Trabalho de Implementação I

Alek Frohlich e Gabriel B. Sant'Anna Versão v1.0 Domingo, 19 de Maio de 2019

Trabalho de Implementação I - Processamento de XML com imagens binárias

Trabalho de Implementação I - Processamento de XML com imagens binárias

Objetivo

Este trabalho consiste na utilização de **estruturas de dados lineares**, vistas até o momento no curso, e aplicação de conceitos de **pilha** e/ou **fila** para o processamento de arquivos **XML** contendo **imagens binárias**. A implementação deverá resolver dois problemas (listados a seguir), e os resultados deverão ser formatados em saída padrão de tela de modo que possam ser automaticamente avaliados no VPL.

Primeiro problema: validação de arquivo XML

Para esta parte, pede-se exclusivamente a **verificação de aninhamento e fechamento das marcações** (tags) no arquivo XML (qualquer outra fonte de erro pode ser ignorada). Um identificador (por exemplo: img) constitui uma marcação entre os caracteres < e > , podendo ser de abertura (por exemplo:) ou de fechamento com uma / antes do identificador (por exemplo:).

Como apresentando em sala de aula, o algoritmo para resolver este problema é baseado em pilha (**LIFO**):

- Ao encontrar uma marcação de abertura, empilha o identificador.
- Ao encontrar uma marcação de fechamento, verifica se o topo da pilha tem o mesmo identificador e desempilha. Aqui duas situações de erro podem ocorrer:
 - Ao consultar o topo, o identificador é diferente (ou seja, uma marcação aberta deveria ter sido fechada antes);
- Ao finalizar a análise (parser) do arquivo, é necessário que a pilha esteja vazia. Caso não esteja, mais uma situação de erro ocorre, ou seja, há marcação sem fechamento.

Segundo problema: contagem de componentes conexos em imagens binárias representadas em arquivo XML

Cada XML contém imagens binárias, com altura e largura definidas respectivamente pelas marcações <height> e <width> , e sequência dos pixels com valores binários, de intensidade **0 para preto** ou **1 para branco** , em modo texto (embora fosse melhor gravar 1 byte a cada 8 bits, optou-se pelo modo texto por simplicidade), na marcação <data> .

Para cada uma dessas imagens, pretende-se **calcular o número de componentes conexos** usando **vizinhança-4** . Para isso, seguem algumas definições importantes:

A *vizinhança-4* de um pixel na linha x coluna y, ou seja, na coordenada (x, y), é um conjunto de pixels adjacentes nas coordenadas:

$$(x, y+1)$$

 $(x-1, y)$ $(x+1, y)$
 $(x, y-1)$

- Um *caminho* entre um um pixel p_1 e outro p_n é uma sequência de pixels distintos $\langle \mathbf{p_1}, \mathbf{p_2}, ..., \mathbf{p_n} \rangle$, de modo que p_i é **vizinho-4** de p_{i+1} ; sendo i=1,2,...,n-1
- Um pixel p é **conexo** a um pixel q se existir um **caminho** de p a q (no contexto deste trabalho, só há interesse em pixels com intensidade 1, ou seja, brancos).
- Um *componente conexo* é um *conjunto maximal* (não há outro maior que o contenha) C de pixels, no qual **quaisquer dois pixels** selecionados deste conjunto C são **conexos**.

Para determinação da quantidade de componentes conexos, antes é necessário atribuir um **rótulo** inteiro e crescente (1, 2, ...) para cada pixel de cada componente conexo. Conforme apresentado em aula, segue o algoritmo de rotulação (*labeling*) usando uma fila (**FIFO**):

- □ Inicializar rótulo com 1.
- © Criar uma matriz R de zeros com o mesmo tamanho da matriz de entrada E lida.
- Varrer a matriz de entrada
 E .
 - - □ Inserir (x, y) na fila.
 - ∞ Na coordenada (x, y) da imagem R, atribuir o rótulo atual.
 - Enquanto a fila não estiver vazia:
 - ∞ Remover (x, y) da fila.
 - Inserir na fila as coordenadas dos quatro vizinhos que estejam dentro do domínio da imagem (não pode ter coordenada negativa ou superar o número de linhas ou de colunas), com intensidade 1 (em E) e ainda não tenha sido visitado (igual a 0 em R).
 - Na coordenada de cada vizinho selecionado, na imagem R, atribuir o rótulo atual.
 - □ Incrementar o rótulo.
- O conteúdo final da matriz R corresponde ao resultado da rotulação. A **quantidade de componentes conexos**, que é a resposta do segundo problema, é igual ao último e **maior** *rótulo* **atribuído**.

Índice

1. Lista de namespaces

- 1.1. math (Código de natureza matemática)
- 1.2. **structures (Estruturas de Dados)**
- 1.3. <u>xml</u> (Utilitários para processamento de XML)

2. Lista de componentes

- 2.1. $\underline{\text{structures::LinkedQueue} < T > (Fila Encadeada)}$
- 2.2. <u>structures::LinkedStack< T > (Pilha Encadeada)</u>

3. Lista de arquivos

- 3.1. <u>linked queue.h</u> (Arquivo de declarações e interface da Fila Encadeada)
- 3.2. <u>linked queue.inc</u> (Implementações da Fila Encadeada)
- 3.3. <u>linked_stack.h</u> (Declarações e interface da Pilha Encadeada)
- 3.4. <u>linked stack.inc</u> (Implementações da Pilha Encadeada)
- 3.5. <u>main.cpp</u> (Código do programa principal)
- 3.6. <u>matrix.cpp</u> (Implementação das funções de processamento de matrizes)
- 3.7. <u>matrix.h</u> (Declarações das funções de processamento de matrizes)
- 3.8. <u>xml.cpp</u> (Implementação das funções de processamento de XML)
- 3.9. xml.h (Declarações das funções de processamento de XML)

Documentação dos namespaces

Lista dos namespaces utilizados com uma breve descrição de seus respectivos métodos:

Referência ao namespace math

Código de natureza matemática. Aqui consta a parte do código responsável por gerenciar a memória de matrizes alocadas através de sua interface. Além disso, o namespace math também disponibiliza a função fundamental para a solução do segundo problema, a contagem de componentes conexos dentro de uma imagem binária, cuja representação aqui é feita através de matrizes.

Funções:

- int ** matrix_init (int height, int width)
 Inicializa uma matriz com as dimensões especificadas.
- void <u>matrix_destroy</u> (int **M, int height)
 Destrói uma matriz e libera a memória que ela ocupava.
- o int <u>count_shapes</u> (int **E, int height, int width)

 Calcula o número de componentes conexos na matriz usando vizinhança-4.

Documentação das funções

int math::count_shapes (int ** E, int height, int width)

Calcula o número de componentes conexos na matriz usando vizinhança-4.

Utiliza a técnica de rotulação de formas, para tal criando uma matriz temporária do mesmo tamanho da de entrada: este algoritmo utiliza memória na ordem $\Theta(wh)$, onde w e h representam, width e height respectivamente.

Cada "pixel" é processado em uma fila (FIFO) de tamanho dinâmico, assim como seus vizinhos e assim por diante até percorrer todos os caminhos do componente.

Parâmetros:

E	Matriz de entrada.
height	Número de linhas da matriz.
width	Número de colunas da matriz.

Retorna:

Um inteiro indicando o número de componentes conexos (formas) encontrados. Zero implica que a matriz é nula/vazia.

Definido na linha 38 do arquivo matrix.cpp.

Referenciado por main().

void math::matrix_destroy (int ** M, int height)

Destrói uma matriz e libera a memória que ela ocupava.

Parâmetros:

M	Matriz anteriormente inicializada por matrix init().
height	Número de linhas da matriz. Deve ser o mesmo valor usado em sua
	inicialização.

Definido na linha 32 do arquivo matrix.cpp.

Referenciado por count shapes() e main().

int ** math::matrix_init (int height, int width)

Inicializa uma matriz com as dimensões especificadas.

A matriz é dada na forma de um array de arrays onde todos os elementos são inicializados com zero, uma matriz nula.

Parâmetros:

height	Número de linhas da matriz.
width	Número de colunas da matriz.

Retorna:

int** Matriz gerada. Deve ser destruído com <u>matrix_destroy()</u> para liberar a memória alocada. Definido na linha 21 do arquivo matrix.cpp.

Referenciado por count shapes() e matrix init().

Referência ao namespace structures

structures Estruturas de Dados.

Componentes

Descrição detalhada

Estruturas de Dados.

Referência ao namespace xml

xml

Utilitários para processamento de XML.

Funções

- bool <u>balanced</u> (const std::string &xml)
 Confere a validez da estrutura do XML contido na string.
- std::string extract (const std::string &origin, const std::string &open, const std::string &close, std::size t &from)

Extrai, a partir de uma string original, a substring que existir entre o primeiro par de delimitadores encontrados a partir de uma dada posição.

std::string extract (const std::string &origin, const std::string &open, const std::string &close)

Extrai, a partir de uma string original, a substring que existir entre o primeiro par de delimitadores encontrados.

Descrição detalhada

Utilitários para processamento de XML.

Documentação das funções

xml:balanced bool xml::balanced (const std::string & xml)

Confere a validez da estrutura do XML contido na string.

A validação consiste em verificar se as tags estão balanceadas, ou seja, se para cada tag fechada houve seu par de abertura como última tag processada; e se todas as tags abertas foram devidamente fechadas. Para tal, este algoritmo utiliza uma pilha (LIFO) de tamanho dinâmico.

Parâmetros:

xml String contendo o XML.

Retorna:

true Tags estão balanceadas.

false Tags não estão balanceadas.

Definido na linha 21 do arquivo xml.cpp.

Referenciado por main().

extract:xmlxml:extractstd::string xml::extract (const std::string & origin, const std::string & open, const std::string & close, std::size_t & from)

Extrai, a partir de uma string original, a substring que existir entre o primeiro par de delimitadores encontrados a partir de uma dada posição.

Parâmetros:

origin	String original.
open	Delimitador de abertura.
close	Delimitador de fechamento.
from	Índice por onde iniciar a busca na string original, este será alterado para a
	posição após o final do delimitador de fechamento encontrado. Se nada for
	encontrado, recebe o valor de std::string::npos.

Retorna:

std::string String extraída (sem os delimitadores), vazia quando nada for encontrado.

Definido na linha 62 do arquivo xml.cpp.

Referenciado por extract() e main().

extract:xmlxml:extractstd::string xml::extract (const std::string & origin, const std::string & open, const std::string & close)

Extrai, a partir de uma string original, a substring que existir entre o primeiro par de delimitadores encontrados.

Parâmetros:

origin	String original.
open	Delimitador de abertura.
close	Delimitador de fechamento.

Retorna:

std::string String extraída (sem os delimitadores), vazia quando nada for encontrado. Definido na linha 79 do arquivo xml.cpp.

Documentação da classe

Lista de classes, estruturas, uniões e interfaces com uma breve descrição:

Referência à classe Template structures::LinkedQueue< T >

structures::LinkedQueue< T >structures::LinkedQueue< T > Fila Encadeada.

Membros públicos

- ∞ <u>~LinkedQueue</u> () *Destrutor*.
- void <u>clear</u> ()
 Limpa a Fila.
- void <u>enqueue</u> (const T &data)
 Enfileira.
- T & <u>front</u> () const Acessa a frente da Fila.
- T & back () const
 Acessa o último da Fila.
- ∞ bool empty () constConfere se a Fila está vazia.
- std::size_t size () const
 Retorna o tamanho da Fila.

Descrição detalhada

template<typename T>

class structures::LinkedQueue< T >

Fila Encadeada.

Documentação dos Construtores & Destrutor

~LinkedQueue:structures::LinkedQueue< T >structures::LinkedQueue< T >:~LinkedQueuetemplate<typename T > LinkedQueue::~LinkedQueue ()

Destrutor.

Definido na linha 14 do arquivo linked queue.h.

Documentação dos métodos

back:structures::LinkedQueue< T >structures::LinkedQueue< T >:backtemplate<typename T > T & LinkedQueue::back () const

Acessa o último da Fila.

Definido na linha 68 do arquivo linked queue.h.

clear:structures::LinkedQueue< T >structures::LinkedQueue< T >:cleartemplate<typename T > void LinkedQueue::clear ()

Limpa a Fila.

Definido na linha 19 do arquivo linked queue.h.

dequeue:structures::LinkedQueue< T >structures::LinkedQueue< T >:dequeuetemplate<typename T > T LinkedQueue::dequeue ()

Desenfileira.

Definido na linha 34 do arquivo linked queue.h.

Referenciado por math::count_shapes().

empty:structures::LinkedQueue< T >structures::LinkedQueue< T >:emptytemplate<typename T > bool LinkedQueue::empty () const

Confere se a Fila está vazia.

Definido na linha 76 do arquivo linked queue.h.

Referenciado por math::count shapes().

enqueue:structures::LinkedQueue< T >structures::LinkedQueue< T >:enqueuetemplate<typename T > void LinkedQueue::enqueue (const T & data)

Enfileira.

Definido na linha 25 do arquivo linked queue.h.

Referenciado por math::count shapes().

front:structures::LinkedQueue< T >structures::LinkedQueue< T >:fronttemplate<typename T > T & LinkedQueue::front () const

Acessa a frente da Fila.

Definido na linha 60 do arquivo linked queue.h.

size:structures::LinkedQueue< T >structures::LinkedQueue< T >:sizetemplate<typename T > std::size_t LinkedQueue::size () const

Retorna o tamanho da Fila.

Definido na linha 81 do arquivo linked_queue.h.

A documentação para esta classe foi gerada a partir dos seguintes arquivos:

- ∞ <u>linked queue.h</u>
- ∞ <u>linked queue.inc</u>

Referência à classe Template structures::LinkedStack< T >

structures::LinkedStack< T > structures::LinkedStack< T > Pilha Encadeada.

Membros públicos

- o void <u>push</u> (const T &data) Empilha.
- $\overset{\circ}{\sim} \quad T \underset{Desempilha.}{\underline{pop}} ()$
- T & top () const

 Acessa o topo da Pilha.
- ∞ bool empty () constConfere se a Pilha está vazia.
- std::size_t size () const
 Retorna o tamanho da Pilha.
- void <u>clear</u> ()
 Limpa a Pilha.

Descrição detalhada

template<typename T>

class structures::LinkedStack< T >

Pilha Encadeada.

Definido na linha 23 do arquivo linked_stack.h.

Documentação dos Construtores & Destrutor

~LinkedStack:structures::LinkedStack< T >structures::LinkedStack< T >:~LinkedStacktemplate<typename T > LinkedStack::~LinkedStack ()

Destrutor.

Definido na linha 14 do arquivo linked stack.h.

Documentação dos métodos

clear:structures::LinkedStack< T >structures::LinkedStack< T
>:cleartemplate<typename T > void LinkedStack::clear ()

Limpa a Pilha.

Definido na linha 19 do arquivo linked_stack.h.

empty:structures::LinkedStack< T >structures::LinkedStack< T >:emptytemplate<typename T > bool LinkedStack::empty () const

Confere se a Pilha está vazia.

Definido na linha 58 do arquivo linked stack.h.

Referenciado por xml::balanced().

pop:structures::LinkedStack< T >structures::LinkedStack< T >:poptemplate<typename T > T LinkedStack::pop ()

Desempilha.

Definido na linha 31 do arquivo linked stack.h.

Referenciado por xml::balanced().

push:structures::LinkedStack< T >structures::LinkedStack< T >:pushtemplate<typename T > void LinkedStack::push (const T & data)

Empilha.

Definido na linha 25 do arquivo linked_stack.h.

Referenciado por xml::balanced().

size:structures::LinkedStack< T >structures::LinkedStack< T >:sizetemplate<typename T > std::size_t LinkedStack::size () const

Retorna o tamanho da Pilha.

Definido na linha 63 do arquivo linked stack.h.

top:structures::LinkedStack< T >structures::LinkedStack< T >:toptemplate<typename T > T & LinkedStack::top () const

Acessa o topo da Pilha.

Definido na linha 50 do arquivo linked_stack.h.

Referenciado por xml::balanced().

A documentação para esta classe foi gerada a partir dos seguintes arquivos:

- [∞] <u>linked_stack.h</u>
- ∞ <u>linked stack.inc</u>

Documentação do arquivo

Lista de todos os arquivos com uma breve descrição:

Referência ao arquivo linked_queue.h

linked_queue.hlinked_queue.h

Arquivo de declarações e interface da Fila Encadeada.

Componentes

Namespaces

o structures

Estruturas de Dados.

Descrição detalhada

Arquivo de declarações e interface da Fila Encadeada.

Autor:

Alek Frohlich, Gabriel B. Sant'Anna

Versão:

1.0

Data:

2019-05-19

Copyright:

Referência ao arquivo linked_queue.inc

Linked_queue.inclinked_queue.inc

Implementações da Fila Encadeada.

Descrição detalhada

Implementações da Fila Encadeada.

Autor:

Alek Frohlich, Gabriel B. Sant'Anna

Versão:

1.0

Data:

2019-05-19

Copyright:

Referência ao arquivo linked_stack.h

linked_stack.hlinked_stack.h Declarações e interface da Pilha Encadeada.

Componentes

class <u>structures::LinkedStack< T ></u> *Pilha Encadeada*.

Namespaces

∞ <u>structures</u>

Estruturas de Dados.

Descrição detalhada

Declarações e interface da Pilha Encadeada.

Autor:

Alek Frohlich, Gabriel B. Sant'Anna

Versão:

1.0

Data:

2019-05-19

Copyright:

Referência ao arquivo linked_stack.inc

linked_stack.inclinked_stack.inc Implementações da Pilha Encadeada.

Descrição detalhada

Implementações da Pilha Encadeada.

Autor:

Alek Frohlich, Gabriel B. Sant'Anna

Versão:

1.0

Data:

2019-05-19

Copyright:

Referência ao arquivo main.cpp

main..cpp

Código do programa principal.

Funções

- static int ** matrix_init (int height, int width, const std::string &data)

 Inicializa uma matriz de inteiros a partir da string que a representa.
- o int main ()

Programa principal, realiza a leitura e processamento dos XMLs e conta o número de componentes conexos nas imagens contidas nos mesmos.

Descrição detalhada

Código do programa principal.

Autor:

Alek Frohlich, Gabriel B. Sant'Anna

Versão:

1.0

Data:

2019-05-19

Copyright:

Copyright (c) 2019

Documentação das funções

main:main.cppmain.cpp:mainint main ()

Programa principal, realiza a leitura e processamento dos XMLs e conta o número de componentes conexos nas imagens contidas nos mesmos.

Resultados de cada imagem são disponibilizados na saída padrão.

Retorna:

int Algum dos seguintes códigos de erro: 0 quando não houver erros; 1 quando não foi possivel abrir o arquivo lido; -1 quando o XML lido é inválido; -2 quando alguma das imagens apresenta dimensões inválidas.

Definido na linha 44 do arquivo main.cpp.

matrix_init:main.cppmain.cpp:matrix_initstatic int ** matrix_init (int height, int width, const std::string & data)[static]

Inicializa uma matriz de inteiros a partir da string que a representa.

Parâmetros:

height	Número de linhas da matriz.
width	Múmero de colunas da matriz.
data	String contendo os valores colocados na matriz. Whitespace é ignorado.

Retorna:

int** Matriz gerada. Deve ser destruido com matrix_destroy() para liberar a memória alocada. Definido na linha 95 do arquivo main.cpp.

Referenciado por main().

Referência ao arquivo matrix.cpp

matrix.cpp

Implementação das funções de processamento de matrizes.

Namespaces

∞ math

Código de natureza matemática.

Funções

- int ** math::matrix_init (int height, int width)
 Inicializa uma matriz com as dimensões especificadas.
- void math::matrix_destroy (int **M, int height)
 Destroi uma matriz e libera a memória que ocupava.
- o int math::count_shapes (int **E, int height, int width)

 Calcula o número de componentes conexos na matriz usando vizinhança-4.

Descrição detalhada

Implementação das funções de processamento de matrizes.

Autor:

Alek Frohlich, Gabriel B. Sant'Anna

Versão:

1.0

Data:

2019-05-19

Copyright:

Referência ao arquivo matrix.h

matrix.h

Declarações das funções de processamento de matrizes.

Namespaces

∞ math

Código de natureza matemática.

Funções

- int ** math::matrix_init (int height, int width)
 Inicializa uma matriz com as dimensões especificadas.
- void math::matrix_destroy (int **M, int height)
 Destroi uma matriz e libera a memória que ocupava.
- o int math::count_shapes (int **E, int height, int width)

 Calcula o número de componentes conexos na matriz usando vizinhança-4.

Descrição detalhada

Declarações das funções de processamento de matrizes.

Autor:

Alek Frohlich, Gabriel B. Sant'Anna

Versão:

1.0

Data:

2019-05-19

Copyright:

Referência ao arquivo xml.cpp

xml.cpp

Implementação das funções de processamento de XML.

Namespaces

o xml

Utilitários para processamento de XML.

Funções

- bool <u>xml::balanced</u> (const std::string &xml)
 Confere a validez da estrutura do XML contido na string.
- std::string <u>xml::extract</u> (const std::string &origin, const std::string &open, const std::string &close, std::size t &from)
 - Extrai, a partir de uma string original, a substring que existir entre o primeiro par de delimitadores encontrados a partir de uma dada posição.
- std::string xml::extract (const std::string &origin, const std::string &open, const std::string &close)

 Extrai, a partir de uma string original, a substring que existir entre o primeiro par de delimitadores encontrados.

Descrição detalhada

Implementação das funções de processamento de XML.

Autor:

Alek Frohlich, Gabriel B. Sant'Anna

Versão:

1.0

Data:

2019-05-19

Copyright:

Referência ao arquivo xml.h

xml.h

Declarações das funções de processamento de XML.

Namespaces

∞ xml

Utilitários para processamento de XML.

Funções

- ∞ bool xml::balanced (const std::string &xml)
 Confere a validez da estrutura do XML contido na string.
- std::string <u>xml::extract</u> (const std::string &origin, const std::string &open, const std::string &close, std::size t &from)
 - Extrai, a partir de uma string original, a substring que existir entre o primeiro par de delimitadores encontrados a partir de uma dada posição.
- std::string xml::extract (const std::string &origin, const std::string &open, const std::string &close)

 Extrai, a partir de uma string original, a substring que existir entre o primeiro par de delimitadores encontrados.

Descrição detalhada

Declarações das funções de processamento de XML.

Autor:

Alek Frohlich, Gabriel B. Sant'Anna

Versão:

1.0

Data:

2019-05-19

Copyright: