Barem Examen AA

16 Februarie 2021

Contents

1	Algoritmi Nedeterminiști	2
	1.1 Barem	
	1.2 Rezolvare	2
	Teorema Master 2.1 Barem	3
3	Inducție Structurală	3
	3.1 Barem	4
	3.2 Rezolvare	4

1 Algoritmi Nedeterminiști

Scrieți un algoritm nedeterminist polinomial pentru următoarea problemă și calculați complexitatea sa angelică?

Se dau N secvențe ADN (șiruri de caractere compuse din simbolurile 'A', 'C', 'G', 'T'). Se cere să se identifice dacă cele N secvențe au în comun un subșir de dimensiune cel putin K.

Un subșir al unei secvențe A este o secvență care poate fi obținută din elemente din A (nu neaparăt consecutive), fară a schimba ordinea acestora. De exemplu, secvențele 'CGAT', 'CAGATC' și 'ACAGT' au în comun subșirul 'CAT', de dimensiune 3.

1.1 Barem

- (2p) Generarea soluției.
- (3p) Verificarea constrângerilor.
- (1p) Identificarea complexitatății.

1.2 Rezolvare

```
function Solve(Array < String > A, K)
   solution = "";
   for i = 0; i < K; i + + do
      solution += choice({'A', 'C', 'G', 'T'})
   end for
   for i = 0; i < A.size(); i + + do
      current\_seq = A[i];
       current_ptr = 0;
      for j = 0; j < current\_seq.size(); j + + do
          if current_seq[j] == solution[current_ptr] then
             current_ptr ++;
             if current_ptr == K then
                 break
             end if
          end if
       end for
      if current_ptr != K then
          fail.
       end if
   end for
   success.
end function
```

O parte dintre voi ați recunoscut probabil problema identificării celui mai lung subșir comun. Această problemă are multe aplicații în domenii diverse

precum bioinformatică (*planted motif search*), compresia datelor sau compararea fișierelor (e.g. diff, GIT). Din păcate, pentru un număr arbitrar de secvențe primite la intrare, problema este NP-Complete [1].

Soluția nedeterministă propusă generează un string, cu elemente din alfabetul specificat și apoi verifică dacă acest string reprezintă un subșir pentru toate cele N șiruri primite la intrare. Complexitatea sa este O(K + N * S) = O(N * S), unde S este lungimea maximă a unei secvențe din lista A.

2 Teorema Master

$$T(n) = 3 * T(\frac{n}{2}) + 2 * T(\frac{n}{2}) + 2048 * n^2 - \log^2(n).$$

2.1 Barem

- (0.5p) identificare corectă: a = 5, b = 2
- (1p) identificare corectă: $f(n) = 2048 * n^2 log^2(n) = O(n^2)$
- (1p) stabilit că există $\epsilon > 0$ a.î: $f(n) = O(n^{\log_b(a) \epsilon}) = O(n^{\log_2(5) \epsilon})$
- (1.5p) concluzionat că putem aplica cazul 1 din Teorema Master și trasă concluzia ca $T(n) = \theta(n^{\log_b(a)}) = \theta(n^{\log_2(5)})$

3 Inducție Structurală

List 1: Constructori

$$[] : \to ListT$$

$$(x:xs): T \to ListT \to ListT$$

List 2: $(++): List N \to List N \to List N$

APP1:
$$[] + +B = B$$

APP2:
$$(x : xs) + +B = x : (xs + +B)$$

List 3: $member: T \rightarrow ListT \rightarrow Bool$

M1: member(e, []) = False

M2: $member(e, x : xs) = (x == e) \lor member(e, xs)$

BTree 1: Constructori

$$empty : \rightarrow BTreeT \\ node(left, x, right) : \rightarrow BTreeT \rightarrow T \rightarrow BTreeT \rightarrow BTreeT$$

BTree 2: $tolist: BTreeT \rightarrow ListT$

T1: tolist(empty) = False

T2: tolist(node(l, x, r)) = tolist(l) + +(x : tolist(r))

BTree 3: $memberBT: T \rightarrow T \rightarrow BTreeT \rightarrow Bool$

MB1: memberBT(e, empty) = False

MB2: $memberBT(e, node(l, x, r)) = (e == x) \lor memberBT(l) \lor memberBT(r)$

De demonstrat P1

$$\begin{split} memberBT(e,tree) =&= member(e,tolist(tree)), \\ \forall e \in T, tree \in BTree. \end{split}$$

3.1 Barem

- (2p) Demonstrația pentru cazul de bază.
- (2p) Specificarea ipotezei inductive și a pasului de inducție.
- (3p) Demonstrația pasului de inducție.
- (1p) Identificarea proprietății adiționale.
- (2p) Demonstrația proprietății adiționale.

3.2 Rezolvare

• Cazul de bază: tree == empty

Ne propunem să demonstrăm:

memberBT(e, empty) = member(e, tolist(empty)).

 $LHS = memberBT(e, empty) = ^{MB1} False.$

 $RHS = member(e, tolist(empty)) = ^{T1} member(e, []) = ^{M1} False$

 $\implies LHS = RHS$

• Ipoteza inductivă:

$$\begin{split} & P(l) \colon memberBT(e,l) = member(e,tolist(l)). \\ & P(r) \colon memberBT(e,r) = member(e,tolist(r)). \end{split}$$

• Pasul de inducție: $P(l), P(r) \implies P(node(l, x, r))$.

Ne propunem să demonstrăm:

$$memberBT(e, node(l, x, r)) = member(e, tolist(node(l, x, r))).$$

$$LHS = memberBT(e, node(l, x, r))$$

$$= {}^{MB2}(e == x) \lor memberBT(e, l) \lor memberBT(e, r)$$

$$= {}^{II}(e == x) \lor member(e, tolist(l)) \lor member(e, tolist(r))$$

$$(1)$$

$$RHS = member(e, tolist(node(l, x, r)))$$

$$=^{T2} member(e, tolist(l) + +(x : tolist(r)))$$
(2)

Vom folosi o proprietate adițională:

PA:
$$member(e, A + +B) == member(e, A) \lor member(e, B),$$
 $\forall e \in T; A, B \in ListT$

$$RHS = {}^{PA} member(e, tolist(l)) \lor member(e, tolist(x : tolist(r)))$$

$$= {}^{M2} member(e, tolist(l)) \lor (e = x) \lor member(e, tolist(r))$$
(3)

$$\implies LHS = RHS.$$

Mai avem de demonstrat proprietatea adițională PA

- Cazul de bază $A == [\,].$
 - Ne propunem să demonstrăm:

$$member(e, \lceil \rceil + +B) == member(e, \lceil \rceil) \vee member(e, B)$$

$$LHS = member(e, \lceil \rceil + +B) = ^{A1} member(e, B)$$

$$RHS = member(e, []) \vee member(e, B) = ^{M1} member(e, B)$$

- $\implies LHS = RHS.$
- Ipoteza inductivă PA(xs)

$$member(e, xs + +B) == member(e, xs) \lor member(e, B).$$

– Pasul de inducție $PA(xs) \implies PA(x:xs)$ Ne propunem să demonstrăm:

 $member(e, (x : xs) + +B) == member(e, x : xs) \lor member(e, B)$

$$LHS = member(e, (x : xs) + +B)$$

$$= {}^{A2} member(e, x : (xs + +B))$$

$$= {}^{M2} (e == x) \lor member(e, xs + +B))$$

$$= {}^{II} (e == x) \lor member(e, xs) \lor member(e, B)$$

$$(4)$$

$$RHS = member(e, x : xs) \lor member(e, B)$$

= M2 (e == x) \lor member(e, xs) \lor member(e, B). (5)

 $\implies LHS = RHS.$

References

[1] Laurent Bulteau, Falk Hüffner, Christian Komusiewicz, and Rolf Niedermeier. Multivariate algorithmics for np-hard string problems. *Bulletin-European Association for Theoretical Computer Science*, 114, 2014.