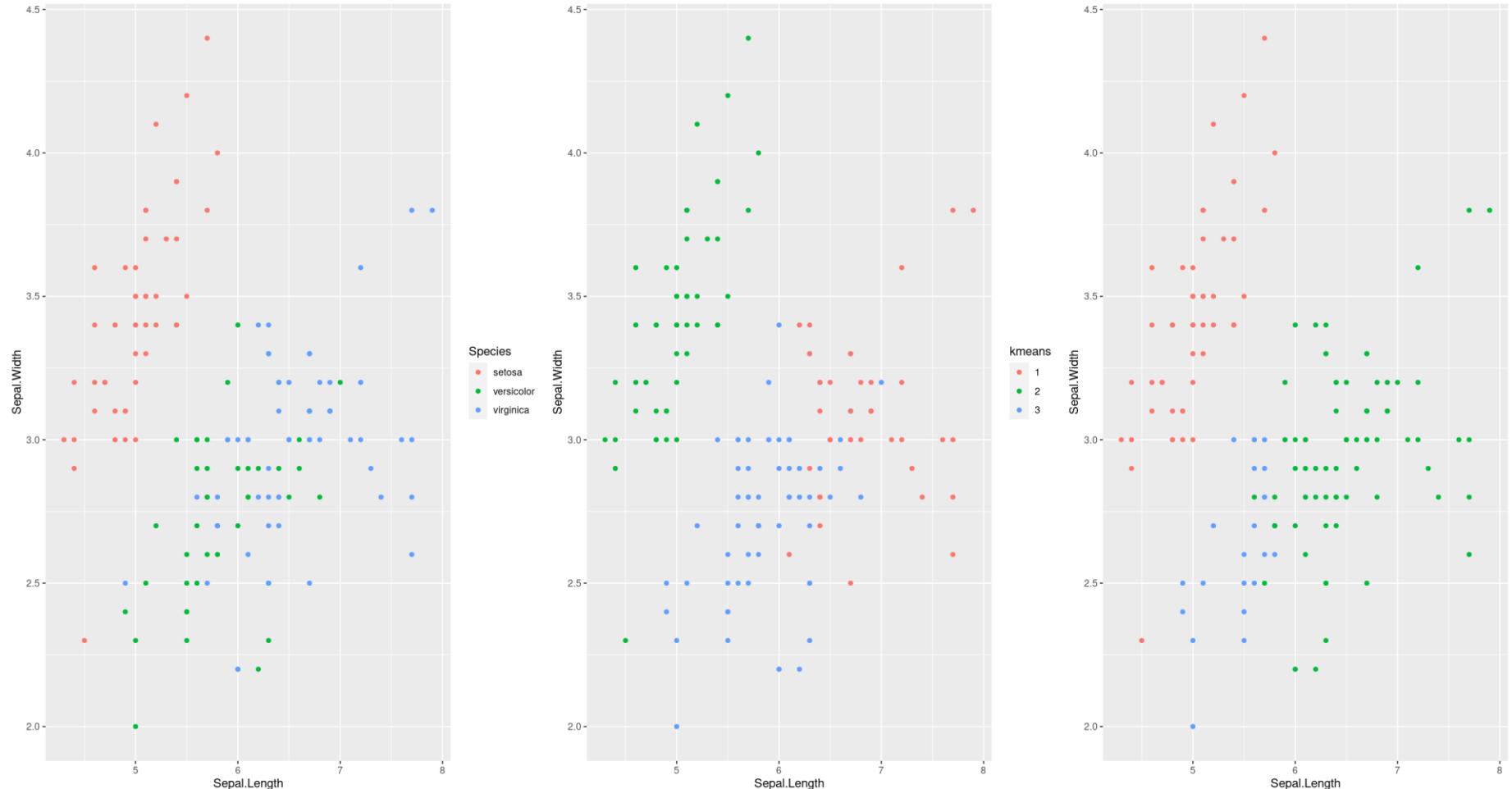


Average

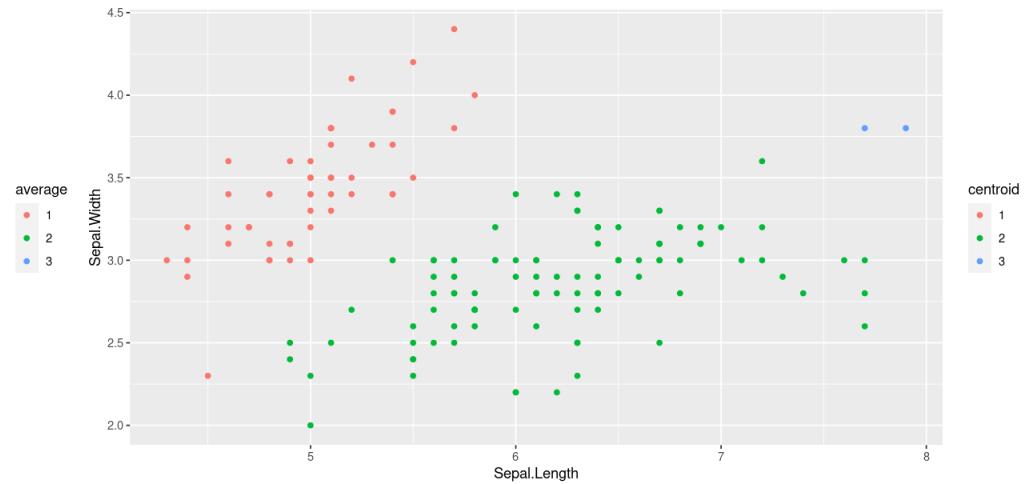
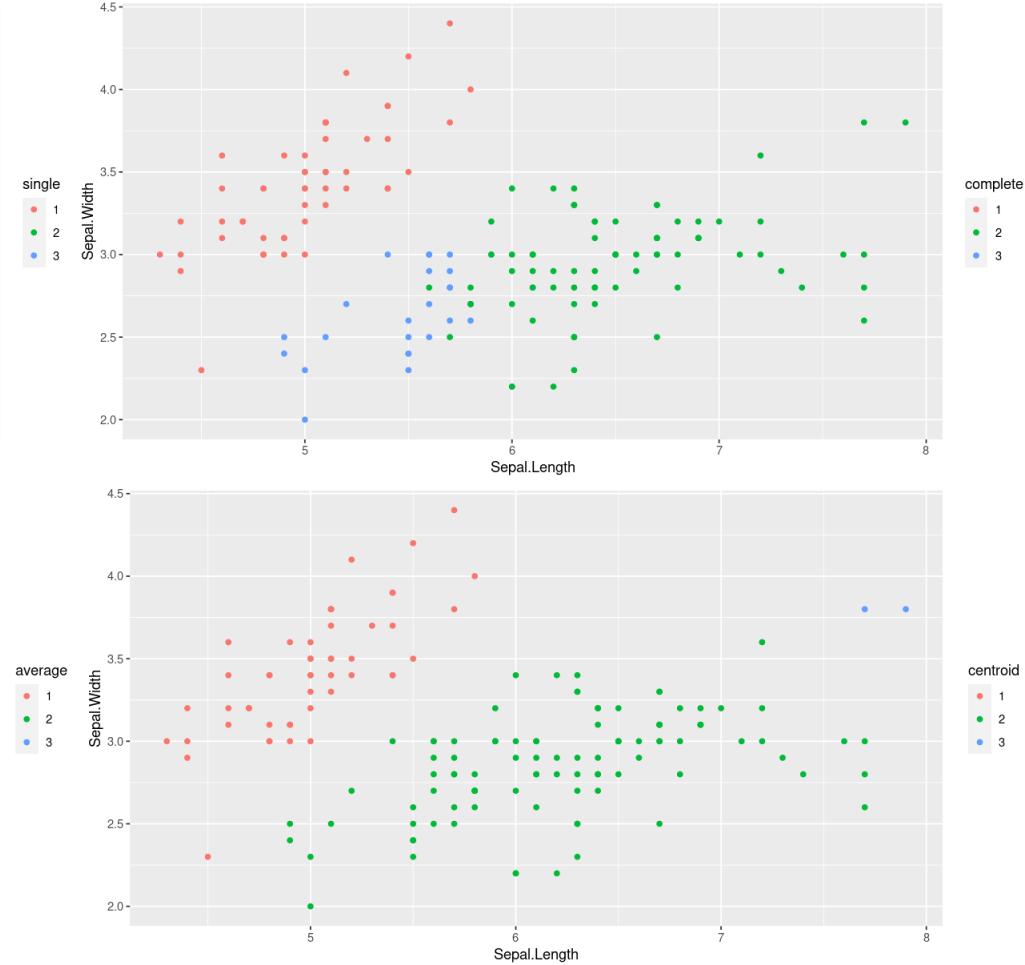
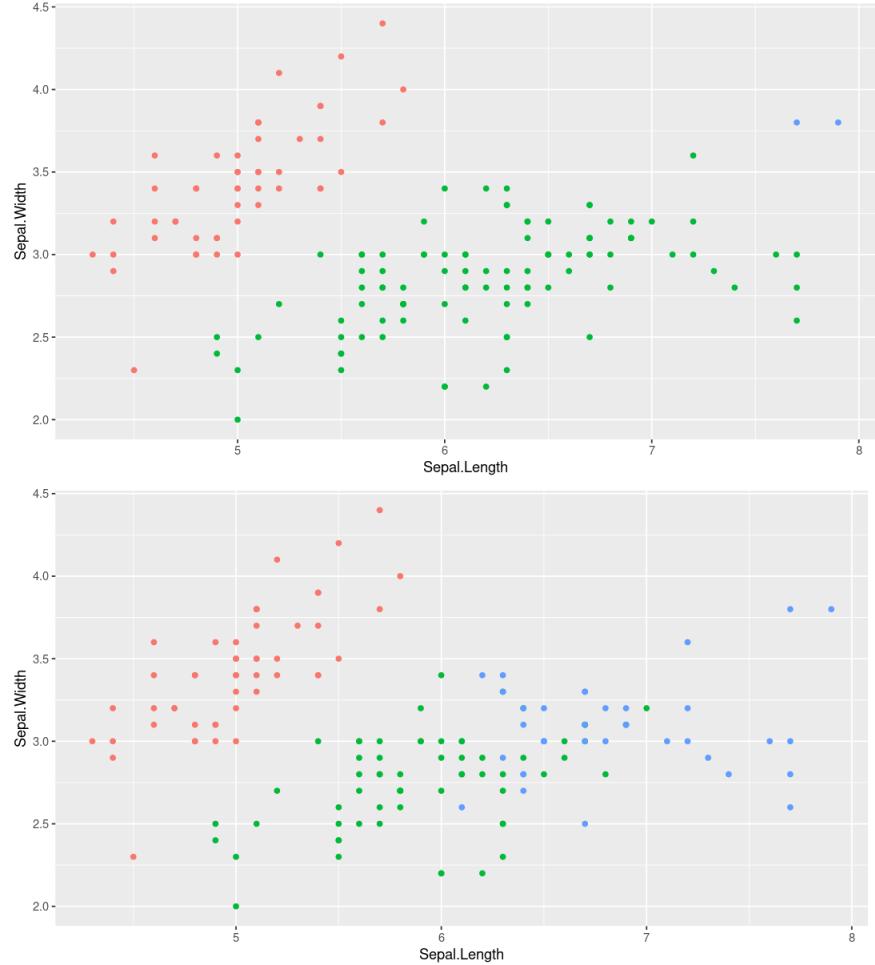
Dendrogrammes avec différentes méthodes



Reference vs KMeans vs Hclust (complete)



Single / Complete / Average / Centroid



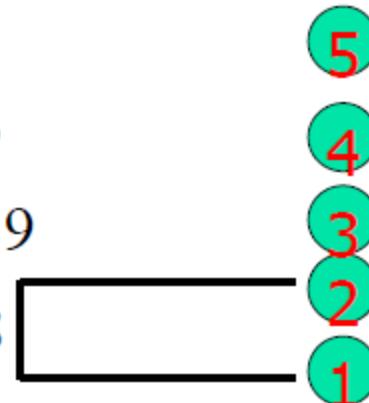
Exemple: single link

$$\begin{array}{cc} & \begin{matrix} 1 & 2 & 3 & 4 & 5 \end{matrix} \\ \begin{matrix} 1 \\ 2 \\ 3 \\ 4 \\ 5 \end{matrix} & \left[\begin{matrix} 0 & & & & \\ 2 & 0 & & & \\ 6 & 3 & 0 & & \\ 10 & 9 & 7 & 0 & \\ 9 & 8 & 5 & 4 & 0 \end{matrix} \right] \end{array} \rightarrow \begin{array}{cc} & \begin{matrix} (1,2) & 3 & 4 & 5 \end{matrix} \\ (1,2) & \left[\begin{matrix} 0 & & & \\ 3 & 3 & 0 & \\ 4 & 9 & 7 & 0 \\ 5 & 8 & 5 & 4 & 0 \end{matrix} \right] \end{array}$$

$$d_{(1,2),3} = \min\{d_{1,3}, d_{2,3}\} = \min\{6,3\} = 3$$

$$d_{(1,2),4} = \min\{d_{1,4}, d_{2,4}\} = \min\{10,9\} = 9$$

$$d_{(1,2),5} = \min\{d_{1,5}, d_{2,5}\} = \min\{9,8\} = 8$$

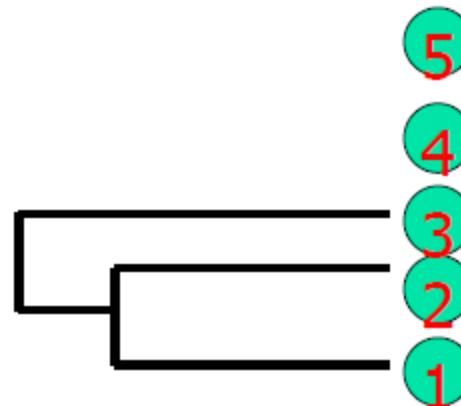


Exemple: single link

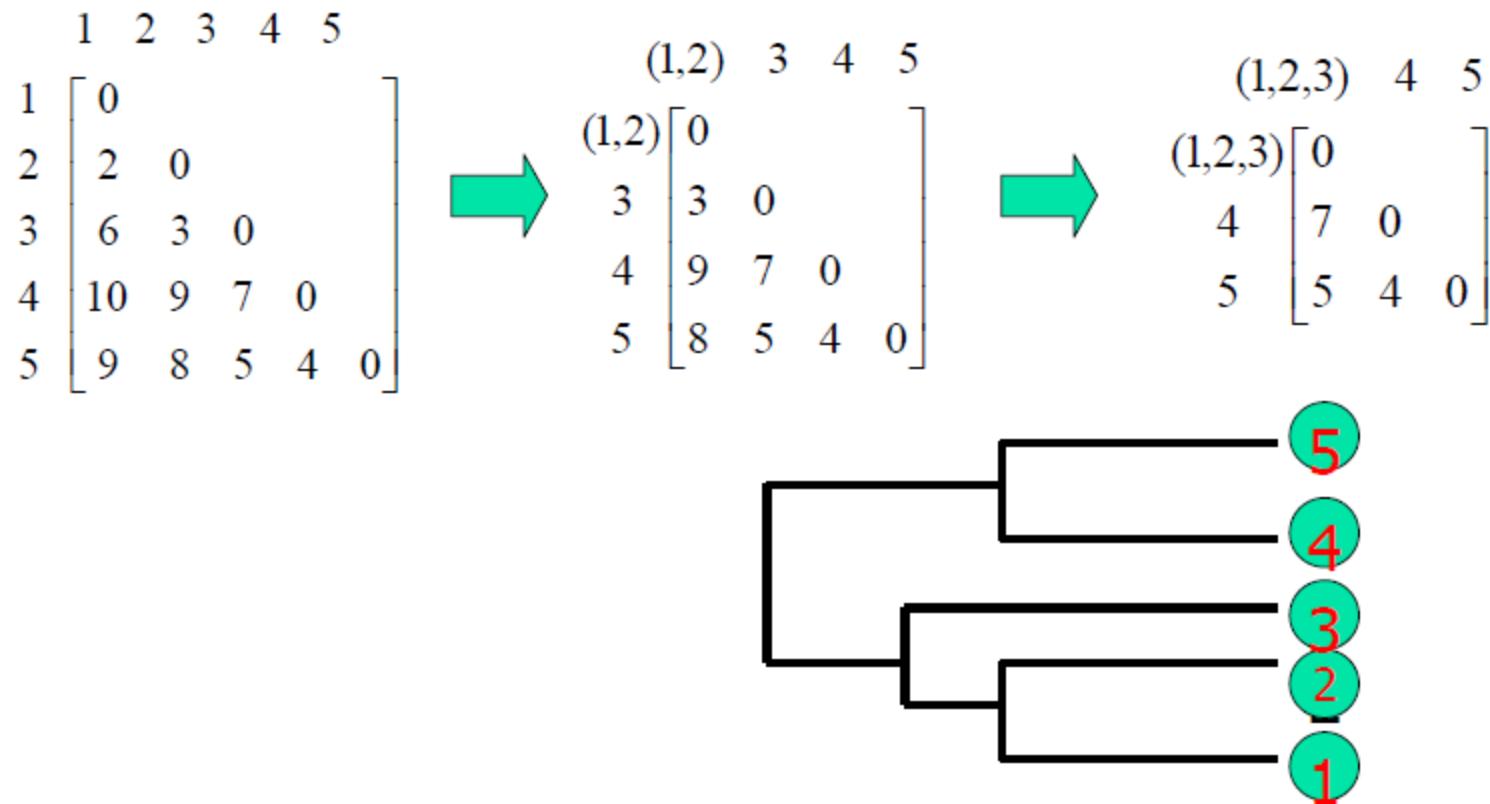
$$\begin{array}{ccccc} & 1 & 2 & 3 & 4 & 5 \\ \begin{matrix} 1 \\ 2 \\ 3 \\ 4 \\ 5 \end{matrix} & \xrightarrow{\hspace{1cm}} & \begin{matrix} (1,2) & 3 & 4 & 5 \\ (1,2) \begin{bmatrix} 0 & & & \\ 3 & 0 & & \\ 4 & 9 & 7 & 0 \\ 5 & 8 & 5 & 4 & 0 \end{bmatrix} \end{matrix} & \xrightarrow{\hspace{1cm}} & \begin{matrix} (1,2,3) & 4 & 5 \\ (1,2,3) \begin{bmatrix} 0 & & \\ 4 & 7 & 0 \\ 5 & 5 & 4 & 0 \end{bmatrix} \end{matrix} \end{array}$$

$$d_{(1,2,3),4} = \min\{d_{(1,2),4}, d_{3,4}\} = \min\{9, 7\} = 7$$

$$d_{(1,2,3),5} = \min\{d_{(1,2),5}, d_{3,5}\} = \min\{8, 5\} = 5$$



Exemple: single link



$$d_{(1,2,3),(4,5)} = \min\{d_{(1,2,3),4}, d_{(1,2,3),5}\} = 5$$

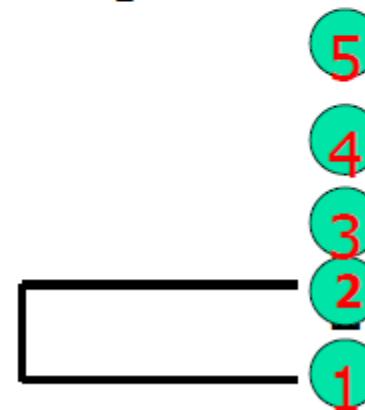
Exemple: complete link

$$\begin{array}{cc} & \begin{matrix} 1 & 2 & 3 & 4 & 5 \end{matrix} \\ \begin{matrix} 1 \\ 2 \\ 3 \\ 4 \\ 5 \end{matrix} & \xrightarrow{\hspace{1cm}} \begin{matrix} (1,2) & 3 & 4 & 5 \\ (1,2) & \left[\begin{matrix} 0 & & & \\ 3 & 6 & 0 & \\ 4 & 10 & 7 & 0 \\ 5 & 9 & 5 & 4 & 0 \end{matrix} \right] \end{matrix} \end{array}$$

$$d_{(1,2),3} = \max \{d_{1,3}, d_{2,3}\} = \max \{6,3\} = 6$$

$$d_{(1,2),4} = \max \{d_{1,4}, d_{2,4}\} = \max \{10,9\} = 10$$

$$d_{(1,2),5} = \max \{d_{1,5}, d_{2,5}\} = \max \{9,8\} = 9$$



Exemple: complete link

1	2	3	4	5
1	0			
2	2	0		
3	6	3	0	
4	10	9	7	0
5	9	8	5	4
				0



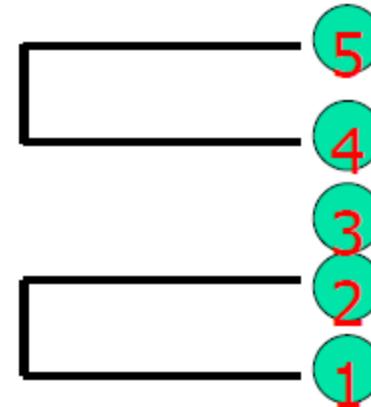
(1,2)	3	4	5
1	0		
2	6	0	
3	10	7	0
4	9	5	4
5			0



(1,2)	3	(4,5)
1	0	
2	6	0
3	10	7
4	9	0
5		

$$d_{(1,2),(4,5)} = \max \{d_{(1,2),4}, d_{(1,2),5}\} = \max \{10, 9\} = 10$$

$$d_{3,(4,5)} = \max \{d_{3,4}, d_{3,5}\} = \max \{7, 5\} = 7$$



Exemple: complete link

1	2	3	4	5
1	0			
2	2	0		
3	6	3	0	
4	10	9	7	0
5	9	8	5	4

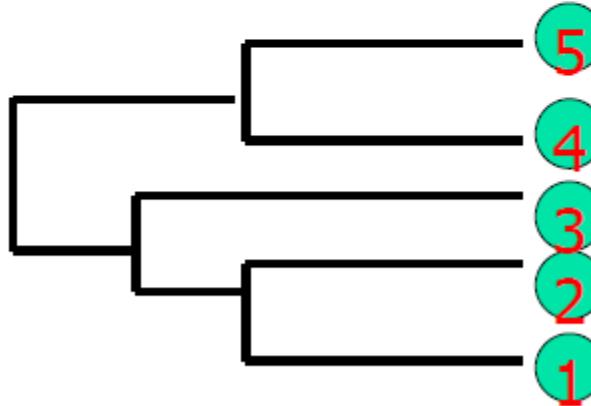


(1,2)	3	4	5
3	0		
4	6	0	
5	10	7	0
9	5	4	0



(1,2)	3	(4,5)
3	0	
4	6	0
5	10	7
9	5	0

$$d_{(1,2,3),(4,5)} = \max\{d_{(1,2),(4,5)}, d_{3,(4,5)}\} = 10$$



Exemple: average link

$$\begin{matrix} & 1 & 2 & 3 & 4 & 5 \\ \begin{matrix} 1 \\ 2 \\ 3 \\ 4 \\ 5 \end{matrix} & \left[\begin{matrix} 0 & & & & \\ 2 & 0 & & & \\ 6 & 3 & 0 & & \\ 10 & 9 & 7 & 0 & \\ 9 & 8 & 5 & 4 & 0 \end{matrix} \right] \end{matrix}$$

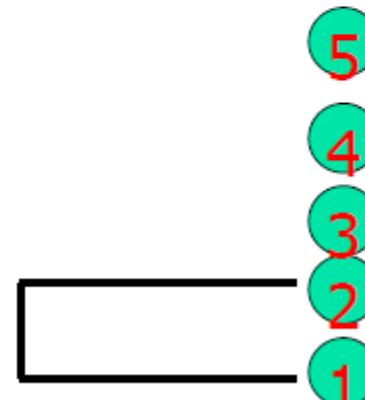


$$\begin{matrix} & (1,2) & 3 & 4 & 5 \\ (1,2) & \left[\begin{matrix} 0 & & & \\ 4.5 & 0 & & \\ 9.5 & 7 & 0 & \\ 8.5 & 5 & 4 & 0 \end{matrix} \right] \\ 3 & & & & \\ 4 & & & & \\ 5 & & & & \end{matrix}$$

$$d_{(1,2),3} = \frac{1}{2}(d_{1,3} + d_{2,3}) = \frac{6+3}{2} = 4.5$$

$$d_{(1,2),4} = \frac{1}{2}(d_{1,4} + d_{2,4}) = \frac{10+9}{2} = 9.5$$

$$d_{(1,2),5} = \frac{1}{2}(d_{1,5} + d_{2,5}) = \frac{9+8}{2} = 8.5$$



Exemple: average link

	1	2	3	4	5
1	0				
2	2	0			
3	6	3	0		
4	10	9	7	0	
5	9	8	5	4	0



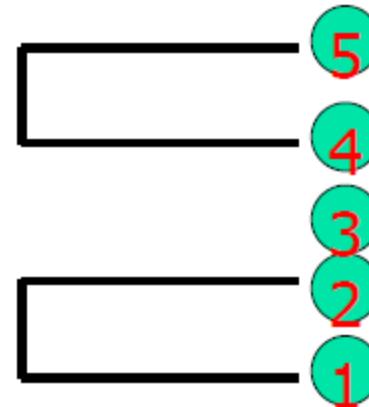
	(1,2)	3	4	5
(1,2)	0			
3	4.5	0		
4	9.5	7	0	
5	8.5	5	4	0



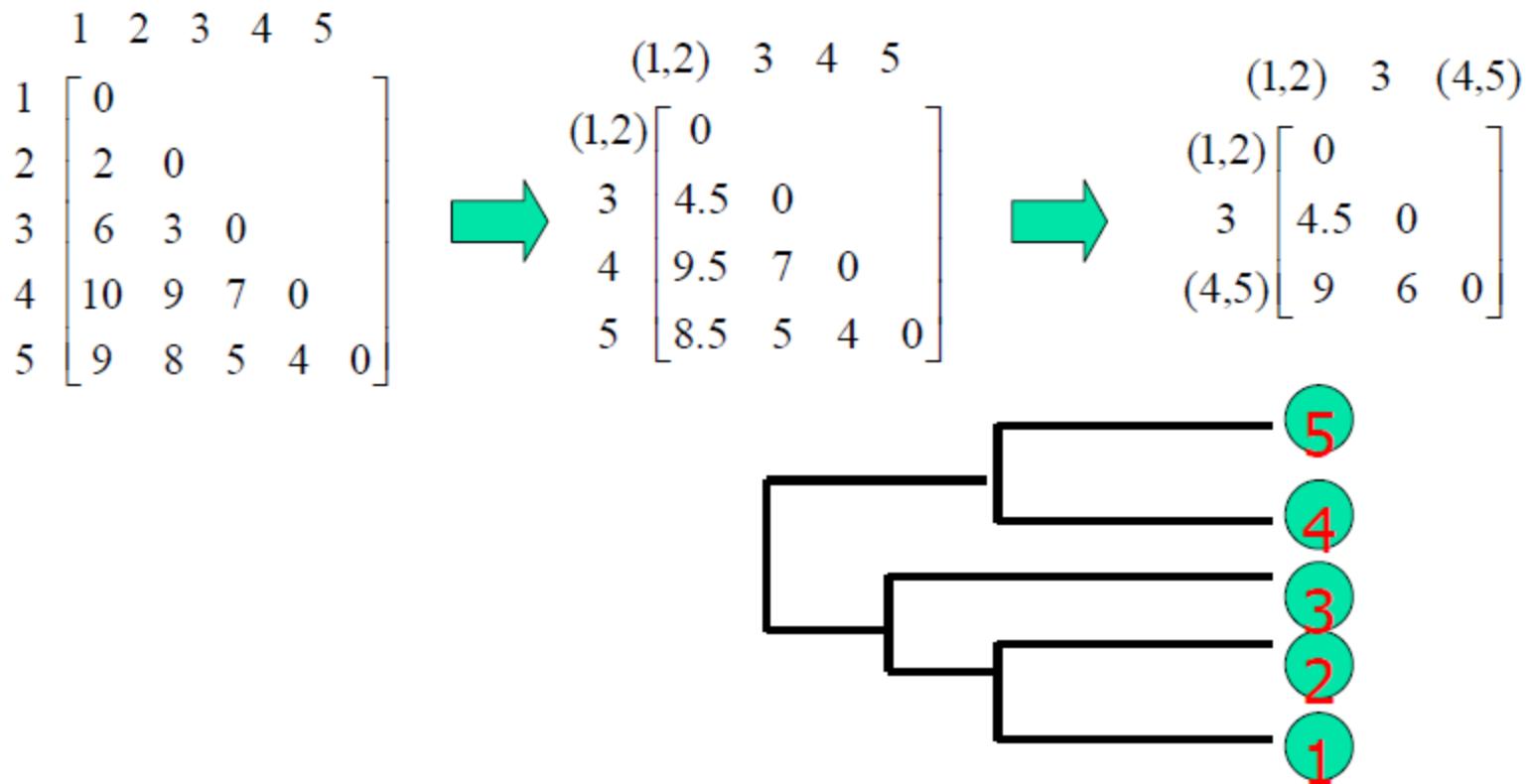
	(1,2)	3	(4,5)
(1,2)	0		
3	4.5	0	
(4,5)	9	6	0

$$d_{(1,2),(4,5)} = \frac{1}{4}(d_{1,4} + d_{1,5} + d_{2,4} + d_{2,5}) = 9$$

$$d_{3,(4,5)} = \frac{1}{2}(d_{3,4} + d_{3,5}) = 6$$



Exemple: average link



$$d_{(1,2,3),(4,5)} = \frac{1}{6}(d_{1,4} + d_{1,5} + d_{2,4} + d_{2,5} + d_{3,4} + d_{3,5}) = 8$$

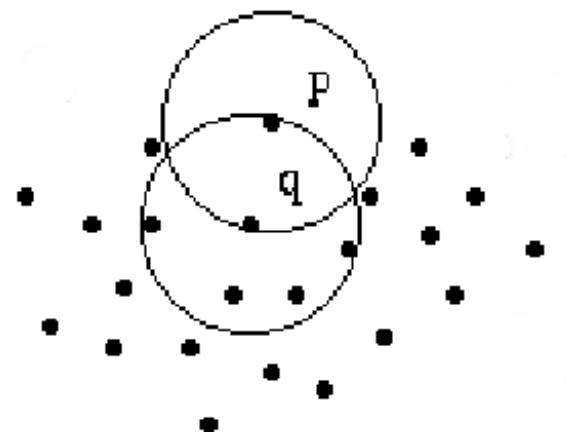
Exercice

- Classer les données selon les différents types d'agrégation

	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
1	0.00	0.65	0.68	0.16	0.49	0.14	0.04	0.46	0.35	0.30	0.19	0.81
2	0.65	0.00	0.03	0.49	0.16	0.78	0.62	0.19	0.30	0.35	0.84	0.16
3	0.68	0.03	0.00	0.51	0.19	0.81	0.65	0.22	0.32	0.38	0.86	0.14
4	0.16	0.49	0.51	0.00	0.32	0.30	0.14	0.30	0.19	0.14	0.35	0.65
5	0.49	0.16	0.19	0.32	0.00	0.62	0.46	0.02	0.14	0.19	0.68	0.32
6	0.14	0.78	0.81	0.30	0.62	0.00	0.16	0.59	0.49	0.43	0.05	0.95
7	0.04	0.62	0.65	0.14	0.46	0.16	0.00	0.43	0.32	0.27	0.22	0.78
8	0.46	0.19	0.22	0.30	0.02	0.59	0.43	0.00	0.11	0.16	0.65	0.35
9	0.35	0.30	0.32	0.19	0.14	0.49	0.32	0.11	0.00	0.05	0.54	0.46
10	0.30	0.35	0.38	0.14	0.19	0.43	0.27	0.16	0.05	0.00	0.49	0.51
11	0.19	0.84	0.86	0.35	0.68	0.05	0.22	0.65	0.54	0.49	0.00	1.00
12	0.81	0.16	0.14	0.65	0.32	0.95	0.78	0.35	0.46	0.51	1.00	0.00

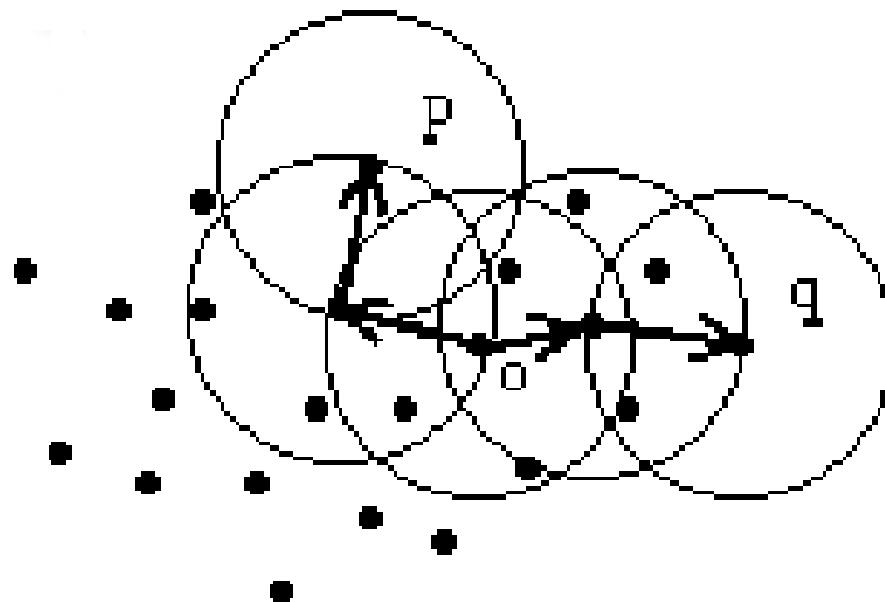
Méthodes basées sur la densité

- DBSCAN
 - (Ester et al., 1995)
- Principe
 - Utilisation de la densité à la place de la distance
 - Un point est voisin d'un autre point s'il est à une distance inférieure à une valeur fixée (**eps**)
 - Un point est dense si le nombre de ses voisins dépasse un certain seuil (**minPts**)
- Exemple:
 - q est dense, mais pas p



DBSCAN

- La découverte d'un groupe se déroule en deux étapes
 - choisir aléatoirement un point dense
 - tous les points qui sont atteignables à partir de ce point, selon le critère de densité, forment un groupe
- Exemple
 - on commence par *o*, ce cluster contient *o*, *p*, *q*, etc.



Algorithme DBSCAN

Input:

$D = \{t_1, t_2, \dots, t_n\}$ //Set of elements.
 $MinPts$ // Number of points in cluster.
 Eps // Maximum distance for density measure.

Output:

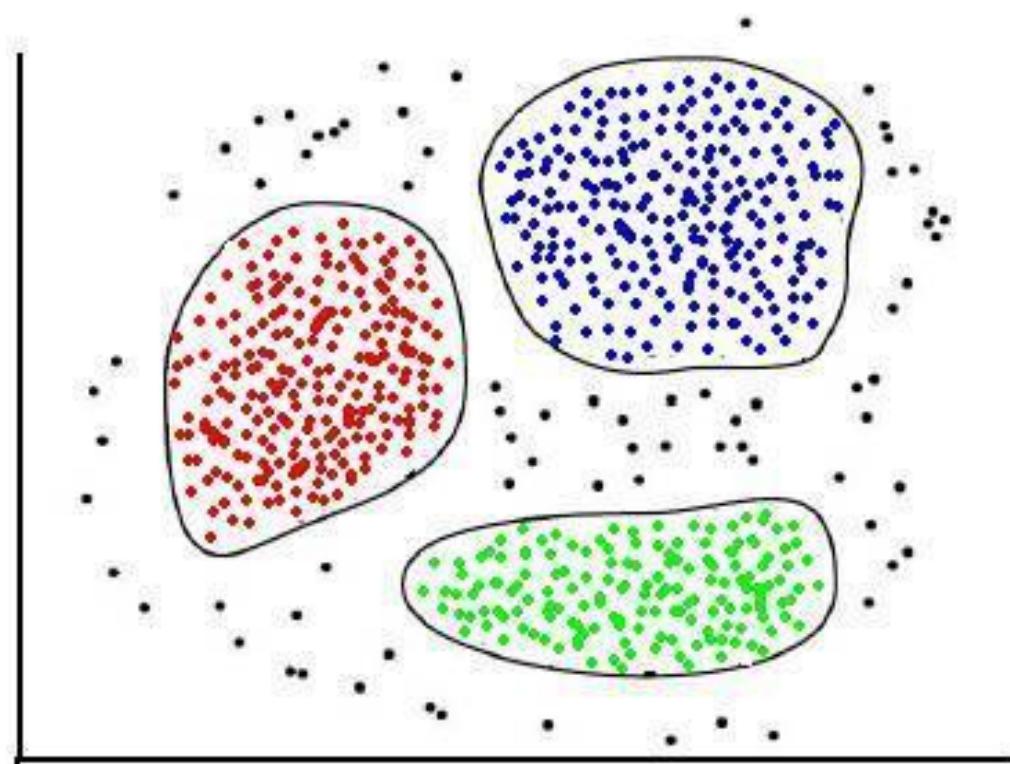
$K = \{K_1, K_2, \dots, K_k\}$ //Set of clusters.

DBSCAN Algorithm:

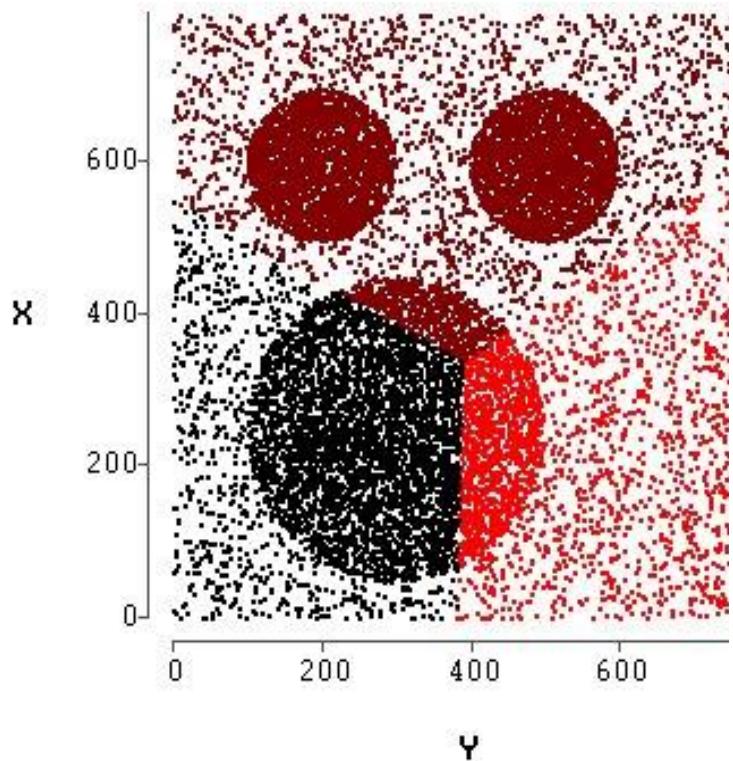
```
 $k = 0;$  // Initially there are no clusters.  
for  $i = 1$  to  $n$  do  
    if  $t_i$  is not in a cluster then  
         $X = \{t_j \mid t_j$  is density-reachable from  $t_i\}$ ;  
        if  $X$  is a valid cluster then  
             $k = k + 1$ ;  
             $K_k = X$ ;
```

DBSCAN

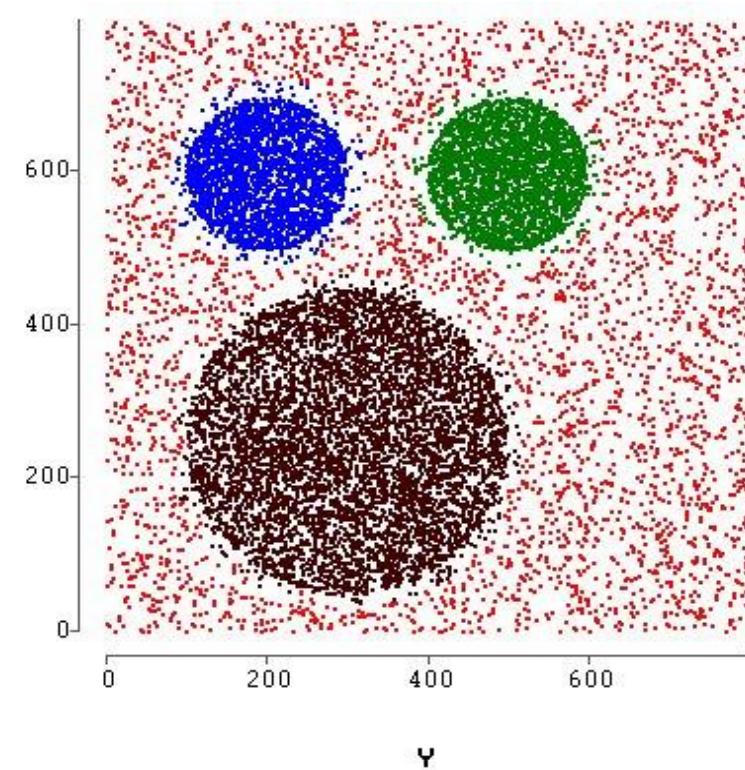
- Performances :
 - fait un seul parcours des objets du jeu de données.
 - découvre des clusters non convexes



K-means vs DBSCAN



Résultat de K-means



Résultat de DBSCAN