

# PROYECTO 14-INV-323

Evaluación de las proteínas del ciclo celular en el cáncer de pene

INFORME FINAL

*# Librerías*

```
library(simpleRspa)
```

*# Opciones globales*

```
opts_chunk$set(message = FALSE, warning = FALSE, fig.height
```

*# Datos y guiones*

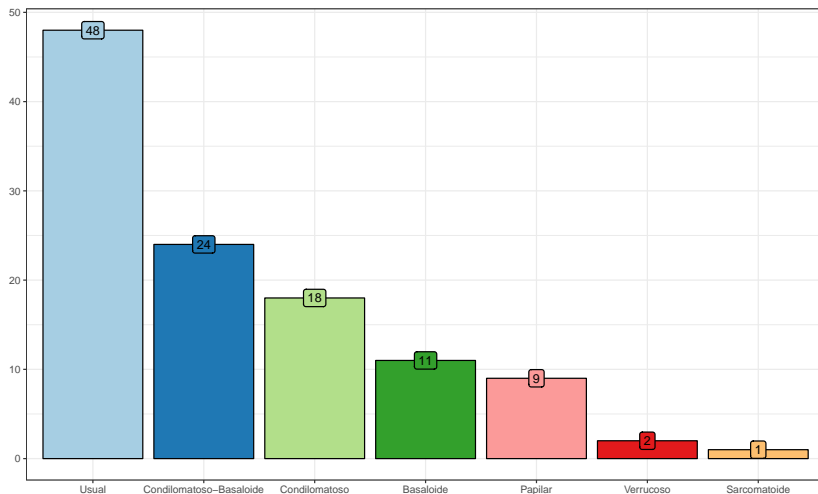
```
load("../Data/323.Rdata")
```

# Estadística descriptiva

## Evaluación anatomopatológica

# Subtipos histológicos

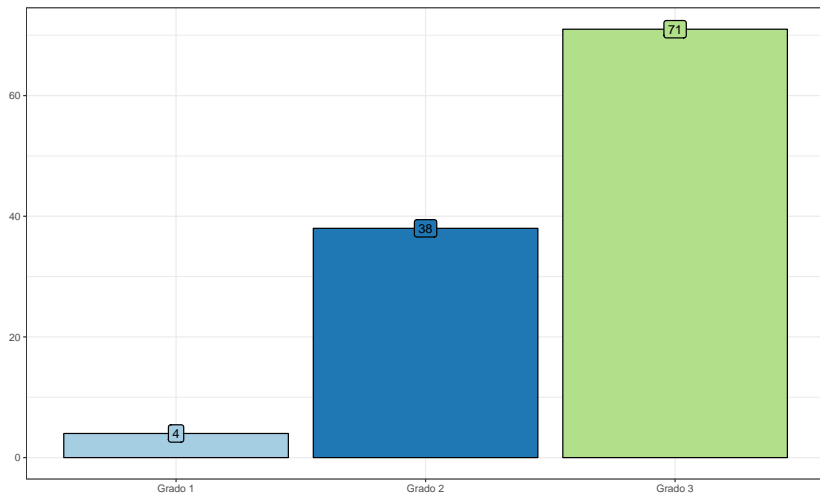
```
x <- DF_sum$subtipo  
g_nice(x)
```



```
tbl_nice(x)
```

# Grados histológicos

```
x <- DF_sum$grado  
g_nice(x)
```



```
tbl_nice(x)
```

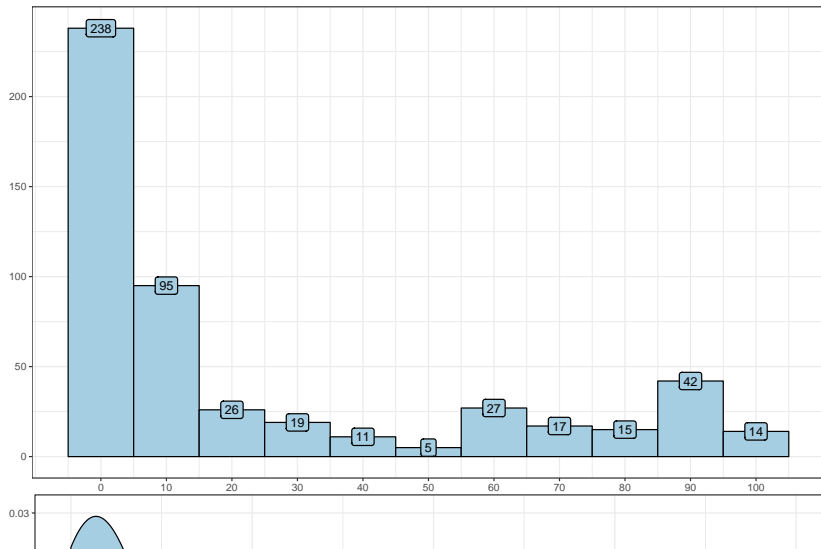


Inspección visual



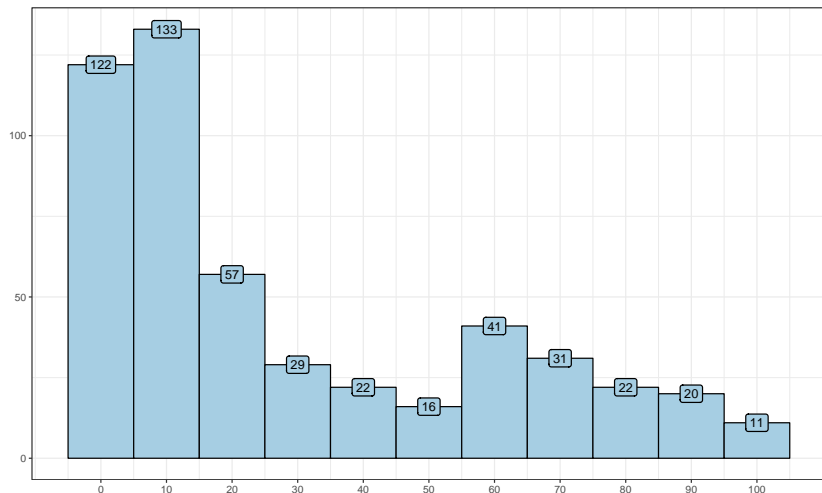
# Expresión de p53

```
x <- DF$p53v  
g_nice(x, bin = 10, max_break = 100)
```



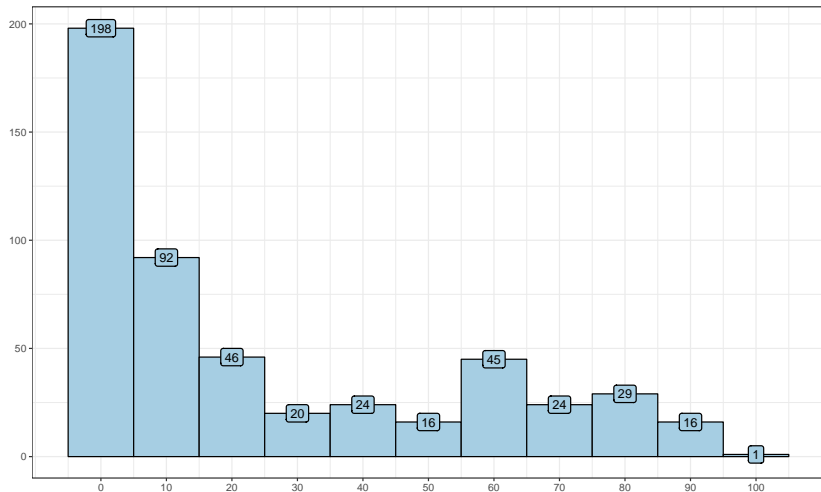
# Expresión de Ki67

```
x <- DF$k67v  
g_nice(x, bin = 10, max_break = 100)
```



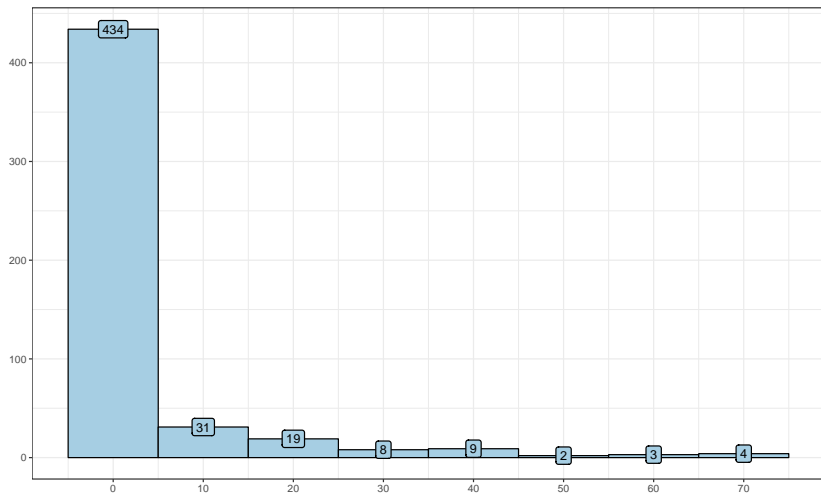
# Expresión de Ciclina D1

```
x <- DF$cd1v  
g_nice(x, bin = 10, max_break = 100)
```



# Expresión de MDM2

```
x <- DF$m2v  
g_nice(x, bin = 10, max_break = 100)
```

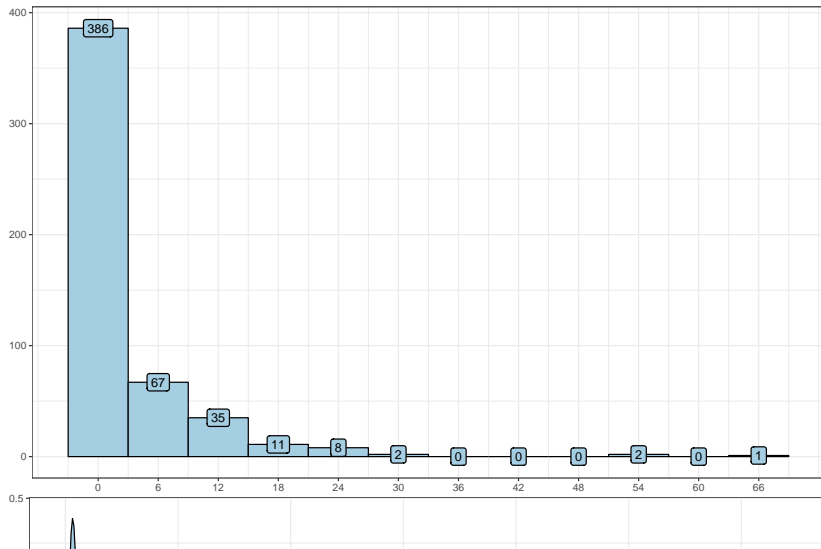




Evaluación digital

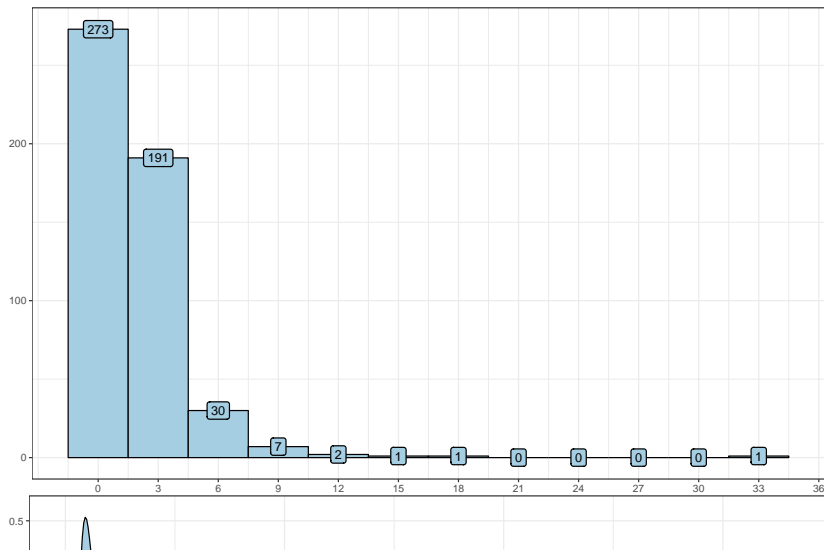
# Expresión de p53

```
x <- DF$p53d  
g_nice(x, max_break = 70)
```



# Expresión de Ki67

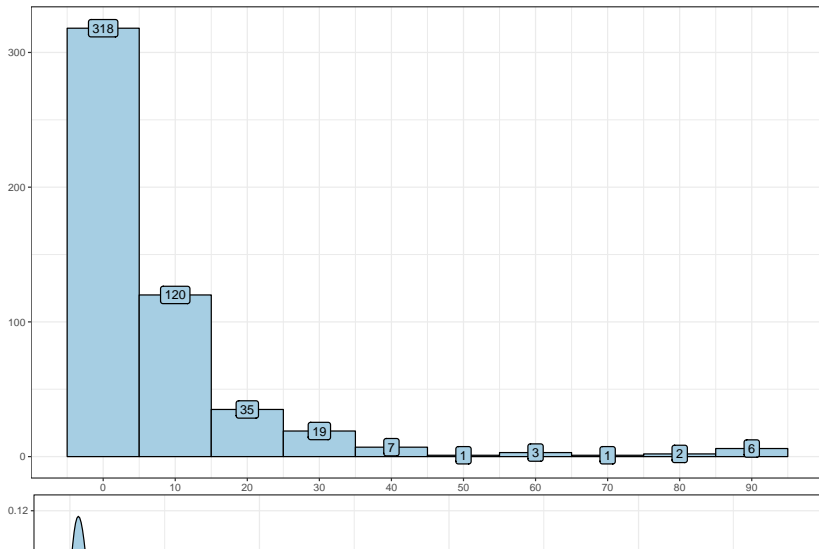
```
x <- DF$k67d  
g_nice(x, max_break = 40)
```





# Expresión de Ciclina D1

```
x <- DF$cd1d  
g_nice(x, bin = 10)
```



## Expresión de MDM2

```
x <- DF$m2d  
g_nice(x, bin = 1, max_break = 8)
```

