

RAPPORT DE PROJET : ALGORITHMES GÉNÉTIQUES

1. Compilation et exécution du projet

La compilation est réalisée grâce à un makefile. Il suffit donc de taper la commande `make`, puis d'exécuter le programme avec la commande `./projet`, `projet` étant le nom de l'exécutable. On peut passer en argument à l'exécution la fonction de qualité à utiliser (cf 5.) : `./projet f2` ou `./projet f3`. La fonction utilisée par défaut est la fonction `f1`.

2. Analyse du projet

Le projet a pour but de présenter une approche simplifiée des algorithmes génétiques. D'après Wikipedia, un algorithme génétique a pour but « d'obtenir une solution approchée, en un temps correct, à un problème d'optimisation[...] ». Les algorithmes génétiques utilisent la notion de sélection naturelle développée au XIXe siècle par le scientifique Darwin et l'appliquent à une population de solutions potentielles au problème donné ». C'est-à-dire que l'algorithme génétique permet de proposer une solution à un problème issue des meilleures solutions potentielles. Ici on considère une population d'individus aléatoirement définis dont on sélectionnera le meilleur après des opérations de sélection.

Afin de reproduire la sélection naturelle on fait intervenir des paramètres tels que la taille de la population, la qualité d'un individu, le nombre de générations, la probabilité de croisement des bits d'un individu, le pourcentage d'individus sélectionnés dans une population.

3. Structures de données

Ce projet permet de manipuler la principale structure de données étudiée pendant l'UV de LO44, à savoir la liste chaînée. On utilise en effet la représentation chaînée pour définir un individu en tant que liste de bits, et pour définir une population comme liste d'individus. Cela permet de créer un individu ou une population de manière dynamique, ce qui est ici nécessaire du fait de l'utilisation de nombreux paramètres définis aléatoirement.

Un individu étant constitué de bits, on a également défini un type `Bit` prenant pour valeur 0 ou 1. Néanmoins, comme il l'est spécifié dans le sujet, un `Bit` est du type `unsigned char`.

4. Algorithmes utilisés

4-1. Type abstrait Individu

Fonction initialiser

Algorithme itératif :

Données : néant

Résultat : la liste de bits individu ayant récupéré des valeurs de manière aléatoire

Lexique :

Individu : liste de bits de longueur fixée par la constante longIndiv

Bits : caractère ayant une valeur binaire

Algorithme :

initialiserIT () → Individu

Debut

Pour i allant de 1 à longIndiv avec un pas de 1 Faire
 individu= insererEnQueue(individu, valeur aléatoire (0..1))

Fait

Fin

Algorithme récursif :

Paramétrage : Individu indiv : liste à initialiser – entier l ayant pour valeur longIndiv : la longueur de la liste finale

Résultat : Individu initialisé aléatoirement

Algorithme :

initialiserRE (indiv : Individu, l : entier) → Individu

Debut

 //Cas trivial

 Si l = 1 Alors

 indiv= valeur aléatoire (0..1)

 //Cas général

 Sinon

 valeur_tete(indiv)= valeur aléatoire (0..1)

 initialiser(reste(indiv), l-1)

 Finsi

Fin

Fonction decoder

Résultat : l'entier v, valeur en base 10 de la liste de bits/Individu

Données : l'Individu indiv à décoder

Lexique : v s'obtient en faisant la somme des valeurs de chaque bit multipliées par 2 à la puissance du rang du bit correspondant

Algorithme :

decoder(indiv : Individu) → entier

Debut

 entier i = longIndiv

 Tant que (non vide(reste(individu))) Faire

 v = v+(2ⁱ)*valeur_tete(indiv)

 i = i-1

 indiv = reste(indiv)

 Fait

Fin

Fonction croiserIndividu

Résultat : 2 Individus qui ont été croisés.

Données : Individu1 et Individu2 qui sont des individus, pCroise une probabilité de croisement

Algorithme :

croiserIndividu(individu : Individu1, individu : Individu2)

Debut

 entier tmp

 Pour i variant de 1 à longIndiv avec un pas de 1 Faire

 pCroise = valeur aléatoire(0,1)

 Si pCroise = 1 Alors

```

        tmp = individu1(i)
        individu1(i) = individu2(i)
        individu2(i) = tmp
    Finsi
Fait
Fin

```

Fonction de qualité : f1

Résultat : réel qualite représentant la qualité d'un individu

Données : la valeur v d'un Individu, et la longueur longIndiv, A = -1 et B = 1 des entiers servant à calculer la qualité

Lexique : la qualité d'un individu se calcule par la formule : $f1(x) = -((x/2^{\text{longIndiv}}) \cdot (B-A) + A)^2$

Algorithme :

f1 (v : entier) → réel

Debut

 qualite = -((v/2^{longIndiv})*(B-A)+A)²

Fin

4-2. Type Abstrait Population

Initialiser la population

Résultat : newPop la liste chaînée de type population, contenant des Individus

Données : Taille de la population (nombre d'individus dans une population), entier

Algorithme :

initialiserPop (entier taillePop) → Population

Debut

 pour i allant de 1 à taillePop Faire

 newPop= insererEnQueue(newPop, initialiserIndiv())

 Fait

Fin

Quicksort (Tri rapide)

Paramétrage : Population aTrier dont on doit trier les individus par ordre décroissant de leur qualité

Résultat : Population triée

Cas trivial :

Si est_vide(aTrier) ou est_vide(reste(aTrier)) Alors

 quicksort = aTrier

Cas général :

Si (non vide(aTrier) ou non vide(reste(aTrier))) Alors

 Population petits, grands, gauche, droite

 reel valeur, pivot

 Individu indivValeur, indivPivot

 indivPivot = valeur_tete(aTrier)

 pivot = qualite(valeur_tete(aTrier))

 Tantque(non vide(aTrier) et non_vide(reste(aTrier)))

 valeur = qualite(valeur_tete(reste(aTrier)));

 indivValeur = valeur_tete(reste(aTrier));

 Si valeur <= pivot alors

 petits = insererIndividu(petits, indivValeur)

 sinon

 grands = insererIndividu(grands, indivValeur)

```

        Finsi
        aTrier = reste(aTrier)
    FinTantQue

    gauche = quicksort(gauche)
    droite = quicksort(droite)

    gauche = insererIndividu(gauche, indivPivot)
    ajout_file(gauche, droite)
Finsi

```

Sélection dans la population

Données : Population elite dont on doit sélectionner les meilleurs individus, tSelect le pourcentage d'individus à sélectionner

Résultat : Population resultat constituée des meilleurs individus d'elite uniquement

Algorithme :

selection (elite : Population) → Population

Debut

```

    entier nbIndiv = taillePop * tSelect
    entier i = 0
    Population resultat, tmp
    Pour i variant de 0 à nbIndiv avec un pas de 1 Faire
        Individu in = elite->valeur
        resultat = insererIndividu(resultat, in)
        elite = elite->suivant
    Fait
    tmp = resultat
    Pour i variant de 0 à taillePop – nbIndiv avec un pas de 1 Faire
        Individu in = tmp->valeur
        resultat = insererIndividu(resultat, in)
        tmp = tmp->suivant
    Fait

```

Fin

Croisement de Population

Données : Population parent dont on croise les individus aléatoirement deux à deux

Résultat : Population enfant constituée du croisement d'individus de la Population parent

Algorithme :

croiserPop (parent : Population) → Population

Debut

```

    Pour i variant de 0 à taillePop avec un pas de 2 Faire
        entier choixPetit, choixGrand;

        Individu petit, grand

        Population tmp = parent
        choixPetit = valeur aléatoire(0..taillePop – 1)
        choixGrand =valeur aléatoire(choixPetit..taillePop - 1)
        Pour i variant de 0 à choixGrand avec un pas de 1 Faire
            Si j = choixPetit Alors
                petit = tmp->valeur
            Finsi
            Si j = choixGrand Alors

```

```

        grand = tmp->valeur
    Finsi
    tmp = tmp->suivant
Fait
croiserIndividu(petit, grand)
enfant = insererIndividu(enfant, petit)
enfant = insererIndividu(enfant, grand)
Fait
Fin

```

5. Jeux d'essai et analyse des résultats

5-1. Paramètres

Comme on l'a expliqué dans la présentation du projet on utilise plusieurs paramètres pour effectuer la sélection au sein de la population.

longIndiv : nombre de bits constituant un individu ; selon la fonction de qualité utilisée (cf ci-dessous) longIndiv peut valoir 8, 16 ou 32 bits.

pCroise : probabilité de croisement de deux bits d'un individu ; par défaut on définit une équiprobabilité (0.5).

taillePop : nombre d'individus d'une population ; la taille varie entre 20 et 200 individus.

tSelect : Pourcentage des individus à sélectionner dans une population ; ce pourcentage varie entre 10 et 90% de la population.

nGen : nombre de générations que subit la population ; il peut varier entre 20 et 200 générations.

Étant donné que certains paramètres doivent varier, lors de l'implémentation on les a définis par un nombre aléatoire. Ainsi, pour chaque essai les paramètres sont différents et cela permet de souligner les différences induites.

Parallèlement, on a défini trois fonctions différentes pour calculer la qualité. Avec

$X = (x / 2^{\text{longIndiv}}) * (B - A) + A$ on a :

- $f_1(x) = -X^2$ avec $A = -1$, $B = 1$, $\text{longIndiv} = 8$
- $f_2(x) = -\ln(X)$ avec $A = 0.5$, $B = 5$, $\text{longIndiv} = 16$
- $f_3(x) = -\cos(X)$ avec $A = -\pi$, $B = \pi$, $\text{longIndiv} = 32$

où x est la valeur décimale de l'individu.

On peut choisir la fonction à utiliser dans le programme en passant en argument à l'exécution f_1 , f_2 ou f_3 . Exemple :

`~$./projet f2` exécutera le programme en utilisant la fonction de qualité f_2 sur des individus de 16 bits.

Quelle que soit la fonction choisie, la meilleure qualité représente le maximum de la fonction dans l'intervalle $[0 ; (2^{\text{longIndiv}})-1]$. Ainsi, pour la fonction f_1 , le maximum est $f(128) = 0$. Pour la fonction f_2 , le maximum est $f(0)$, soit environ 2,3. Enfin, pour la fonction f_3 , le maximum est $f(0) = f(2^{32}) = 1$.

On observe donc que, selon la fonction choisie, le meilleur individu peut être celui dont la valeur est la plus élevée, la moins élevée ou la valeur intermédiaire. Le résultat du meilleur individu est donc directement dépendant de la fonction de qualité.

5-2. Résultats obtenus

Les individus sont toujours générés aléatoirement. Ce sont donc les paramètres exposés ci-

dessus qui font varier les résultats.

En utilisant la fonction de qualité par défaut f1, on observe que plus les paramètres aléatoires ont de petites valeurs, meilleure peut être la qualité du meilleur individu.

On observe que les résultats sont plus homogènes et que l'on obtient des individus de qualité moyenne en manipulant une population nombreuse, sur un grand nombre de générations, avec une forte probabilité de croisement et un taux de sélection élevé.

Par exemple, en fixant les données suivantes, on obtient :

Taux de sélection : 0.9 ; probabilité de croisement : 0.8

Meilleur individu dans une population de 200 après 200 générations :
0111 1011

Sa qualité vaut -0.001526

Avec des valeurs faibles les résultats sont hétérogènes mais meilleurs :

Taux de sélection : 0.1 ; probabilité de croisement : 0.2

Meilleur individu dans une population de 20 après 20 générations :
1000 0000

Sa qualité vaut -0.000000

En utilisant la fonction f2, les meilleurs résultats sont obtenus avec des paramètres ayant des valeurs élevées. Exemple :

Taux de sélection : 0.9 ; probabilité de croisement : 0.2

Meilleur individu dans une population de 200 après 200 générations :
0000 0000 0000 0000

Sa qualité vaut 2.302585

Les résultats sont plus médiocres lorsque l'on utilise de petites valeurs.

Taux de sélection : 0.1 ; probabilité de croisement : 0.8

Meilleur individu dans une population de 20 après 20 générations :
0010 0101 0101 1101

Sa qualité vaut 0.204375

Avec la fonction f3 les meilleurs individus sont obtenus avec des valeurs faibles en paramètre :

Taux de sélection : 0.1 ; probabilité de croisement : 0.2

Meilleur individu dans une population de 20 après 20 générations :
1111 1111 1001 1011 0101 1010 1000 1110

Sa qualité vaut 0.999953

De manière générale, on observe qu'avec un taux de sélection faible et un grand nombre de générations la population devient homogène, ce qui réduit la possibilité d'obtenir de meilleurs individus. Ce phénomène est d'autant plus remarquable que le nombre d'individus est faible.