



Árboles de decisión: Regresión

Como siempre nos importamos las liberías necesarias y de nuevo puntualizar que si bien en estas sesiones dedicadas a ver cómo se crean los modelos con sklearn, no estamos haciendo el proceso completo de ML, eso no quiere decir que no se tengan que seguir cuando tratemos con árboles de decisión.

```
In [1]: import numpy as np
import pandas as pd
import seaborn as sns
import sklearn

# para que la salida de este notebook sea estable en todas las ejecuciones
np.random.seed(42)

# Pintar!
%matplotlib inline
import matplotlib as mpl
import matplotlib.pyplot as plt
mpl.rc('axes', labelsize=14)
mpl.rc('xtick', labelsize=12)
mpl.rc('ytick', labelsize=12)
```

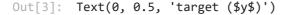
Dataset de partida

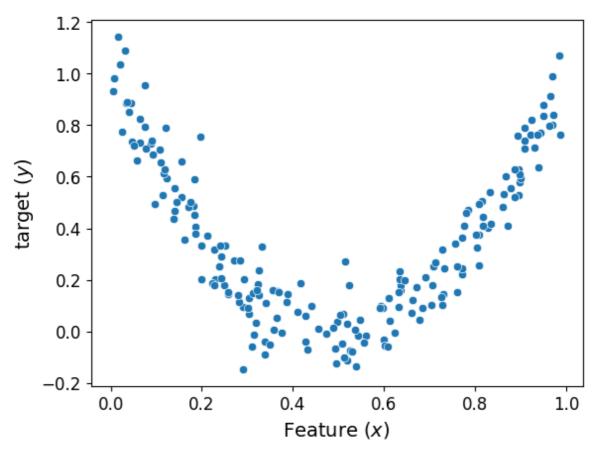
En esta ocasión no vamos a partir de un dataset específico sino que vamos a crear uno que nos permita ilustras la capacicades de los árboles para resolver problemas de regresión

```
In [2]: np.random.seed(42)
    m = 200
    X = np.random.rand(m, 1)
    y = 4 * (X - 0.5) ** 2
    y = y + np.random.randn(m, 1) / 10
```

Creamos una relación cuadrática entre la feature de entrada (X) y la y a la que añadimos ruido para que no sea perfecta (bueno para que no sea un función directa matemática)

```
In [3]: sns.scatterplot(x = X.flatten(), y = y.flatten())
   plt.xlabel("Feature ($x$)")
   plt.ylabel("target ($y$)")
```





Instanciación y entrenamiento

En un proceso real, deberíamos separar train y test, como estas son sesiones ilustrativas no lo haremos.

Out[4]:
DecisionTreeRegressor

DecisionTreeRegressor(max_depth=2, random_state=42)

```
In [5]: # Calculamos el error absoluto medio y el error cuadrático medio.
from sklearn.metrics import mean_absolute_error, mean_squared_error

y_pred = tree_reg.predict(X)

print("MAE:", mean_absolute_error(y, y_pred))
print("RMSE:", np.sqrt(mean_squared_error(y, y_pred)))
```

MAE: 0.11551247800933064 RMSE: 0.14103255657883856

Probemos ahora con un árbol de algo más de profundidad

```
In [6]: tree_reg_bis = DecisionTreeRegressor(max_depth=3, random_state=42) # De nuevo só
```

```
In [7]: from sklearn.metrics import mean_absolute_error, mean_squared_error
    y_pred = tree_reg_bis.predict(X)

print("MAE:", mean_absolute_error(y, y_pred))
print("RMSE:", np.sqrt(mean_squared_error(y, y_pred)))
```

MAE: 0.08517327912899003 RMSE: 0.10516692756390263

Hemos mejorado pero tendríamos que haber porbado una validación cruzada para estar más seguros

```
In [8]: from sklearn.model_selection import cross_val_score
level_2 = np.sqrt(-cross_val_score(tree_reg, X, y, cv = 5, scoring= "neg_mean_sq
level_3 = np.sqrt(-cross_val_score(tree_reg_bis, X, y, cv = 5, scoring = "neg_me
print("Arbol 2 niveles:", level_2.mean())
print("Arbol 3 niveles:", level_3.mean())
```

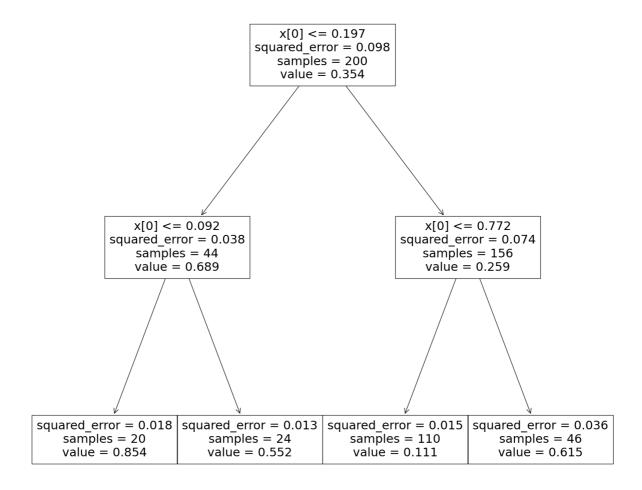
Arbol 2 niveles: 0.1703701065551966 Arbol 3 niveles: 0.1255889505623447

Por ahora podríamos "fiarnos" (pero sería mejor tener Test, ¿verdad?)

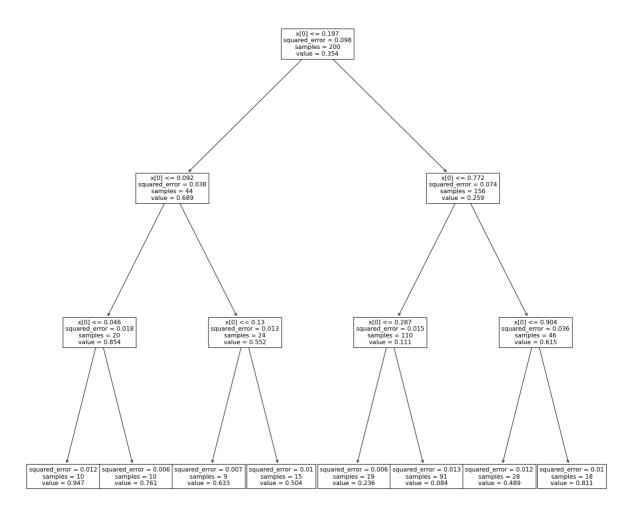
Visualización del árbol

```
In [9]: from sklearn.tree import plot_tree

plt.figure(figsize=(20,20))
plot_tree(tree_reg);
```



```
In [10]: plt.figure(figsize=(20,20))
    plot_tree(tree_reg_bis);
```



Visualización del funcionamiento

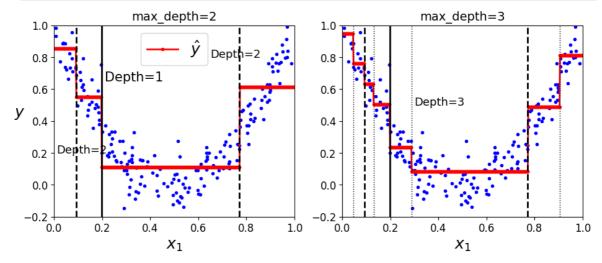
Ahora vamos a definir una función que nos va a ayudar a ver gráficamente como se construyen esos umbrales que vimos en las sesiones teóricas que aplica el árbol de decisión cuando se enfrenta a problemas de regresión

```
In [11]: def plot_regression_predictions(tree_reg, X, y, axes=[0, 1, -0.2, 1], ylabel="$y
    x1 = np.linspace(axes[0], axes[1], 500).reshape(-1, 1)
    y_pred = tree_reg.predict(x1)
    plt.axis(axes)
    plt.xlabel("$x_1$", fontsize=18)
    if ylabel:
        plt.ylabel(ylabel, fontsize=18, rotation=0)
    plt.plot(X, y, "b.")
    plt.plot(x1, y_pred, "r.-", linewidth=2, label=r"$\hat{y}$")
```

Le paseremos el modelo y los datos y nos pintará todo lo necesario, veámoslo en acción

```
In [12]: plt.figure(figsize=(11, 4))
  plt.subplot(121)
```

```
plot_regression_predictions(tree_reg, X, y)
for split, style in ((0.1973, "k-"), (0.0917, "k--"), (0.7718, "k--")):
    plt.plot([split, split], [-0.2, 1], style, linewidth=2)
plt.text(0.21, 0.65, "Depth=1", fontsize=15)
plt.text(0.01, 0.2, "Depth=2", fontsize=13)
plt.text(0.65, 0.8, "Depth=2", fontsize=13)
plt.legend(loc="upper center", fontsize=18)
plt.title("max_depth=2", fontsize=14)
plt.subplot(122)
plot_regression_predictions(tree_reg_bis, X, y, ylabel=None)
for split, style in ((0.1973, "k-"), (0.0917, "k--"), (0.7718, "k--")):
    plt.plot([split, split], [-0.2, 1], style, linewidth=2)
for split in (0.0458, 0.1298, 0.2873, 0.9040):
    plt.plot([split, split], [-0.2, 1], "k:", linewidth=1)
plt.text(0.3, 0.5, "Depth=3", fontsize=13)
plt.title("max_depth=3", fontsize=14)
plt.show()
```



Overfitting

Para termrminar, veamos la capacidad de hacer overfitting de los árboles, incluso los de regresión (recuerda el ejemplo del proceso de ML con el que comenzamos el módulo). Vamos a entrenar un modelo sin restricciones en el nivel de profundidad y otro sin restricciones en el nivel de profundidad pero sí en el mínimo número de elementos que tiene que tener una hoja.

Veamos que tal se comportan sus métricas en train y luego en cross-validation:

Sin límites, train error

```
In [14]: y_pred = tree_reg_limitless.predict(X)
    print("MAE:", mean_absolute_error(y, y_pred))
    print("RMSE:", np.sqrt(mean_squared_error(y, y_pred)))

MAE: 0.0
    RMSE: 0.0
In []:
```

Hmmm, sospechoso... ha sobreajustado.

Con minimo número de muestras por hoja, train error

```
In [15]: y_pred = tree_reg_min_leaf.predict(X)

print("MAE:", mean_absolute_error(y, y_pred))
print("RMSE:", np.sqrt(mean_squared_error(y, y_pred)))
```

MAE: 0.06938429475117905 RMSE: 0.08772030436846634

Sensiblemente mejor que los entrenados al principio, pero.... Veamos con CV

Score en validación cruzada

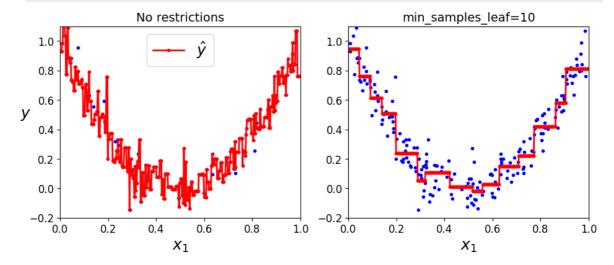
```
In [16]: level_2 = np.sqrt(-cross_val_score(tree_reg_limitless, X, y, cv = 5, scoring= "n
level_3 = np.sqrt(-cross_val_score(tree_reg_min_leaf, X, y, cv = 5, scoring = "n
print("Arbol a lo suyo:", level_2.mean())
print("Arbol con limite en las hojas:", level_3.mean())
```

Arbol a lo suyo: 0.1299083225118831 Arbol con limite en las hojas: 0.11286638978822128

Han empeorado, incluso el sin límites por debajo del que tiene las hojas restringidas a un mínimo y por debajo del arbol de tres niveles. Veamos como han escogido sus valores gráficamente:

```
In [17]: x1 = np.linspace(0, 1, 500).reshape(-1, 1)
         y pred1 = tree reg limitless.predict(x1)
         y_pred2 = tree_reg_min_leaf.predict(x1)
         plt.figure(figsize=(11, 4))
         plt.subplot(121)
         plt.plot(X, y, "b.")
         plt.plot(x1, y_pred1, "r.-", linewidth=2, label=r"$\hat{y}$")
         plt.axis([0, 1, -0.2, 1.1])
         plt.xlabel("$x_1$", fontsize=18)
         plt.ylabel("$y$", fontsize=18, rotation=0)
         plt.legend(loc="upper center", fontsize=18)
         plt.title("No restrictions", fontsize=14)
         plt.subplot(122)
         plt.plot(X, y, "b.")
         plt.plot(x1, y_pred2, "r.-", linewidth=2, label=r"$\hat{y}$")
         plt.axis([0, 1, -0.2, 1.1])
```

```
plt.xlabel("$x_1$", fontsize=18)
plt.title("min_samples_leaf={}".format(tree_reg_min_leaf.min_samples_leaf), font
```



El overfitting es clarísimo en la figura de la izquierda, mientras que en la derecha podemos ver un cierto sobreajuste pero una mejor selección de umbrales. La cuestión importante que se nos plantea con modelos como los árboles, que pueden ser muy interesantes, es ¿cuál es la combinación de hiperparámetros adecuada para obtener ese punto deseado de compromiso entre error de train y error de test, entre bias y variance?

In []: