



# Agrupamiento no supervisado de series de tiempo epidemiológicas de México entre 2005 y 2015

#### José Alberto Benavides Vázquez

MAESTRÍA EN INGENIERÍA CON ESPECIALIDAD EN INGENIERÍA DE SISTEMAS FACULTAD DE INGENIERÍA MECÁNICA Y ELÉCTRICA UNIVERSIDAD AUTÓNOMA DE NUEVO LEÓN

18 de septiembre de 2019

### Presentación en línea



https://tinyurl.com/yykpuh26

#### Contenido

- **Introducción**
- 2 Antecedentes
- Metodología
  - Obtención de los datos
  - Series de tiempo
  - Caracterización
  - Agrupamiento
- Resultados
- **6** Conclusiones

- Introducción
- 2 Antecedentes
- Metodología
  - Obtención de los datos
  - Series de tiempo
  - Caracterización
  - Agrupamiento
- Resultados
- 6 Conclusiones

## **Conceptos fundamentales**

### **Agrupar**

Reunir elementos con características en común

#### Serie de tiempo

- Observaciones tomadas en un tiempo determinado [5]
- Curva que cambia a lo largo del tiempo

### Semana epidemiológica

- Estándar médico de medición temporal [1]
- Primera semana epidemiológica termina el primer sábado de enero

#### CIE

- Clasificación Internacional de Enfermedades [45]
- Organización Mundial de la Salud

## **Hipótesis**

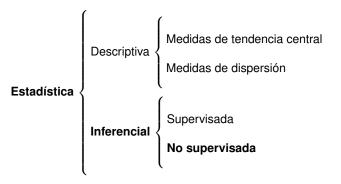
La agrupación a partir de las características de las series de tiempo de los registros semanales de morbilidad en México publicados entre 2005 y 2015 ofrece información estadísticamente significativa que permite describir dichos registros epidemiológicos con base en sus propiedades temporales para futuras investigaciones de interés general.

## **Objetivos**

- Proponer metodología para extraer y preparar datos
- Establecer procedimiento de preprocesamiento de datos
- Obtener características temporales representativas
- Describir los grupos generados

- Introducción
- 2 Antecedentes
- Metodología
  - Obtención de los datos
  - Series de tiempo
  - Caracterización
  - Agrupamiento
- Resultados
- Conclusiones

## Metodologías estadísticas



## Algoritmos de agrupamiento para series de tiempo (1979 a 2017)

		Artículos		
Métodos	k-medias	[3, 6, 11, 15, 20, 22, 23, 27, 28, 34, 39]		
	DTW	[17, 21, 26, 50]		
	ARMA	[3, 46, 47]		
	ARIMA	[7, 19]		
	Jerárquico	[35, 50]		
	Red compleja	[12]		
Entrada	ACF	[10, 11, 39, 44]		
	Wavelets	[23, 42, 49]		

- Introducción
- Antecedentes
- Metodología
  - Obtención de los datos
  - Series de tiempo
  - Caracterización
  - Agrupamiento
- Resultados
- Conclusiones

## Origen

#### Archivos en línea

- Secretaría de Salud de México
- Boletines epidemiológicos
- Medio oficial del Sistema Nacional de Vigilancia Epidemiológica [38]
- Publicación semanal (51 o 52 por año)
- Contienen entre 20 y 70 páginas

Obtención de los datos

#### Vigilancia Epidemiológica Semana 6, 2012

13

## CUADRO 5.1 Casos por entidad federativa de **Enfermedades Infecciosas** del Aparato Respiratorio hasta la semana epidemiológica 5; Influenza hasta la 6 del 2012

ENTIDAD FEDERATIVA	Neumonias y Bronconeumonias CIE-10° REV. J12-J18 excepto J18.2			Influenza (A H1N1) CIE-10° REV. J09			Influenza Estacional CIE-10* REV. J10-J11			
		2012		2011		2012		201	2	2011
	Sem. Acum.		Acum.	Sem.	Acum.		Acum.		Acum.	
	Sem.	М	F	Acum.	sem.	М	F	М	F	Acum.
Aguascalientes	79	170	233	677	17	27	19	1	1	5
Baja California	161	445	434	909	18	17	13	6	11	3
Baja California Sur	36	98	91	176	30	74	67	8	8	-
Campeche	20	50	48	86	8	11	16		3	
Coahuila	65	232	217	692	7	10	5			
Colima	48	100	111	207	30	50	69	1	1	6
Chiapas	73	160	179	343	21	60	78	9	7	1
Chihuahua	246	654	695	1 632	19	10	18	-	-	6
District Fortune	400	200	770	0.454	2.4	000	202	4.0	0.4	0.5
Distrito Federal	180	806	779	2 154	34	226	282	13	21	65
Durango	69	205	227	625	21	16	14	1	-	
Guanajuato	184	414	425	1 105	19	22	27	1	1	-
Cueren	no	210	104	417	اه	20	24	2	- 1	ا د ا

#### Descarga por wget

- Descarga iterativa de PDFs por patrones en URL, p. ej.: http://www.epidemiologia.salud.gob.mx/doctos/boletin/ 2008 sem25.pdf
- Tiempos de espera aleatorios entre peticiones para evitar rechazos de servidores
- Descarga manual (2013)
- Descarga de páginas JPG comprimidas en ZIP (2011)
- Creación de documento PDF con PDF Mergy [43] a partir de JPGs (2011)

#### **Dificultades**

- URL cambia con el tiempo
- Distintos extensiones de archivos (PDF, ZIP, JPG)
- Diferentes estilos de cuadros
- Formatos de números no estandarizados

#### Extracción

```
para cada directorio en año hacer
   para cada archivo en directorio hacer
       si termina con .pdf entonces
          leer páginas con PyPDF2 [30];
          para cada página en archivo hacer
              si contiene cuadro de interés entonces
                 extraer contenido con tabulapy [2];
                 extraer posiciones del contenido en JSON;
                 seleccionar pixeles de columnas de interés;
                 para cada columna en página hacer
                     ajustar anchos de columna:
                     leer filas;
                 fin
              fin
          fin
       fin
   fin
   exportar datos en CSV;
fin
```

#### Resultado

2006|02|Tabasco| 'Paratifoidea\r y otras salmonelosis\rCIE-10a REV.\rA01.1-A02'| '121'

784 660 registros

## Limpieza

#### awk y re (Fragmento)

```
for i in range(len(lines)):
  lines[i][1] = lines[i][1][-2:]
  lines[i][4] = str(lines[i][4])
  lines[i][4] = lines[i][4].replace("'", "")
  lines[i][4] = re.sub("^\s+", "", lines[i][4])
  if lines[i][4][0] is "-":
   lines[i][4] = "0"
  if " " in lines[i][4]:
    lines[i][4] = lines[i][4][:lines[i][4].find(" ")]
  lines[i][4] = lines[i][4].replace("n.e", "NA")
  lines[i][4] = lines[i][4].replace("n.d", "NA")
  lines[i][4] = lines[i][4].replace(".", "")
  lines[i][4] = lines[i][4].replace(" ", "")
  lines[i][3] = re.sub("\s+", " ", lines[i][3])
  lines[i][3] = re.sub("^{s+}", "", lines[i][3])
  lines[i][3] = lines[i][3].replace("'", "")
  lines[i][3] = lines[i][3].replace("\\r", "")
```

## Simplificación y resultado

## Resultados nacionales (23 722 registros)

Año	SE	Enfermedad	Casos	CIE
2013	37	Cólera	0	A01
2006	52	Mordeduras por otros mamíferos	117	W55
2014	20	Paludismo por P. Vivax	8	B51

#### Conversión

### Software para series de tiempo

- Python v3 [31]: Lenguaje de programación de alto nivel
- Pandas [25]: Python Data Analysis Library
- datetime [33]: Manipulación de fechas y horarios
- interpolate [24]: Interpolación por frecuencia semanal
- detrend [40]: Eliminación de la tendencia

#### Procedimiento (28 049 registros)

- Convertir años y semanas epidemiológicas a fechas
- Separar por CIE
- Aplicar frecuencias semanales
- Interpolar datos faltantes

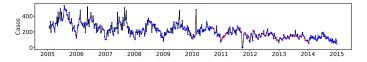


Figura: A03: Shigelosis.

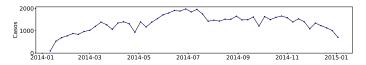


Figura: A02: Otras salmonelosis.

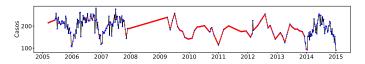


Figura: W55: Mordeduras por otros mamíferos.

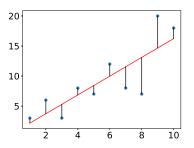
#### Filtro a decenios

#### Recuento de datos

- Extracción: 784 660 registros
- Limpieza: 23 722 registros y 140 enfermedades
- Interpolación: 28 049 registros y 140 enfermedades
- Filtro decenio: 26 242 registros y 41 enfermedades

## Regresión lineal

#### Recurso: linregress de la librería SciPy [41]



$$\hat{\mathbf{y}}(t,\omega) = \omega_0 + \omega_1 \mathbf{x}_1 + \ldots + \omega_t \mathbf{x}_t. \tag{1}$$

$$\min\left(\sum_{t}(y_t-\hat{y}_t)^2\right). \tag{2}$$

## Normalización por derechohabientes (INEGI)

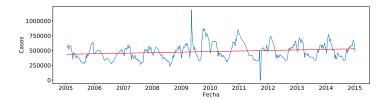


Figura: J00–J06: Infecciones respiratorias agudas sin normalizar.

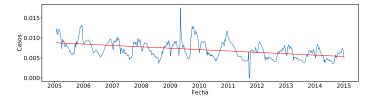


Figura: J00–J06: Infecciones respiratorias agudas normalizadas.

## 10 mayores de las 22 pendientes positivas significativas SIN NORMALIZAR

CIE	Enfermedad	Pendiente
J00-J06	Infecciones respiratorias agudas	$2.96\times10^{-13}$
A01-A03	Enfermedades infecciosas intestinales	$2.80\times10^{-14}$
T63.2	Intoxicación por veneno de escorpión	$5.54\times10^{-15}$
A01.0	Fiebre tifoidea	$1.39\times10^{-15}$
J12	Neumonías y bronconeumonías	$1.20 \times 10^{-15}$
A90	Dengue clásico	$7.21 \times 10^{-16}$
A05	Intoxicación alimentaria bacteriana	$5.22\times10^{-16}$
Z21	Infección asintomática por VIH	$2.38\times10^{-16}$
A51-A53	Sífilis adquirida	$1.13 \times 10^{-16}$
A15-A16	Tuberculosis respiratoria	$1.04\times10^{-16}$

## Enfermedades con pendiente positiva significativa

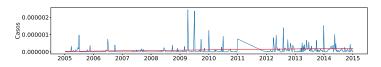


Figura: A37: Tos ferina.

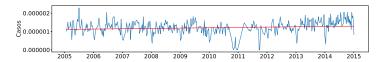


Figura: Z21: Infección asintomática por VIH.

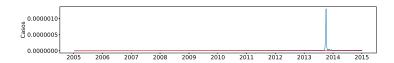


Figura: A00: Cólera.

#### Caso del cólera

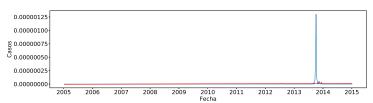


Figura: A00: Cólera.

- Estado de Hidalgo 2013
- Posible causa: Huracanes Ingrid y Manuel
- 95 % tenían cepa igual a países caribeños
- 5% tenían cepa igual al brote 1991–2001 en México

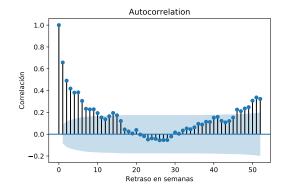
Caracterización

## **Autocorrelaciones**

Recurso: acf de la librería StatsModels [29]

$$\gamma_{x}(h) = \text{CoV}(X_{t+h}, X_{t})$$
 (3)

$$\hat{p}_x(h) = \frac{\gamma_x(h)}{\gamma_x(0)} = \text{Cor}(X_{t+h}, X_t). \tag{4}$$



#### k-medias

Recurso: k-means de scikit-learn [8]

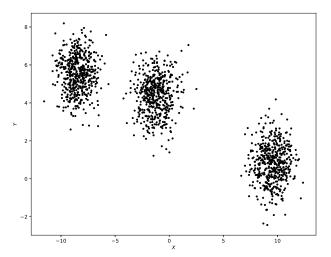
- $X = x_i, i = 1, ..., n$  puntos *d*-dimensionales
- $C = c_i, j = 1, \dots, k$  centroides
- $\mu_i$ : media de los puntos  $x_i \in c_i$

$$J(C) = \sum_{k=1}^{K} \sum_{x_i \in C_k} ||x_i - \mu_k||^2$$
 (5)

$$\min(J(C))$$
 (6)

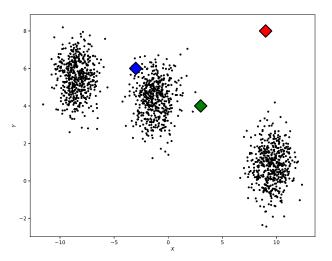
## **Algoritmo**

Seleccionar un número k de grupos.



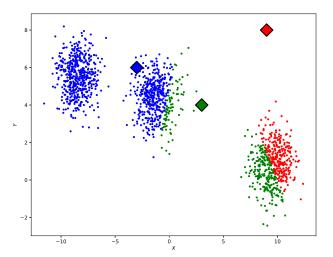
## **Algoritmo**

2 Posicionar centros uniformemente al azar.



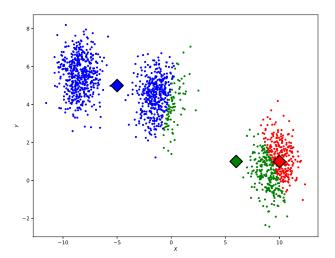
## **Algoritmo**

3 Asociar cada punto con el centroide  $C_i$  más cercano.



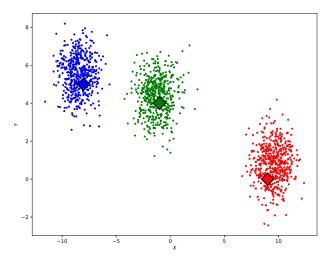
## **Algoritmo**

**1** Mover cada centroide  $C_i$  a la media  $\mu_i$  de cada grupo.



## **Algoritmo**

• Medir J(C) y si es menor que el anterior, repetir desde el paso 4 [4, 18].



## Error y método del codo

Recurso: kneedle [37]

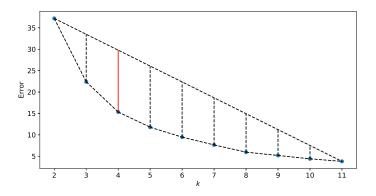


Figura: Selección de la cantidad de centros.

- Introducción
- 2 Antecedentes
- Metodología
  - Obtención de los datos
  - Series de tiempo
  - Caracterización
  - Agrupamiento
- Resultados
- Conclusiones

## Frecuencia y estadística descriptiva

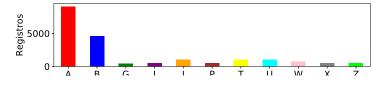


Figura: Registros por CIE general.

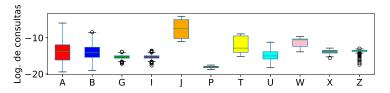


Figura: Logaritmo de número de consultas por CIE general.

# Intuición de resultados

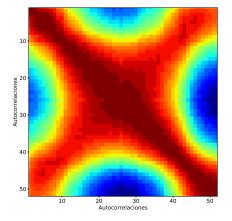


Figura: Matriz de correlación de características.

### Selección de características

Recurso: Umbral de varianza de scikit-learn [9]

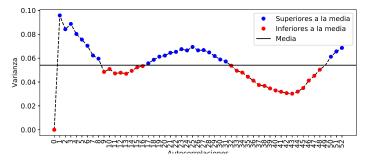


Figura: Selección de características por umbral de varianza.

# Representación bidimensional de grupos generados

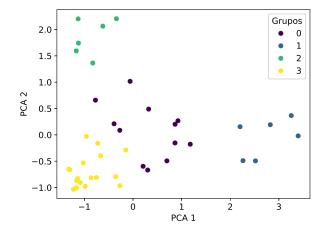
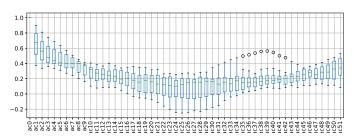
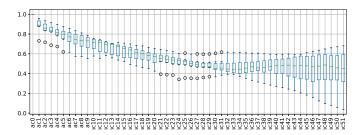


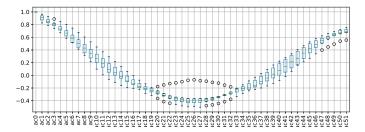
Figura: PCA de dos componentes principales.



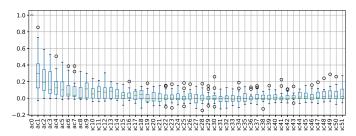
- Correlación significativa durante el primer bimestre
- Frecuencia anual.
- Tras ajuste, se puede pronosticar por modelos autorregresivos
- Contiene: Infecciosas intestinales, Fiebre tifoidea, Intoxicación alimentaria bacteriana, Tuberculosis respiratoria, Brucelosis, Escarlatina, Hepatitis vírica A, Hepatitis vírica B, Paludismo por p. vivax, Fiebre reumática aguda, Infecciones respiratorias agudas, Infección asintomática por VIH



- Correlaciones significativas durante el periodo
- Frecuencia anual y semestral
- Difícil de pronosticar
- Contiene: Paratifoidea, Shigelosis, Rubeola, Parotiditis infecciosa, Mordeduras por perro, Mordeduras por otros mamíferos



- Correlaciones significativas para el primer y último bimestre y semestre
- Frecuencia anual inversa a la semestral
- Contiene: Dengue clásico, Varicela, Neumonías y bronconeumonías, Intoxicación por plaguicidas, Intoxicación por veneno de escorpión, mordeduras por serpiente



- Serie estacionaria fácilmente pronosticable
- Se puede pronosticar por modelos autorregresivos
- Contiene: Cólera, Meningitis tuberculosa, Leptospirosis, Tétanos neonatal, Tétanos, Tos ferina, Meningitis meningocócica, Sífilis congénita, Sífilis adquirida, Infección gonocócica genitourinaria, Hepatitis vírica C, Sida, Paludismo por p. falciparum, Meningitis, Rubeola congénita, Enfermedad febril exantemática, Parálisis flácida aguda

- Introducción
- 2 Antecedentes
- **3** Metodología
  - Obtención de los datos
  - Series de tiempo
  - Caracterización
  - Agrupamiento
- Resultados
- **5** Conclusiones

#### **Conclusiones**

- Normalización por derechohabiencia elimina el crecimiento poblacional de los casos registrados de las enfermedades
- Tres enfermedades con tendencia positiva tras la normalización: la enfermedad asintomática del VIH, la tos ferina y el cólera
- Las autocorrelaciones como características de k-medias permiten agrupar series de tiempo con base en sus características temporales
- Las enfermedades contienen grupos estacionales y estacionarios

#### **Contribuciones**

- Metodología de preprocesamiento
- Limpieza por awk y expresiones regulares
- Definición de columnas por pixeles para extraer datos de cuadros
- Autocorrelaciones como características relevantes
- Agrupamiento permite visualización general de comportamientos temporales para que especialistas analicen sus relaciones y una intuición de patrones de comportamiento temporal

### Trabajo a futuro

- Comparación con otros algoritmos de agrupamiento
- Usar otras características y medidas de distancias
- Comparar con registros diarios de consultas
- Usar grupos resultantes para mejorar algoritmos de clasificación
- Comprobar si los síntomas de las enfermedades contenidas en los grupos guardan entre sí relaciones estadísticamente significativas
- Conocer relación entre número de consultas respecto a calidad del aire

# Gracias por su atención



https://tinyurl.com/yykpuh26 jose.benavidesvz@uanl.edu.mx

#### A: Enfermedades infecciosas y parasitarias

- Cólera
- Enfermedades infecciosas intestinales
- Fiebre tifoidea
- Paratifoidea
- Fiebre paratifoidea
- Shigelosis
- Intoxicación alimentaria bacteriana
- Tuberculosis respiratoria
- Meningitis tuberculosa
- Brucelosis
- Leptospirosis
- Tétanos neonatal
- Tétanos
- Tos ferina
- Escarlatina
- Meningitis meningocócica
- Sífilis congénita
- Sífilis adquirida
- Infección gonocócica genitourinaria
- Dengue clásico

#### B: Enfermedades infecciosas y parasitarias

- Varicela
- Rubeola

- Hepatitis vírica A
- Hepatitis vírica B
- Hepatitis vírica C
- Sida
- Parotiditis infecciosa
- Paludismo por p. falciparum
- Paludismo por p. vivax
- G: Enfermedades del sistema nervioso
  - Meningitis
- I: Enfermedades del sistema circulatorio
  - Fiebre reumática aguda
- J: Enfermedades del sistema respiratorio
  - Infecciones respiratorias agudas
  - Neumonías y bronconeumonías
- P: Enfermedades originadas en el periodo perinatal
  - Rubeola congénita
- T: Heridas y envenenamientos
  - Intoxicación por plaguicidas
  - Intoxicación por veneno de escorpión
  - Intoxicación por picadura de alacrán
- U:
  - Enfermedad febril exantemática

- Parálisis flácida aguda
- W: Causas externas de morbilidad y mortalidad
  - Mordeduras por perro
  - Mordeduras por otros mamíferos
- X: Causas externas de morbilidad y mortalidad
  - Mordeduras por serpiente
- Z: Factores que influyen en el estado de salud y el contacto con servicios de salud
  - Infección asintomática por VIH

- [1] Arias, J. R. (2006). What is an epidemiological week and why do we use them? *The Seeker*, 6(1):7.
- [2] Ariga, A. (2018). chezou/tabula-py: Simple wrapper of tabula-java: extract table from pdf into pandas dataframe.
  - https://github.com/chezou/tabula-py Accedido: 2018-07-01.
- [3] Bagnall, A. and Janacek, G. (2005). Clustering time series with clipped data. *Machine Learning*, 58(2):151–178.
- [4] Bishop, C. M. (2006). Pattern Recognition and Machine Learning. Springer, Singapore.
- [5] Brockwell, P. J. and Davis, R. A. (2016). Introduction to Time Series and Forecasting. Springer, Switzerland.
- [6] Chen, J. R. (2005). Making subsequence time series clustering meaningful. In Fifth IEEE International Conference on Data Mining.
- [7] Corduas, M. and Piccolo, D. (2008). Time series clustering and classification by the autoregressive metric. *Computational Statistics and Data Analysis*, 52(4):1860–1872.
- [8] Desarrolladores de scikit-learn (2019a). 2.3.2. k-means. https://scikit-learn.org/stable/modules/clustering. html#k-means Accedido: 2019-03-12.

[9] Desarrolladores de scikit-learn (2019b). sklearn.feature\_selection.variancethreshold.

```
https://scikit-learn.org/stable/modules/generatedsklearn.feature_selection.VarianceThreshold.html#sklearn.feature_selection.VarianceThreshold Accedido: 2019-03-22.
```

- [10] D'Urso, P. and Maharaj, E. A. (2009). Autocorrelation-based fuzzy clustering of time series. Fuzzy Sets and Systems, 160(24):3565–3589. Theme: Non-Linear Systems and Fuzzy Clustering.
- [11] Ernst, J., J. Nau, G., and Bar-Joseph, Z. (2005). Clustering short time series gene expression data. In *Proceedings of the Sixth ACM SIGKDD International Conference on Knowledge Discovery and Data Mining*, pages 285–289, New York. ACM.
- [12] Ferreira, L. N. and Zhao, L. (2015). Time Series Clustering via Community Detection in Networks. *arXiv e-prints*, 1:1–23.
- [13] Free Software Foundation (2011). Gawk–GNU Project–Free Software Foundation (FSF).

https://www.gnu.org/software/gawk/gawk.html Accedido: 02-02-2019.

- [14] Fulcher, B. D. and Jones, N. S. (2014). Highly comparative feature-based time-series classification. *IEEE Transactions on Knowledge* and Data Engineering, 26(12):3026–3037.
- [15] Hartigan, J. A. and Wong, M. A. (1979). Algorithm as 136: A k-means clustering algorithm. *Journal of the Royal Statistical Society. Series C* (Applied Statistics), 28(1):100–108.
- [16] Instituto nacional de estadística y geografía (2018). Población. http://www.beta.inegi.org.mx/temas/estructura/ Accedido: 2018-09-28.
- [17] Izakian, H., Pedrycz, W., and Jamal, I. (2015). Fuzzy clustering of time series data using dynamic time warping distance. *Engineering Applications of Artificial Intelligence*, 39:235–244.
- [18] Jain, A. (2010). Data clustering: 50 years beyond *k*-means. *Pattern Recognition Letters*, 31:651–666.
- [19] Kalpalis, K., Gada, D., and Puttagunta, V. (2001). Distance measures for effective clustering of arima time-series. In *Proceedings 2001 IEEE International Conference on Data Mining*, pages 273–280, California. IEEE.

- [20] Keogh, E. and Lin, J. (2005). Clustering of time-series subsequences is meaningless: implications for previous and future research. *Knowledge and Information Systems*, 8(2):154–177.
- [21] Keogh, E. J. and Pazzani, M. J. (2000). Scaling up dynamic time warping for datamining applications. In *Proceedings of the Sixth ACM SIGKDD International Conference on Knowledge Discovery and Data Mining*, pages 285–289, New York. ACM.
- [22] Lai, R. K., Fan, C.-Y., Huang, W.-H., and Chang, P.-C. (2009). Evolving and clustering fuzzy decision tree for financial time series data forecasting. *Expert Systems with Applications*, 36(2, Part 2):3761–3773.
- [23] Lin, J., Vlachos, M., Keogh, E., and Gunopulos, D. (2004). Iterative incremental clustering of time series. In *Advances in Database Technology*, pages 106–122, Berlin. Springer.
- [24] NumFOCUS (2019a). pandas.series.interpolate. https://pandas.pydata.org/pandas-docs/stable/reference/api/pandas.Series.interpolate.html Accedido: 2019-03-22.
- [25] NumFOCUS (2019b). Python data analysis library. https://pandas.pydata.org/ Accedido: 2019-04-07.

- [26] Oates, T. (1999). Identifying distinctive subsequences in multivariate time series by clustering. In *Proceedings of the Fifth ACM SIGKDD International Conference on Knowledge Discovery and Data Mining*, pages 322–326, New York, NY, USA. ACM.
- [27] Paparrizos, J. and Gravano, L. (2015). k-shape: Efficient and accurate clustering of time series. In *Proceedings of the 2015 ACM SIGMOD International Conference on Management of Data*, SIGMOD '15, pages 1855–1870, New York, NY, USA. ACM.
- [28] Paparrizos, J. and Gravano, L. (2017). Fast and accurate time-series clustering. *ACM Transactions Database Systems*, 42(2):8:1–8:49.
- [29] Perktold, J., Seabold, S., and Taylor, J. (2019). statsmodels.tsa.stattools.acf. https://www.statsmodels.org/dev/generated/statsmodels.tsa.stattools.acf.html Accedido: 2019-04-07.
- [30] Phaseit Inc. and Mathieu Fenniak (2016). PyPDF2 Documentation. https://pythonhosted.org/PyPDF2/?utm\_source=recordnotfound.com Accedido: 02-07-2018.
- [31] Phython Software Foundation (2018a). Python 3.7.0. https://www.python.org/downloads/release/python-370/Accedido: 2018-08-13.

- [32] Phython Software Foundation (2018b). re Regular expression operations. https://docs.python.org/3.7/library/re.html Accedido: 2018-08-13.
- [33] Python Software Foundation (2019). datetime basic date and time types. https://docs.python.org/3.8/library/datetime.html Accedido: 2019-04-07.
- [34] Ratanamahatana, C., Keogh, E., Bagnall, A. J., and Lonardi, S. (2005). A novel bit level time series representation with implication of similarity search and clustering. In *Advances in Knowledge Discovery and Data Mining*, pages 771–777, Berlin. Springer.
- [35] Rodrigues, P. P., Gama, J., and Pedroso, J. P. (2008). Hierarchical clustering of time-series data streams. *IEEE Transactions on Knowledge* and Data Engineering, 20(5):615–627.
- [36] Salvador, S. and Chan, P. (2004). Determining the number of clusters/segments in hierarchical clustering/segmentation algorithms. In 16th IEEE International Conference on Tools with Artificial Intelligence, pages 576–584.

- [37] Satopää, V., Albrecht, J., Irwin, D., and Raghavan, B. (2011). Finding a "kneedle" in a haystack: Detecting knee points in system behavior. In 2011 31st International Conference on Distributed Computing Systems Workshops, pages 166–171.
- [38] Secretaría de Salud (2016). Boletín Epidemiológico Sistema Nacional de Vigilancia Epidemiológica Sistema Único de Información.

  https://www.gob.mx/salud/acciones-y-programas/

direccion-general-de-epidemiologia-boletin-epidemiologico Accedido: 2019-05-23.

- [39] Singhal, A. and Seborg, D. (2002). Clustering of multivariate time-series data. In *Proceedings of the 2002 American Control Conference*, pages 273–280, Arkansas. IEEE.
- [40] The SciPy community (2019a). scipy.signal.detrend. https://docs.scipy.org/doc/scipy/reference/generated/ scipy.signal.detrend.html Accedido: 2019-04-07.
- [41] The SciPy community (2019b). scipy.stats.linregress scipy v1.2.1 reference guide. https://docs.scipy.org/doc/scipy/reference/generated/scipy.stats.linregress.html Accedido: 04-07-2019.

- [42] Vlachos, M., Lin, J., Keogh, E., and Gunopulos, D. (2003). A wavelet-based anytime algorithm for k-means clustering of time series. Proceedings Workshop on Clustering High Dimensionality Data and its Applications, pages 1–12.
- [43] w69b (2018). PDF Mergy WebApp to merge PDF files. https://pdfmerge.w69b.com/ Accedido: 2018-11-23.
- [44] Wang, X., Smith, K., and Hyndman, R. (2006). Characteristic-based clustering for time series data. *Data Mining and Knowledge Discovery*, 13(3):335–364.
- [45] World Health Organization (2018). WHO International Classification of Diseases, 11th Revision (ICD-11).
  - http://www.who.int/classifications/icd/en/ Accedido: 2018-09-30.
- [46] Xiong, Y. and Yeung, D.-Y. (2002). Mixtures of ARMA Models for Model-Based Time Series Clustering. In 2002 IEEE International Conference on Data Mining, pages 717–720, Maebashi. IEEE.
- [47] Xiong, Y. and Yeung, D.-Y. (2004). Time series clustering with ARMA mixtures. *Pattern Recognition*, 37(8):1675–1689.

- [48] Yildiz, B., Kaiser, K., and Miksch, S. (2005). pdf2table: A method to extract table information from pdf files. In *Indian International Conference* on Artificial Intelligence.
- [49] Zhang, H., Ho, T., Zhang, Y., and Lin, S. (2006). Unsupervised feature extraction for time series clustering using orthogonal wavelet transform. *Informatica (Slovenia)*, 30:305–319.
- [50] Zhang, X., Liu, J., Du, Y., and Lv, T. (2011). A novel clustering method on time series data. *Expert Systems with Applications*, 38(9):11891–11900.