Министерство образования Республики Беларусь

Учреждение образования

«Брестский Государственный технический университет»

Кафедра ИИТ

Лабораторная работа №4

По дисциплине «Интеллектуальный анализ данных»

Тема: «Предобучение нейронных сетей с использованием RBM»

Выполнила:

Студентка 4 курса

Группы ИИ-24

Максимович А. И.

Проверила:

Андренко К. В.

Цель: научиться осуществлять предобучение нейронных сетей с помощью RBM

Общее задание

- 1. Взять за основу нейронную сеть из лабораторной работы №3. Выполнить обучение с предобучением, используя стек ограниченных машин Больцмана (RBM Restricted Boltzmann Machine), алгоритм которого изложен в лекции. Условие останова (например, по количеству эпох) при обучении отдельных слоев как RBM выбрать самостоятельно.
- 2. Сравнить результаты, полученные при
- обучении без предобучения (ЛР 3);
- обучении с предобучением, используя автоэнкодерный подход (ЛР3);
- обучении с предобучением, используя RBM.
- 3. Обучить модели на данных из ЛР 2, сравнить результаты по схеме из пункта 2;
- 4. Сделать выводы, оформить отчет по выполненной работе, загрузить исходный код и отчет в соответствующий репозиторий на github.

Задание по вариантам

Nº	Выборка	Тип задачи	Целевая
в-а			переменная
11	https://archive.ics.uci.edu/dat aset/27/credit+approval	классификация	+/-

Код:

```
import numpy as np
import pandas as pd
import matplotlib.pyplot as plt
import seaborn as sns
from sklearn.model selection import train test split
from sklearn.preprocessing import StandardScaler, LabelEncoder
from sklearn.metrics import mean absolute error, mean squared error,
r2 score, accuracy score, classification report, \
   confusion matrix
from sklearn.manifold import TSNE
from sklearn.impute import SimpleImputer
import tensorflow as tf
from tensorflow import keras
from tensorflow.keras import layers, models
from tensorflow.keras.callbacks import EarlyStopping
# Установка единого типа данных
```

```
tf.keras.backend.set floatx('float32')
   -----
# РЕАЛИЗАЦИЯ RBM (Restricted Boltzmann Machine)
______
class RBM(layers.Layer):
   """Реализация ограниченной машины Больцмана"""
        init (self, n visible, n hidden, learning rate=0.01, k=1,
**kwarqs):
       super(RBM, self).__init__(**kwargs)
       self.n visible = n visible
       self.n_hidden = n hidden
       self.learning rate = learning rate
       self.k = k
       # Инициализация весов и смещений
       self.W = self.add weight(
           shape=(n visible, n hidden),
           initializer='random normal',
           trainable=True,
          name='weights',
           dtype=tf.float32
       self.v bias = self.add weight(
           shape=(n visible,),
           initializer='zeros',
           trainable=True,
          name='visible bias',
           dtype=tf.float32
       self.h bias = self.add weight(
           shape=(n hidden,),
           initializer='zeros',
          trainable=True,
          name='hidden bias',
          dtype=tf.float32
       )
   def sample bernoulli(self, probs):
       """Сэмплирование из бернуллиевского распределения"""
       return tf.nn.relu(tf.sign(probs -
tf.random.uniform(tf.shape(probs))))
   def propup(self, visible):
       """Propagation снизу вверх (видимый -> скрытый)"""
       visible = tf.cast(visible, tf.float32)
       pre sigmoid activation = tf.matmul(visible, self.W) + self.h bias
       return tf.sigmoid(pre sigmoid activation)
   def propdown(self, hidden):
       """Propagation сверху вниз (скрытый -> видимый)"""
       hidden = tf.cast(hidden, tf.float32)
       pre sigmoid activation = tf.matmul(hidden, tf.transpose(self.W)) +
self.v bias
       return tf.sigmoid(pre sigmoid activation)
```

```
def gibbs step(self, visible):
        """Один шаг Гиббса"""
        # Положительная фаза
        h prob = self.propup(visible)
        h sample = self.sample bernoulli(h prob)
        # Отрицательная фаза
        for in range(self.k):
            v prob = self.propdown(h sample)
            v sample = self.sample bernoulli(v prob)
            h prob = self.propup(v sample)
            h sample = self.sample bernoulli(h prob)
        return v prob, h prob
    def contrastive divergence (self, visible batch):
        """Алгоритм контрастивной дивергенции"""
       batch size = tf.shape(visible batch)[0]
        # Положительная фаза
       pos h prob = self.propup(visible batch)
       pos associations = tf.matmul(tf.transpose(visible batch), pos h prob)
        # Отрицательная фаза
        neg_visible_prob, neg_h_prob = self.gibbs_step(visible_batch)
        neg associations = tf.matmul(tf.transpose(neg visible prob),
neg h prob)
        # Обновление весов и смещений
        delta W = (pos associations - neg associations) / tf.cast(batch size,
tf.float32)
        delta v bias = tf.reduce mean(visible batch - neg visible prob,
axis=0)
        delta h bias = tf.reduce mean(pos h prob - neg h prob, axis=0)
        self.W.assign add(self.learning rate * delta W)
        self.v bias.assign add(self.learning rate * delta v bias)
       self.h bias.assign add(self.learning rate * delta h bias)
        # Реконструкционная ошибка
        reconstruction error = tf.reduce mean(tf.square(visible batch -
neg visible prob))
       return reconstruction error
    def call(self, inputs):
        """Прямой проход через RBM"""
        return self.propup(inputs)
class StackedRBM:
    def init (self, layer sizes, learning rates=None, k=1, epochs=50,
batch_size=32):
        self.layer sizes = layer sizes
        self.learning rates = learning rates or [0.01] * len(layer sizes)
       self.k = k
       self.epochs = epochs
       self.batch size = batch size
        self.rbms = []
       self.histories = []
    def pretrain(self, X):
```

```
"""Предобучение стека RBM"""
        current data = X.astype(np.float32)
        input dim = X.shape[1]
        print("=" * 60)
        print("ПРЕДОБУЧЕНИЕ СТЕКА RBM")
        print("=" * 60)
        for i, (n visible, n hidden) in enumerate(zip([input dim] +
self.layer sizes[:-1], self.layer sizes)):
            print(f"Обучение RBM \{i + 1\}: \{n \text{ visible}\} \rightarrow \{n \text{ hidden}\}
нейронов")
            rbm = RBM(n visible, n hidden,
learning rate=self.learning rates[i], k=self.k)
            # Обучение RBM
            dataset = tf.data.Dataset.from tensor slices(current data)
            dataset = dataset.batch(self.batch size)
            history = []
            for epoch in range (self.epochs):
                epoch errors = []
                for batch in dataset:
                    batch = tf.cast(batch, tf.float32)
                    error = rbm.contrastive_divergence(batch)
                    epoch errors.append(error.numpy())
                avg error = np.mean(epoch errors)
                history.append(avg error)
                if epoch % 10 == 0:
                    print(f" Эпоха {epoch}: ошибка реконструкции =
{avg error:.6f}")
            self.rbms.append(rbm)
            self.histories.append(history)
            # Получение скрытых представлений для следующего RBM
            current data = rbm.propup(current data).numpy()
        return self
    def transform(self, X):
        """Преобразование данных через весь стек RBM"""
        current data = X
        for rbm in self.rbms:
            current data = rbm.propup(current data).numpy()
        return current data
    def get pretrained encoder(self):
        """Создание предобученного энкодера на основе RBM"""
        input dim = self.rbms[0].n visible
        # Создаем модель энкодера
        encoder = models.Sequential()
        encoder.add(layers.InputLayer(input shape=(input dim,)))
        # Добавляем слои из RBM
        for i, rbm in enumerate(self.rbms):
            # Создаем Dense слой
```

```
dense layer = layers.Dense(
                rbm.n hidden,
                activation='sigmoid',
                name=f'rbm pretrained {i + 1}'
            encoder.add(dense layer)
        # Сначала нужно построить модель
        dummy input = tf.ones((1, input dim))
        = encoder(dummy input)
        # Устанавливаем веса из RBM
        for i, rbm in enumerate(self.rbms):
            weights = [rbm.W.numpy(), rbm.h bias.numpy()]
            encoder.layers[i].set weights(weights)
        return encoder
# ФУНКЦИИ ДЛЯ ПРЕДОБРАБОТКИ ДАННЫХ
def preprocess credit data(X, y):
    """Предобработка данных кредитного скоринга"""
    # Копируем данные
    X processed = X.copy()
    y processed = y.copy()
    # Определяем числовые и категориальные колонки
    numeric columns = X processed.select dtypes(include=[np.number]).columns
    categorical columns =
X processed.select dtypes(include=['object']).columns
    print(f"Числовые колонки: {len(numeric columns)}")
    print(f"Категориальные колонки: {len(categorical columns)}")
    # Заполняем пропуски в числовых колонках
    if len(numeric columns) > 0:
        numeric imputer = SimpleImputer(strategy='median')
        X processed[numeric columns] =
numeric imputer.fit transform(X processed[numeric columns])
    # Обрабатываем категориальные колонки
    if len(categorical columns) > 0:
        categorical imputer = SimpleImputer(strategy='most frequent')
        X processed[categorical columns] =
categorical imputer.fit transform(X processed[categorical columns])
        # One-hot encoding для категориальных признаков
        X processed = pd.get dummies(X processed,
columns=categorical columns, drop first=True)
    # Кодируем целевую переменную
    label encoder = LabelEncoder()
    y processed = label encoder.fit transform(y processed.iloc[:, 0] if
hasattr(y processed, 'iloc') else y processed)
```

```
print(f"Форма данных после обработки: X {X processed.shape}, у
{y processed.shape}")
    return X processed, y processed
def preprocess cancer data(X, y):
    """Предобработка данных рака груди"""
    # Копируем данные
   X processed = X.copy()
   y processed = y.copy()
    # Заполняем пропуски
   numeric imputer = SimpleImputer(strategy='median')
   X_processed = pd.DataFrame(numeric_imputer.fit_transform(X processed),
                              columns=X processed.columns)
    # Кодируем целевую переменную (М/В -> 1/0)
    label encoder = LabelEncoder()
    y processed = label encoder.fit transform(y processed.iloc[:, 0] if
hasattr(y processed, 'iloc') else y processed)
   print(f"Форма данных после обработки: X {X processed.shape}, у
{y_processed.shape}")
   return X processed, y processed
______
# МОДЕЛИ ДЛЯ СРАВНЕНИЯ
def create base model (input dim, output dim=1,
problem type='classification'):
    """Создает базовую модель без предобучения"""
   model = models.Sequential([
       layers.Dense(128, activation='relu', input shape=(input dim,)),
       layers.BatchNormalization(),
       layers.Dropout(0.3),
       layers.Dense(64, activation='relu'),
       layers.BatchNormalization(),
       layers.Dropout(0.2),
       layers.Dense(32, activation='relu'),
       layers.Dropout(0.1)
    1)
    # Выходной слой в зависимости от типа задачи
    if problem type == 'classification':
       if output dim == 1:
           model.add(layers.Dense(1, activation='sigmoid'))
           model.add(layers.Dense(output dim, activation='softmax'))
    else: # regression
       model.add(layers.Dense(1))
    return model
def create autoencoder pretrained model (input dim, encoding dim=32):
    """Создает модель с предобучением автоэнкодером"""
    # Энкодер
```

```
encoder = models.Sequential([
       layers.Dense(128, activation='relu', input shape=(input dim,)),
        layers.BatchNormalization(),
       layers.Dropout(0.2),
       layers.Dense(64, activation='relu'),
       layers.BatchNormalization(),
       layers.Dense(encoding dim, activation='relu', name="bottleneck")
    1)
    # Декодер
    decoder = models.Sequential([
       layers.Dense(64, activation='relu', input shape=(encoding dim,)),
       layers.BatchNormalization(),
       layers.Dropout(0.2),
       layers.Dense(128, activation='relu'),
       layers.BatchNormalization(),
       layers.Dense(input dim, activation='sigmoid')
   1)
    # Автоэнкодер
   autoencoder = models.Sequential([encoder, decoder])
   return autoencoder, encoder
def create rbm pretrained model (input dim, stacked rbm, output dim=1,
problem type='classification'):
    """Создает модель с предобучением RBM"""
    # Получаем предобученный энкодер от RBM
   encoder = stacked_rbm.get_pretrained_encoder()
    # Создаем полную модель
   model = models.Sequential()
    # Добавляем предобученные слои
    for layer in encoder.layers:
       model.add(layer)
    # Добавляем дополнительные слои для конкретной задачи
   model.add(layers.Dense(16, activation='relu'))
   model.add(layers.Dropout(0.1))
    # Выходной слой
    if problem type == 'classification':
       if output dim == 1:
           model.add(layers.Dense(1, activation='sigmoid'))
       else:
           model.add(layers.Dense(output dim, activation='softmax'))
    else: # regression
       model.add(layers.Dense(1))
   return model
_____
# ФУНКЦИИ ДЛЯ ОЦЕНКИ МОДЕЛЕЙ
def evaluate classification_model(model, X_test, y_test, model_name):
    """Вычисляет метрики для модели класси\phiикации"""
```

```
y pred = model.predict(X test)
    if y pred.shape[1] == 1: # бинарная классификация
       y_pred_classes = (y_pred > 0.5).astype(int).flatten()
    else: # многоклассовая классификация
       y_pred_classes = np.argmax(y_pred, axis=1)
    accuracy = accuracy score(y test, y pred classes)
   print(f"\n{model name}:")
   print(f"Точность: {accuracy:.4f}")
   print("\nОтчет по классификации:")
   print(classification report(y test, y pred classes))
    # Матрица ошибок
   cm = confusion matrix(y test, y pred classes)
   plt.figure(figsize=(6, 4))
   sns.heatmap(cm, annot=True, fmt='d', cmap='Blues')
   plt.title(f'Maтрица ошибок: {model name}')
   plt.ylabel('Истинные значения')
   plt.xlabel('Предсказанные значения')
   plt.tight layout()
   plt.show()
   return {
       'accuracy': accuracy,
        'y_pred': y_pred,
       'y pred classes': y pred classes
    }
# ОСНОВНОЙ КОД ДЛЯ ПЕРВОГО ДАТАСЕТА (CREDIT APPROVAL)
______
print("=" * 70)
print("ЛАБОРАТОРНАЯ РАБОТА №4 - ПРЕДОБУЧЕНИЕ С RBM")
print("ДАТАСЕТ: CREDIT APPROVAL")
print("=" * 70)
# Загрузка данных кредитного скоринга
from ucimlrepo import fetch ucirepo
credit approval = fetch ucirepo(id=27)
X credit = credit approval.data.features
y credit = credit approval.data.targets
# Метаданные
print("Метаданные датасета Credit Approval:")
print(credit approval.metadata)
print("\nИнформация о переменных:")
print(credit approval.variables)
# Предобработка данных
X credit processed, y credit processed = preprocess credit data(X credit,
y credit)
# Разделение на обучающую и тестовую выборки
```

```
X train credit, X test credit, y_train_credit, y_test_credit =
train test split(
    X credit processed, y credit processed, test size=0.2, random state=42,
stratify=y credit processed
# Нормализация данных
scaler credit = StandardScaler()
X train credit scaled = scaler credit.fit transform(X train credit)
X test credit scaled = scaler credit.transform(X test credit)
X_train_credit_scaled = X_train_credit_scaled.astype(np.float32)
X test credit scaled = X test credit scaled.astype(np.float32)
print(f"Форма данных после обработки: X train {X train credit scaled.shape},
y train {y train credit.shape}")
______
# ОБУЧЕНИЕ И СРАВНЕНИЕ МОЛЕЛЕЙ ДЛЯ CREDIT APPROVAL
input dim credit = X train credit scaled.shape[1]
early stop = EarlyStopping(monitor='val loss', patience=10,
restore best weights=True)
# 1. МОДЕЛЬ БЕЗ ПРЕДОБУЧЕНИЯ
print("\n" + "=" * 60)
print("1. ОБУЧЕНИЕ БЕЗ ПРЕДОБУЧЕНИЯ (CREDIT APPROVAL)")
print("=" * 60)
model credit no pretrain = create base model (input dim credit, output dim=1,
problem type='classification')
model credit no pretrain.compile(
    optimizer=keras.optimizers.Adam(learning rate=0.001),
    loss='binary crossentropy',
    metrics=['accuracy']
history credit no pretrain = model credit no pretrain.fit(
    X train credit scaled, y train credit,
    epochs=50,
   batch size=32,
   validation split=0.2,
   callbacks=[early stop],
   verbose=1
)
# 2. МОДЕЛЬ С ПРЕДОБУЧЕНИЕМ АВТОЭНКОДЕРОМ
print("\n" + "=" * 60)
print("2. ПРЕДОБУЧЕНИЕ АВТОЭНКОДЕРОМ (CREDIT APPROVAL)")
print("=" * 60)
autoencoder credit, encoder ae credit =
create autoencoder pretrained model (input dim credit)
autoencoder credit.compile(
    optimizer=keras.optimizers.Adam(learning rate=0.0005),
    loss='mse',
   metrics=['mae']
)
```

```
history autoencoder credit = autoencoder credit.fit(
    X train credit scaled, X train credit scaled,
    epochs=30,
    batch size=32,
    validation split=0.2,
    callbacks=[early stop],
    verbose=1
# Создаем модель с предобученным энкодером
model credit ae pretrained = models.Sequential()
for layer in encoder_ae_credit.layers:
   model_credit_ae pretrained.add(layer)
model_credit_ae_pretrained.add(layers.Dense(16, activation='relu'))
model credit ae pretrained.add(layers.Dropout(0.1))
model credit ae pretrained.add(layers.Dense(1, activation='sigmoid'))
model credit ae pretrained.compile(
    optimizer=keras.optimizers.Adam(learning rate=0.0001),
    loss='binary crossentropy',
   metrics=['accuracy']
)
history credit ae pretrained = model credit ae pretrained.fit(
    X train credit_scaled, y_train_credit,
    epochs=50,
    batch size=32,
    validation split=0.2,
    callbacks=[early stop],
    verbose=1
)
# 3. МОДЕЛЬ С ПРЕДОБУЧЕНИЕМ RBM
print("\n" + "=" * 60)
print("3. ПРЕДОБУЧЕНИЕ RBM (CREDIT APPROVAL)")
print("=" * 60)
# Создаем и обучаем стек RBM
stacked rbm credit = StackedRBM(
    layer sizes=[64, 32, 16],
    learning rates=[0.1, 0.1, 0.1],
    k=1,
    epochs=20,
    batch size=32
stacked rbm credit.pretrain(X train credit scaled)
# Создаем модель с предобучением RBM
model credit rbm pretrained = create rbm pretrained model(
    input dim credit, stacked rbm credit, output dim=1,
problem type='classification'
model credit rbm pretrained.compile(
    optimizer=keras.optimizers.Adam(learning rate=0.0001),
    loss='binary crossentropy',
    metrics=['accuracy']
)
```

```
history credit rbm pretrained = model credit rbm pretrained.fit(
   X train credit scaled, y train credit,
   epochs=50,
   batch size=32,
   validation split=0.2,
   callbacks=[early stop],
   verbose=1
_______
# ОЦЕНКА И СРАВНЕНИЕ МОДЕЛЕЙ ДЛЯ CREDIT APPROVAL
______
print("\n" + "=" * 70)
print("СРАВНЕНИЕ РЕЗУЛЬТАТОВ ДЛЯ ДАТАСЕТА CREDIT APPROVAL")
print("=" * 70)
# Оценка всех моделей
results credit no pretrain = evaluate classification model(
   model credit no pretrain, X test credit scaled, y test credit,
   "МОДЕЛЬ БЕЗ ПРЕДОБУЧЕНИЯ (CREDIT APPROVAL)"
results credit ae pretrained = evaluate classification model(
   model credit ae pretrained, X test credit scaled, y test credit,
   "МОДЕЛЬ С ПРЕДОБУЧЕНИЕМ АВТОЭНКОДЕРА (CREDIT APPROVAL)"
results credit rbm pretrained = evaluate classification model(
   model credit rbm pretrained, X test credit scaled, y test credit,
   "МОДЕЛЬ С ПРЕДОБУЧЕНИЕМ RBM (CREDIT APPROVAL)"
)
______
# BTOPOЙ ДАТАСЕТ (BREAST CANCER) - ПУНКТ 3
______
print("\n" + "=" * 70)
print("ОБРАБОТКА ВТОРОГО ДАТАСЕТА (BREAST CANCER WISCONSIN)")
print("=" * 70)
# Загрузка данных рака груди
breast cancer wisconsin diagnostic = fetch ucirepo(id=17)
X cancer = breast cancer wisconsin diagnostic.data.features
y cancer = breast cancer wisconsin diagnostic.data.targets
print("Метаданные датасета Breast Cancer:")
print(breast cancer wisconsin diagnostic.metadata)
print("\nИнформация о переменных:")
print(breast cancer wisconsin diagnostic.variables)
# Предобработка данных
X cancer processed, y cancer processed = preprocess cancer data(X cancer,
y cancer)
# Разделение на обучающую и тестовую выборки
```

```
X train cancer, X test cancer, y train cancer, y test cancer =
train test split(
    X cancer processed, y cancer processed, test size=0.2, random state=42,
stratify=y cancer processed
# Нормализация данных
scaler cancer = StandardScaler()
X train cancer scaled = scaler cancer.fit transform(X train cancer)
X test cancer scaled = scaler cancer.transform(X test cancer)
X_train_cancer_scaled = X_train_cancer_scaled.astype(np.float32)
X test cancer scaled = X test cancer scaled.astype(np.float32)
print(f"Форма данных после обработки: X train {X train cancer scaled.shape},
y train {y train cancer.shape}")
______
# ОБУЧЕНИЕ И СРАВНЕНИЕ МОЛЕЛЕЙ ДЛЯ BREAST CANCER
input dim cancer = X train cancer scaled.shape[1]
early stop cancer = EarlyStopping (monitor='val loss', patience=10,
restore best weights=True)
# 1. МОДЕЛЬ БЕЗ ПРЕДОБУЧЕНИЯ (CANCER)
print("\n" + "=" * 60)
print("1. ОБУЧЕНИЕ БЕЗ ПРЕДОБУЧЕНИЯ (BREAST CANCER)")
print("=" * 60)
model cancer no pretrain = create base model (input dim cancer, output dim=1,
problem type='classification')
model cancer no pretrain.compile(
    optimizer=keras.optimizers.Adam(learning rate=0.001),
    loss='binary crossentropy',
   metrics=['accuracy']
history cancer no pretrain = model cancer no pretrain.fit(
    X train cancer scaled, y train cancer,
    epochs=50,
   batch size=16,
   validation split=0.2,
   callbacks=[early stop cancer],
   verbose=1
)
# 2. МОДЕЛЬ С ПРЕДОБУЧЕНИЕМ АВТОЭНКОДЕРОМ (CANCER)
print("\n" + "=" * 60)
print("2. ПРЕДОБУЧЕНИЕ ABTOЭНКОДЕРОМ (BREAST CANCER)")
print("=" * 60)
autoencoder cancer, encoder ae cancer =
create autoencoder pretrained model (input dim cancer)
autoencoder cancer.compile(
    optimizer=keras.optimizers.Adam(learning rate=0.0005),
    loss='mse',
   metrics=['mae']
)
```

```
history autoencoder cancer = autoencoder cancer.fit(
    X train cancer scaled, X train cancer scaled,
    epochs=30,
    batch size=16,
    validation split=0.2,
    callbacks=[early stop cancer],
    verbose=1
# Создаем модель с предобученным энкодером
model cancer ae pretrained = models.Sequential()
for layer in encoder_ae_cancer.layers:
   model_cancer_ae pretrained.add(layer)
model cancer ae pretrained.add(layers.Dense(16, activation='relu'))
model cancer ae pretrained.add(layers.Dropout(0.1))
model cancer ae pretrained.add(layers.Dense(1, activation='sigmoid'))
model cancer ae pretrained.compile(
    optimizer=keras.optimizers.Adam(learning rate=0.0001),
    loss='binary crossentropy',
   metrics=['accuracy']
)
history cancer ae pretrained = model cancer ae pretrained.fit(
    X train cancer_scaled, y_train_cancer,
    epochs=50,
    batch size=16,
    validation split=0.2,
    callbacks=[early stop cancer],
    verbose=1
)
# 3. МОДЕЛЬ С ПРЕДОБУЧЕНИЕМ RBM (CANCER)
print("\n" + "=" * 60)
print("3. ПРЕДОБУЧЕНИЕ RBM (BREAST CANCER)")
print("=" * 60)
# Создаем и обучаем стек RBM для cancer
stacked rbm cancer = StackedRBM(
    layer sizes=[64, 32, 16],
    learning rates=[0.1, 0.1, 0.1],
    k=1,
    epochs=20,
    batch size=16
stacked rbm cancer.pretrain(X train cancer scaled)
# Создаем модель с предобучением RBM
model cancer rbm pretrained = create rbm pretrained model (
    input dim cancer, stacked rbm cancer, output dim=1,
problem type='classification'
model cancer rbm pretrained.compile(
    optimizer=keras.optimizers.Adam(learning rate=0.0001),
    loss='binary crossentropy',
    metrics=['accuracy']
)
```

```
history cancer rbm pretrained = model cancer rbm pretrained.fit(
   X train cancer_scaled, y_train_cancer,
   epochs=50,
   batch size=16,
   validation split=0.2,
   callbacks=[early stop cancer],
   verbose=1
_______
# ОЦЕНКА И СРАВНЕНИЕ МОДЕЛЕЙ ДЛЯ BREAST CANCER
______
print("\n" + "=" * 70)
print("СРАВНЕНИЕ РЕЗУЛЬТАТОВ ДЛЯ ДАТАСЕТА BREAST CANCER")
print("=" * 70)
# Оценка всех моделей для cancer
results_cancer_no_pretrain = evaluate_classification_model(
   model_cancer_no_pretrain, X_test_cancer_scaled, y_test_cancer,
   "МОДЕЛЬ БЕЗ ПРЕДОБУЧЕНИЯ (BREAST CANCER)"
results cancer ae pretrained = evaluate classification model(
   model cancer ae pretrained, X test cancer scaled, y test cancer,
   "МОДЕЛЬ С ПРЕДОБУЧЕНИЕМ АВТОЭНКОДЕРА (BREAST CANCER)"
results cancer rbm pretrained = evaluate classification model(
   model cancer rbm pretrained, X test cancer scaled, y test cancer,
   "МОДЕЛЬ С ПРЕДОБУЧЕНИЕМ RBM (BREAST CANCER)"
)
______
# ВИЗУАЛИЗАЦИЯ И ФИНАЛЬНОЕ СРАВНЕНИЕ
______
# Графики обучения для credit approval
plt.figure(figsize=(18, 12))
# Credit Approval - графики потерь
plt.subplot(2, 3, 1)
plt.plot(history credit no pretrain.history['loss'], label='Обучение')
plt.plot(history credit no pretrain.history['val loss'], label='Валидация')
plt.title('Credit Approval - Без предобучения\nПотери')
plt.xlabel('Эпоха')
plt.ylabel('Binary Crossentropy')
plt.legend()
plt.subplot(2, 3, 2)
plt.plot(history_credit_ae_pretrained.history['loss'], label='Обучение')
plt.plot(history credit ae pretrained.history['val loss'], label='Валидация')
plt.title('Credit Approval - Autoencoder\nПотери')
plt.xlabel('Эпоха')
plt.ylabel('Binary Crossentropy')
plt.legend()
```

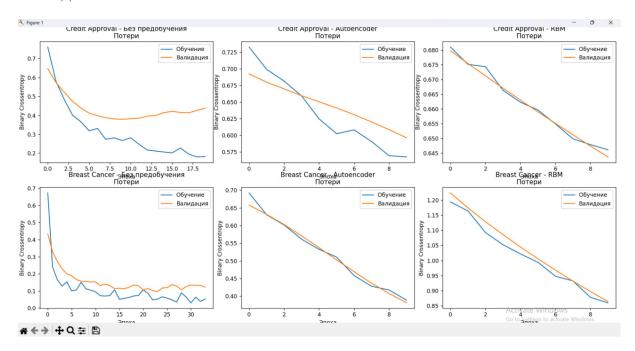
```
plt.subplot(2, 3, 3)
plt.plot(history credit rbm pretrained.history['loss'], label='Обучение')
plt.plot(history credit rbm pretrained.history['val loss'],
label='Валидация')
plt.title('Credit Approval - RBM\nПотери')
plt.xlabel('Эποχα')
plt.ylabel('Binary Crossentropy')
plt.legend()
# Breast Cancer - графики потерь
plt.subplot(2, 3, 4)
plt.plot(history cancer no pretrain.history['loss'], label='Обучение')
plt.plot(history_cancer_no_pretrain.history['val_loss'], label='Валидация')
plt.title('Breast Cancer - Без предобучения\пПотери')
plt.xlabel('Эпоха')
plt.ylabel('Binary Crossentropy')
plt.legend()
plt.subplot(2, 3, 5)
plt.plot(history cancer ae pretrained.history['loss'], label='Обучение')
plt.plot(history cancer ae pretrained.history['val loss'], label='Валидация')
plt.title('Breast Cancer - Autoencoder\nПотери')
plt.xlabel('Эποxa')
plt.ylabel('Binary Crossentropy')
plt.legend()
plt.subplot(2, 3, 6)
plt.plot(history cancer rbm pretrained.history['loss'], label='Обучение')
plt.plot(history cancer rbm pretrained.history['val loss'],
label='Валидация')
plt.title('Breast Cancer - RBM\nПотери')
plt.xlabel('Эпоха')
plt.ylabel('Binary Crossentropy')
plt.legend()
plt.tight layout()
plt.savefig('training comparison both datasets.png', dpi=300,
bbox inches='tight')
plt.show()
# Графики ошибок RBM
plt.figure(figsize=(15, 5))
plt.subplot(1, 2, 1)
for i, history in enumerate(stacked rbm credit.histories):
    plt.plot(history, label=f'RBM {i + 1}')
plt.title('Ошибки реконструкции RBM\n(Credit Approval)')
plt.xlabel('Эпоха')
plt.ylabel('Ошибка реконструкции')
plt.legend()
plt.grid(True, alpha=0.3)
plt.subplot(1, 2, 2)
for i, history in enumerate(stacked rbm cancer.histories):
    plt.plot(history, label=f'RBM {i + 1}')
plt.title('Ошибки реконструкции RBM\n(Breast Cancer)')
plt.xlabel('Эпоха')
plt.ylabel('Ошибка реконструкции')
plt.legend()
plt.grid(True, alpha=0.3)
```

```
plt.tight layout()
plt.savefig('rbm pretraining errors both.png', dpi=300, bbox inches='tight')
______
# ФИНАЛЬНОЕ СРАВНЕНИЕ ВСЕХ МОДЕЛЕЙ
______
print("\n" + "=" * 70)
print("ФИНАЛЬНОЕ СРАВНЕНИЕ ВСЕХ МОДЕЛЕЙ")
print("=" * 70)
# Сравнение для credit approval
print("\n--- CREDIT APPROVAL DATASET ---")
credit comparison = pd.DataFrame({
   'Метод': ['Без предобучения', 'Autoencoder', 'RBM'],
   'Точность': [
       results credit no pretrain['accuracy'],
       results_credit_ae_pretrained['accuracy'],
       results credit rbm pretrained['accuracy']
})
print(credit comparison)
# Сравнение для breast cancer
print("\n--- BREAST CANCER DATASET ---")
cancer comparison = pd.DataFrame({
   'Метод': ['Без предобучения', 'Autoencoder', 'RBM'],
   'Точность': [
       results cancer no pretrain['accuracy'],
       results cancer ae pretrained['accuracy'],
       results cancer rbm pretrained['accuracy']
})
print(cancer comparison)
# Визуализация финального сравнения
fig, (ax1, ax2) = plt.subplots(1, 2, figsize=(15, 6))
# График для credit approval
methods = ['Без предобучения', 'Autoencoder', 'RBM']
credit accuracies = [
   results credit no pretrain['accuracy'],
   results credit ae pretrained['accuracy'],
   results credit rbm pretrained['accuracy']
1
ax1.bar(methods, credit accuracies, color=['red', 'blue', 'green'],
alpha=0.7)
ax1.set ylabel('Точность')
ax1.set title('Сравнение точности для Credit Approval')
ax1.set ylim(0, 1)
ax1.grid(True, alpha=0.3)
# Добавление значений на столбцы
for i, v in enumerate (credit accuracies):
   ax1.text(i, v + 0.01, f'{v:.4f}', ha='center', va='bottom')
# График для breast cancer
```

```
cancer accuracies = [
   results cancer no pretrain['accuracy'],
    results cancer ae pretrained['accuracy'],
    results cancer rbm pretrained['accuracy']
]
ax2.bar(methods, cancer accuracies, color=['red', 'blue', 'green'],
alpha=0.7)
ax2.set ylabel('Точность')
ax2.set title('Сравнение точности для Breast Cancer')
ax2.set ylim(0, 1)
ax2.grid(True, alpha=0.3)
# Добавление значений на столбцы
for i, v in enumerate (cancer accuracies):
   ax2.text(i, v + 0.01, f'(v:.4f)', ha='center', va='bottom')
plt.tight layout()
plt.savefig('final comparison both datasets.png', dpi=300,
bbox inches='tight')
plt.show()
# СОХРАНЕНИЕ МОДЕЛЕЙ И РЕЗУЛЬТАТОВ
_____
# Сохранение моделей для credit approval
model credit no pretrain.save('model credit no pretrain.keras')
model credit ae pretrained.save('model credit ae pretrained.keras')
model credit rbm pretrained.save('model credit rbm pretrained.keras')
# Сохранение моделей для breast cancer
model cancer no pretrain.save('model cancer no pretrain.keras')
model cancer ae pretrained.save('model cancer ae pretrained.keras')
model cancer rbm pretrained.save('model cancer rbm pretrained.keras')
# Сохранение результатов сравнения
comparison results = pd.DataFrame({
    'Dataset': ['Credit Approval'] * 3 + ['Breast Cancer'] * 3,
    'Method': methods * 2,
    'Accuracy': credit accuracies + cancer_accuracies
})
comparison results.to csv('comparison results.csv', index=False)
print("\nРезультаты сравнения сохранены в файл 'comparison results.csv'")
print("\n" + "=" * 70)
print("ВСЕ МОДЕЛИ СОХРАНЕНЫ")
print("=" * 70)
# Вывод итоговых результатов
print("\nитоговые Результаты:")
print(
    f"Credit Approval - Лучшая модель:
{methods[np.argmax(credit accuracies)]} (Точность =
{max(credit accuracies):.4f})")
    f"Breast Cancer - Лучшая модель: {methods[np.argmax(cancer accuracies)]}
(Точность = {max(cancer accuracies):.4f})")
```

```
print("\n" + "=" * 70)
print("JABOPATOPHAЯ PABOTA №4 ЗАВЕРШЕНА")
print("=" * 70)
```

Вывод:



Вывод: научилась осуществлять предобучение нейронных сетей с помощью RBM