

## Coneixements adquirits

Personalment aquesta assignatura m'ha ajudat a ampliar els meus coneixements en bioinformàtica en general i això m'ha servit per poder resoldre problemes relacionats amb aquesta. Pel que fa a Linux m'ha servit per sentir-me més còmode al utilitzar aquest sistema operatiu, ja que, normalment utilitzo Windows. A més, també he après lo bàsic entorn a la línia de comandes, com ara, a navegar per les carpetes.

Un altre aspecte a destacar ha sigut l'ús de conda, ja que, era el primer cop que treballava amb un sistema de codi obert que em permetia tenir uns paquets instal·lats o uns altres depenent de la tasca que volia realitzar. També era el primer cop que utilitzava Overleaf i Jupyter Notebook, que ens permeten integrar informació de diferent tipus en un mateix espai per tal de visualitzar conjuntament diferents formats, com ara; textos, gràfics, imatges, línies de codi, etc. A més a més, he après a fer gràfics útils amb R per visualitzar i entendre la informació obtinguda, cosa que segurament, utilitzaré en un futur.

Aquesta assignatura m'ha permès veure tot el procés d'obtenir resultats d'un anàlisi bioinformàtic a partir de dades crues i posteriorment buscar una relació entre els gens o SNPs obtinguts i les malalties associades. Pel que fa als reports ens han permès sintetitzar tot el procediment de les pràctiques i entendre millor les mateixes i els seus resultats.

Finalment, les xerrades m'han servit per tenir una visió més ampla del que es la bioinformàtica a l'actualitat i en quines àrees es pot aplicar. A més a més, veure grups actuals de recerca utilitzant les tècniques explicades a classe m'ha permès visualitzar una aplicació real dels coneixements adquirits a l'assignatura.