Analisi Esplorativa (Analisi Statistica Multivariata)

Prova d'esame (simulazione)

25 Gennaio 2022

Tempo a disposizione: 150 minuti

Modalità di consegna: svolgere gli esercizi di teoria (parte A) riportando le soluzioni sul foglio protocollo, e consegnare il foglio protocollo assieme al testo della prova d'esame. Successivamente, accedere alla piattaforma esamionline tramite computer e svolgere gli esercizi di analisi dei dati (parte B). In questo caso la consegna si svolge tramite piattaforma esamionline. Il tempo da dedicare alla parte A e alla parte B è a discrezione dello studente.

Compilare con nome, cognome e numero di matricola. E' obbligatorio consegnare il testo della prova d'esame all'interno del foglio protocollo contente le soluzioni degli esercizi di teoria.

NOME:

COGNOME:

MATRICOLA:

PARTE A: esercizi di teoria

Esercizi da svolgere sul foglio protocollo senza l'ausilio di R/Rstudio.

Problema 1

1. Trovare la matrice di varianza e covarianza per le variabili standardizzate z_1, z_2, z_3 corrispondente al seguente modello fattoriale

$$z_1 = 0.9f + u_1$$
$$z_2 = 0.7f + u_2$$
$$z_3 = 0.5f + u_3$$

dove Var(f) = 1, Cov(u, f) = 0 e

$$\Psi = \mathbb{C}\text{ov}(u) = \begin{bmatrix} 0.19 & 0 & 0\\ 0 & 0.51 & 0\\ 0 & 0 & 0.75 \end{bmatrix}$$

Calcolare le comunalità e $\mathbb{C}orr(z_i, f), i = 1, 2, 3$

- 2. Si dimostri che una matrice quadrata $\underset{n \times n}{A}$ idempotente ha autovalori $\lambda_i \in \{0,1\}$ per $i=1,\ldots,n$.
- 3. Supponiamo che alla matrice dei dati $X_{n \times p}$ sia associata la varianze/covarianze $S = diag(s_{11}, \ldots, s_{pp})$ con $s_{11} \geq \ldots \geq s_{pp} > 0$. Per questa particolare matrice di varianze/covarianze, ha senso effettuare l'analisi delle componenti principali basata sulla corrispondente matrice di correlazione R? E l'analisi fattoriale basata sulle variabili standarizzate? Giustificare le risposte.

PARTE B: esercizi di analisi dei dati

Esercizi da svolgere con il computer sulla piattaforma esamionline con l'ausilio di R/Rstudio.

Problema 2

[1] 1.33

Si consideri il dataset state.x77 presente nella libreria datasets. Questo dataset descrive 50 stati degli Stati Uniti d'America rispetto alle seguenti 8 variabili:

- Population Popolazione (in migliaia)
- Income Reddito (in dollari pro capita)
- Illiterarcy Analfabetismo (Percentuale della popolazione)
- Life Exp Aspettativa di vita alla nascita (in anni)
- Murder Numero di omicidi per 100,000 abitanti
- HS Grad Percentuale di adulti diplomati
- Frost Numero medio di giorni freddi all'anno con temperature sotto lo zero
- Area Superficie (in miglia quadrate)
- 1. Sia X la matrice 50×8 corrispondente al dataset state.x77. Calcolare, riportando tutti i risultati arrotondando al secondo decimale (si ricordi l'uso della virgola per i decimali)
 - a. la lunghezza del vettore scarto dalla media \tilde{x}_2 (variabile Income);
 - b. il coseno dell'angolo (espresso in radianti) compreso tra \tilde{x}_1 e \tilde{x}_2 (variabili Population e Income);
 - c. Calcolare l'elemento di posizione [2, 2] (riga 2, colonna 2) della matrice $R^{-1/2}$, dove R indica la matrice di correlazione associata a X.

```
rm(list=ls())
X = state.x77
n = nrow(X)
p = ncol(X)
Xtilde = scale(X, center=TRUE, scale=FALSE)[,]
a = sqrt(crossprod(Xtilde[,2]))
round(a,2)
##
           [,1]
## [1,] 4301.29
# 1.b
R = cor(X)
b = R[1,2]
round(b,2)
## [1] 0.21
# 1.c
V = eigen(R)$vectors
lambdas = eigen(R)$values
c = V %*% diag(1/sqrt(lambdas)) %*% t(V)
round(c[2,2],2)
```

2. Calcolare il numero di osservazioni anomale verificando se la distanza di Mahalanobis al quadrato di ciascuna osservazione dal baricento è superiore alla soglia s, dove s corrisponde al quantile 0.95 di una variabile casuale χ^2_p (dove p è il numero di colonne di X).

```
xbar = matrix(colMeans(X), nrow=p, ncol=1)
S = var(X) * ((n-1)/n)
InvS = solve(S)
dM2 = apply(X,MARGIN=1, function(u) t(u-xbar) %*% InvS %*% (u - xbar))
s = qchisq(0.95, df=p)
sum(dM2 > s)
```

3. Rimuovere da X le osservazioni anomale individuate al punto precedente e svolgere l'analisi delle componenti principali, decidendo opportunamente se basarla sui dati originali o sui dati standardizzati. Calcolare la correlazione in valore assoluto tra il vettore dei punteggi y_1 della prima componente principale e la variabile Area (standardizzata oppure no a seconda della scelta effettuata). Riportare il risultato arrotondando al **terzo decimale** (si ricordi l'uso della **virgola** per i decimali).

```
# 3
out = which(dM2 > s)
X_no_out = X[-out, ]
R_no_out = cor(X_no_out)
V_no_out = eigen(R_no_out)$vector
lambdas_no_out = eigen(R_no_out)$values
round( abs( sqrt(lambdas_no_out[1]) * V_no_out[8,1] ), 3)
```

[1] 0.025

[1] 4

4. Si supponga di aggiungere al dataset X considerato al punto 1. una nuova variabile: Density = Population / Area. Riportare il numero di colonne linearmente indipendenti per il nuovo dataset.

```
Density = X[,"Population"] / X[,"Area"]
Xnew = cbind(X,Density )
qr(Xnew)$rank
```

[1] 9

Problema 3

Si consideri il dataset state.center (anch'esso presente nella libreria datasets), che riporta la longitudine (con segno negativo, variabile x) e la latitudine (variabile y) del centro geografico di ogni stato considerato nel Problema 2 (tranne che per l'Alaska e le Hawaii, che sono messe artificialmente da qualche parte a ovest della costa).

1. Calcolare la matrice *D* delle distanze Euclidee tra gli Stati, e riportare il valore della distanza (non nulla) più piccola, arrotondando al **terzo decimale** (si ricordi l'uso della **virgola** per i decimali).

[1] 0.896

- 2. Utilizzare l'algoritmo agglomerativo gerarchico con il legame singolo. Decidere il numero di gruppi K ottimale secondo il criterio della silhouette, per $K=2,\ldots,20$. Riportare
 - a. il numero di gruppi K ottimale;
 - b. il valore medio della *silhouette* corrispondente alla scelta effettuata, arrotondando al **terzo decimale** (si ricordi l'uso della **virgola** per i decimali).

```
require(cluster)

## Loading required package: cluster

sil_media <- vector()

Ks = 2:20

for (k in Ks){
    hc = hclust(D, method="single")
    gruppi = cutree(hc, k=k)
    sil_media[k-1] <- summary(silhouette(gruppi, dist=D))$avg.width
}
k.opt<-Ks[which.max(sil_media)]
k.opt

## [1] 4

round( max(sil_media), 3)</pre>
```

[1] 0.414

3. Riportare i comandi R per visualizzare il diagramma di dispersione delle variabili latitutine e longitudine, colorandogli Stati secondo l'attribuzione in gruppi ottenuta al punto precedente. Il codice R deve essere riproducibile, ovvero se eseguito da cima a fondo non deve produrre errori. Questo implica che bisogna iniziare dall'import dei dati, caricare le opportune librerie, etc.

