Agrupamento: k-médias

Alexandre Checoli Choueiri

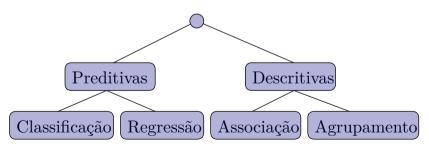
15/04/2023

Conteúdo

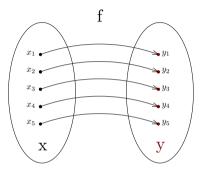
- 1 Introdução
- ② O algoritmo *k-means*
- 3 A distância
- 4 O objetivo
- **6** O número de grupos k
- 6 Transformações nos dados
- 7 O problema das escalas
- 8 Visualização e redução de dimensionalidade

Tarefas da mineração

As tarefas de mineração de dados podem ser separadas em 2 grandes grupos: tarefas **preditivas** e **descritivas**. Por sua vez, as tarefas descritivas são agrupadas em tarefas de **Associação** e de **Agrupamento**. As tarefas descritivas estão ligadas ao conceito de aprendizagem não supervisionada.

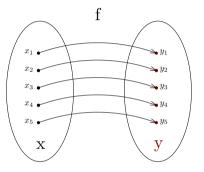


Tarefas da mineração



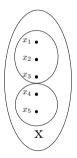
Relembrando: o termo **supervisionado** se relaciona com a função que queremos encontrar nas tarefas preditivas, temos o valor de y, que é o valor "certo" ou target, daí o termo supervisão.

Tarefas da mineração



Queremos fazer uma estimativa, porém possuímos o valor correto para fornecer a supervisão para o algoritmo.

Tarefas da mineração



Já no aprendizado **não supervisionado**, não existe um conjunto y (*target*), e o objetivo é extrair informações/padrões de todos os atributos (colunas).

Definição

Definição

Agrupamento/clustering: Dado um conjunto de pontos n-dimensionais, o agrupamento visa criar subconjuntos dos pontos, de forma que os elementos dentro de um subconjunto mantenham alguma semelhança entre si, e em relação a elementos de outros conjuntos alguma diferença.

Definição

Definição

Agrupamento/clustering: Dado um conjunto de pontos n-dimensionais, o agrupamento visa criar subconjuntos dos pontos, de forma que os elementos dentro de um subconjunto mantenham alguma semelhança entre si, e em relação a elementos de outros conjuntos alguma diferença.

Essa definição é muito genérica, dando espaço para diversos tipos de agrupamento.

Definição

Definição

Agrupamento/clustering: Dado um **conjunto de pontos n-dimensionais**, o agrupamento visa criar subconjuntos dos pontos, de forma que os elementos dentro de um subconjunto mantenham alguma semelhança entre si, e em relação a elementos de outros conjuntos alguma diferença.

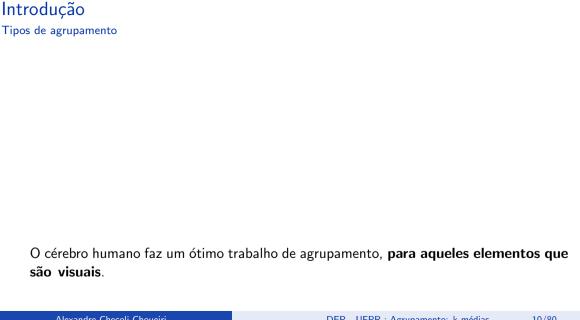
OBS: O que é um ponto n-dimensional?

Definição

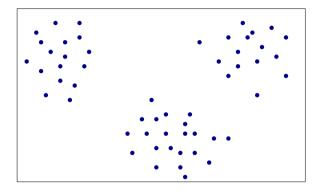
Definição

Agrupamento/clustering: Dado um **conjunto de pontos n-dimensionais**, o agrupamento visa criar subconjuntos dos pontos, de forma que os elementos dentro de um subconjunto mantenham alguma semelhança entre si, e em relação a elementos de outros conjuntos alguma diferença.

OBS: O que é um ponto n-dimensional? Estamos acostumados com pontos em duas dimensões (p = [2,4]), porém podemos ter pontos no espaço n-dimensional (p = [2,3,...,n]).

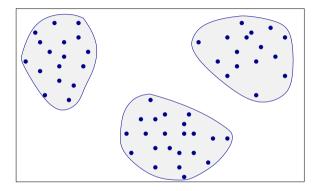


Tipos de agrupamento



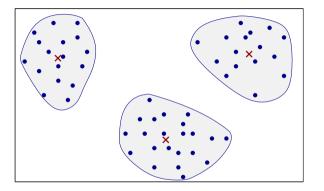
O cérebro humano faz um ótimo trabalho de agrupamento, **para aqueles elementos que são visuais**. Considerando o conjunto de pontos em 2 dimensões acima, você consegue definir grupos de pontos semelhantes?

Tipos de agrupamento



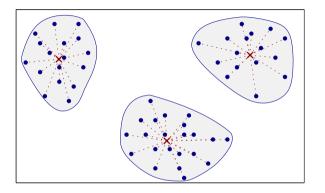
É óbvio que conseguimos...um trabalho um pouco mais difícil é tentarmos identificar **qual** a **lógica** que o nosso cérebro usou para identificar tais grupos.

Tipos de agrupamento



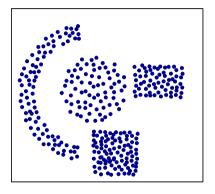
Podemos pensar em um centro para cada grupo, de forma que os elementos desse grupo estão mais próximos do seu centro do que de qualquer outro centro.

Tipos de agrupamento



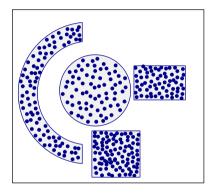
Esse tipo de agrupamento é o mais comum, e é conhecido como **agrupamento por protótipos**, pois o centro de cada grupo é uma representação de todos os pontos (uma média), ou seja, é o protótipo do grupo.

Tipos de agrupamento



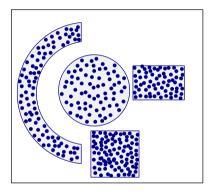
Considere os pontos acima. Podemos usar a mesma lógica anterior para criar os grupos neste exemplo?

Tipos de agrupamento



NÃO. Neste caso podemos pensar em uma lógica de proximidade com vizinhos. Os pontos em um grupo estão mais próximos de outro ponto no grupo do que em qualquer outro ponto de outros grupos.

Tipos de agrupamento



Esse agrupamento é conhecido como agrupamento por densidade.

Tipos de agrupamento

Dessa forma vemos que o conceito de grupo depende muito do que se deseja e das características dos dados. Para cada definição de grupo existem diferentes algoritmos que podem ser usados. Para o caso mais comum (agrupamento por protótipos), podemos usar o algoritmo k-means.

Idéia geral

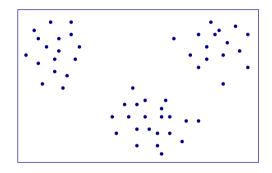
O algoritmo **k-mean**s funciona de forma iterativa: inicialmente k protótipos são gerados aleatóriamente, e os pontos mais próximos de cada protótipo são a ele atribuídos. A cada iteração, a posição de cada protótipo é atualizada como a média de todos os pontos a ela atribuídos. O algoritmo para quando não houver mais atualização na posição dos protótipo, ou essa for irrisória.

Idéia geral

O algoritmo **k-mean**s funciona de forma iterativa: inicialmente k protótipos são gerados aleatóriamente, e os pontos mais próximos de cada protótipo são a ele atribuídos. A cada iteração, a posição de cada protótipo é atualizada como a média de todos os pontos a ela atribuídos. O algoritmo para quando não houver mais atualização na posição dos protótipo, ou essa for irrisória.

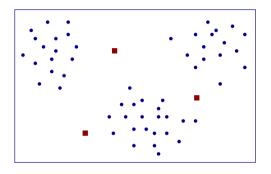
OBSERVAÇÃO: O número de protótipos (ou seja, de grupos k) é definido pelo usuário no início do algoritmo.

Exemplo



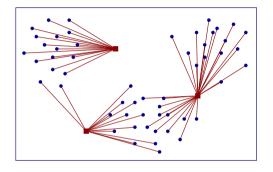
Considere o conjunto de pontos acima, e que iniciamos o algoritmo com k=3 (por sorte!).

Exemplo



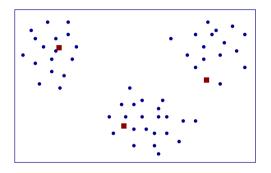
Inicialmente criamos 3 coordenadas (x,y) aleatórias para cada centroide k.

Exemplo



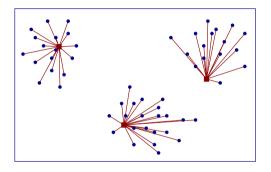
Em seguida calculamos a distância entre todos os pontos e todos os centroides. Cada ponto é atribuído ao centroide mais próximo de si.

Exemplo



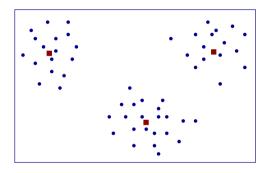
Em seguida as coordenadas dos centroides são atualizadas como a média de todos os pontos a ele atribuídos. É como se os pontos "puxassem" o centroide para seu centro de massa.

Exemplo



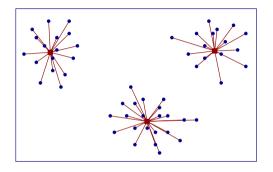
O processo é então repetido...todas as distâncias entre pontos e centroides são calculadas, e os pontos novamente atribuídos ao centroide mais próximo.

Exemplo



E novamente os centroides são atualizados com as médias dos pontos a eles atribuídos.

Exemplo



Uma última atribuição de pontos a centroides é feita. Note que se mais uma iteração fosse realizada nenhum centroide mudaria de lugar. Esse pode ser um critério de parada para o algoritmo.

Pseudocódigo

Abaixo é mostrado um pseudocódigo para o k-means

Algorithm 1 k-means

Selecione k pontos aleatóriamente

while Critério de parada não atingido do

Atribua cada ponto dos dados ao centroide mais próximo

Recalcule as coordenadas dos k centroides como a média dos pontos a eles atribuídos

end while

return Atribuição de pontos a cada centroide

A distância

No algoritmo k-means a distância mais utilizada é a distância euclidiana, ou norma L2. Sejam X1 e X2 dois pontos no espaço n dimensional, a distância entre eles é dada por:

$$d(X1, X2) = \sqrt{\sum_{i=1}^{n} (X1_i - X2_i)^2}$$

A distância

No algoritmo k-means a distância mais utilizada é a distância euclidiana, ou norma L2. Sejam X1 e X2 dois pontos no espaço n dimensional, a distância entre eles é dada por:

$$d(X1, X2) = \sqrt{\sum_{i=1}^{n} (X1_i - X2_i)^2}$$

Exemplo 1:

Sejam os pontos X1 = [1,3] e X2 = [2,4].

A distância

No algoritmo k-means a distância mais utilizada é a distância euclidiana, ou norma L2. Sejam X1 e X2 dois pontos no espaço n dimensional, a distância entre eles é dada por:

$$d(X1, X2) = \sqrt{\sum_{i=1}^{n} (X1_i - X2_i)^2}$$

Exemplo 1:

Sejam os pontos X1 = [1,3] e X2 = [2,4].

Temos que n = 2 e $d(X1, X2) = \sqrt{(1-2)^2 + (3-4)^2}$.

A distância

No algoritmo k-means a distância mais utilizada é a distância euclidiana, ou norma L2. Sejam X1 e X2 dois pontos no espaço n dimensional, a distância entre eles é dada por:

$$d(X1, X2) = \sqrt{\sum_{i=1}^{n} (X1_i - X2_i)^2}$$

Exemplo 1:

Sejam os pontos X1 = [1,3] e X2 = [2,4].

Temos que n = 2 e $d(X1, X2) = \sqrt{(1-2)^2 + (3-4)^2}$.

Exemplo 2:

Sejam os pontos X1 = [1,3,5] e X2 = [2,9,2].

A distância

A distância

No algoritmo k-means a distância mais utilizada é a distância euclidiana, ou norma L2. Sejam X1 e X2 dois pontos no espaço n dimensional, a distância entre eles é dada por:

$$d(X1, X2) = \sqrt{\sum_{i=1}^{n} (X1_i - X2_i)^2}$$

Exemplo 1:

Sejam os pontos X1 = [1,3] e X2 = [2,4].

Temos que n = 2 e $d(X1, X2) = \sqrt{(1-2)^2 + (3-4)^2}$.

Exemplo 2:

Sejam os pontos X1 = [1,3,5] e X2 = [2,9,2].

Temos que n = 3 e $d(X1, X2) = \sqrt{((1-2)^2 + (3-9)^2 + (5-2)^2)}$

O *k-means* pode ser entendido como um problema de **otimização**, em que o objetivo é atribuir pontos a centróides, de tal forma que soma de todas as distâncias dos pontos a seus centróides seja minimizada.

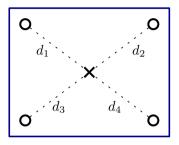
O *k-means* pode ser entendido como um problema de **otimização**, em que o objetivo é atribuir pontos a centróides, de tal forma que soma de todas as distâncias dos pontos a seus centróides seja minimizada.

Uma forma comum (e equivalente à distância) é chamada de SSE (Summed Squared Error), básicamente sendo a soma das distâncias elevadas ao quadrado, dado por:

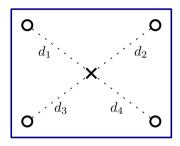
$$SSE = \sum_{i=1}^{k} \sum_{x \in C_i} d(C_i, x)^2$$

em que:

 $\begin{cases} k : \text{número de grupos} \\ C_i : \text{centróide do grupo } i \\ x \in C_i \text{ pontos } x \text{ atribuídos ao centróide } C_i \end{cases}$

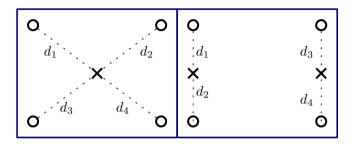


A vantagem de termos um **objetivo** (minimizar o SSE) para o problema, é que podemos valorar e **comparar diferentes soluções** para um mesmo conjunto de dados. Considere o exemplo acima com 4 pontos e 1 único grupo.

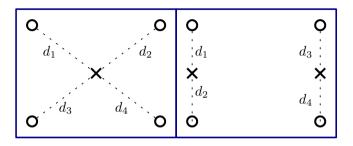


O SSE é dado por:

$$SSE = d_1^2 + d_2^2 + d_3^2 + d_4^2$$



Considere agora o segundo agrupamento, com 2 grupos. Considerando o nosso **objetivo**, qual dos dois agrupamentos é melhor?



Considere agora o segundo agrupamento, com 2 grupos. Considerando o nosso **objetivo**, qual dos dois agrupamentos é melhor? Obviamente o segundo agrupamento possui um SSE menor do que o primeiro, portanto ele é **melhor**.

Mas o que diferenciou o agrupamento 1 do agrupamento 2? O número de <i>clus</i> Vamos analisar o que ocorre com o SSE nos limites possíveis para o númer	
grupos. Considerando um conjunto de dados com n pontos.	

Mas o	que diferer	nciou	o agrup	amento	1 do	agrupament	to 2?	O núme	ero de	clusters!
Vamos	analisar ${f o}$	que	ocorre	com o	SSE	nos limite	s poss	íveis par	a o nú	mero de
grupos.	Considera	ndo ur	m conju	nto de d	lados (com <i>n</i> ponto	os.			
1										

Qual é o número mínimo de grupos que esse banco pode ter, e qual o SSE para esse número?

Mas o que diferenciou o agrupamento 1 do agrupamento 2? O número de *clusters*! Vamos analisar **o que ocorre com o SSE nos limites** possíveis para o número de grupos. Considerando um conjunto de dados com n pontos.

$$k = 1 \rightarrow \mathsf{SSE} \; \mathsf{máximo}$$

Qual é o número mínimo de grupos que esse banco pode ter, e qual o SSE para esse número?

O mínimo de grupos para qualquer banco de dados é 1, e nesse caso o SSE será máximo.

Mas o que diferenciou o agrupamento 1 do agrupamento 2? O número de *clusters*! Vamos analisar **o que ocorre com o SSE nos limites** possíveis para o número de grupos. Considerando um conjunto de dados com n pontos.

```
k = 1 	o SSE \text{ máximo} 

k = n 	o SSE \text{ mínimo}
```

Qual é o número mínimo de grupos que esse banco pode ter, e qual o SSE para esse número?

O mínimo de grupos para qualquer banco de dados é 1, e nesse caso o SSE será máximo.

O máximo de grupos para qualquer banco de dados é n, e nesse caso o SSE será mínimo.

Percebemos então que o objetivo do nosso problema é um pouco mais sutil.

Cuidado

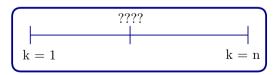
Para minimizar o SSE, basta **escolhermos** $\mathbf{k} = \mathbf{n}$. Porém isso não agrega nenhuma informação, sendo que cada ponto seria seu próprio cluster! Precisamos então **encontrar o número de** \mathbf{k} de tal forma que o erro seja minimizado, porém que o agrupamento dos dados ainda nos ajude a entender algum padrão.

Percebemos então que o objetivo do nosso problema é um pouco mais sutil.

Cuidado

Para minimizar o SSE, basta **escolhermos** $\mathbf{k} = \mathbf{n}$. Porém isso não agrega nenhuma informação, sendo que cada ponto seria seu próprio cluster! Precisamos então **encontrar o número de** \mathbf{k} de tal forma que o erro seja minimizado, porém que o agrupamento dos dados ainda nos ajude a entender algum padrão.

Precisamos então decidir qual o número ideal de grupos (k), entre 1 e n.



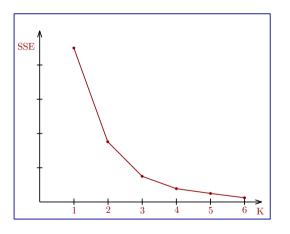
Uma forma muito comum e fácil de determinarmos o número ideal de k, é pelo chamado gráfico de cotovelo (elbow-plot).

A premissa do método é a seguinte: sabemos que k=1 gera um SSE muito alto, se executarmos com k=2, esse SSE deve ser reduzido, e assim sucessivamente até k=n. No entanto, em algum momento a diferença de SSE de um número k para um número k+1 vai ser muito pequena, indicando que aumentar o k não aumenta significativamente o ganho de informação.

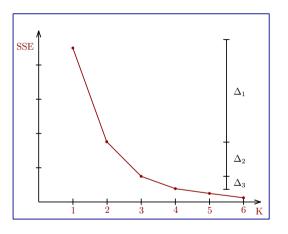
Uma forma muito comum e fácil de determinarmos o número ideal de k, é pelo chamado **gráfico de cotovelo** (elbow-plot).

A premissa do método é a seguinte: sabemos que k=1 gera um SSE muito alto, se executarmos com k=2, esse SSE deve ser reduzido, e assim sucessivamente até k=n. No entanto, em algum momento a diferença de SSE de um número k para um número k+1 vai ser muito pequena, indicando que aumentar o k não aumenta significativamente o ganho de informação.

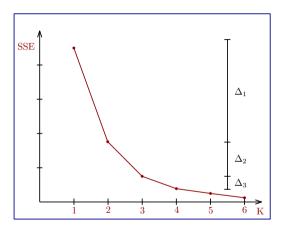
A maneira mais fácil de se verificar esse ponto de corte, é rodar o algoritmo com diversos valores de k (iniciando em 1), coletar os SSEs para cada agrupamento e plotar em um gráfico.



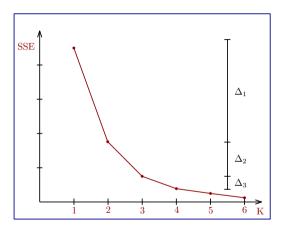
Considere o gráfico acima, construído para valores de ${\sf k}=1$ até ${\sf 6}.$



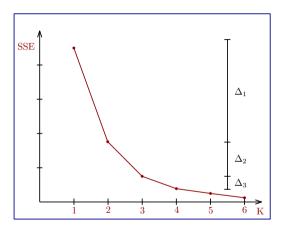
Se analisarmos as diferenças nos SSEs para cada par de ks consecutivos, temos valores de Δ .



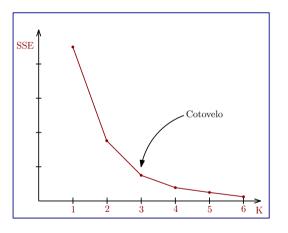
Com $\Delta_1 > \Delta_2 > \Delta_3$, como esperado.



No entanto, parece que a partir de Δ_3 as diferenças são pequenas, e **muito próximas** umas das outras.



O que nos permite inferir que o aumento no número de grupos não está contribuindo para uma redução significativa do SSE a partir de k=3.



Assim, podemos determinar visualmente que o **número ideal de grupos** para esse conjunto é 3 (forma um "cotovelo" no gráfico).

Transformações nos dados



De forma simplificada, podemos separar os tipos de dados em 2 grupos: **Qualitativos** e **Quantitativos**.



Dados **Quantitativos** são aqueles numéricos. **Discretos** são números inteiros (ex. 1,4,5) e **Contínuo**s são os reais (ex. 1.45, 2.8).

Já vimos que o algoritmo k-means usa a distância euclidiana para determinar se um ponto está próximo de outro.

$$d(X1, X2) = \sqrt{\sum_{i=1}^{n} (X1_i - X2_i)^2}$$

Já vimos que o algoritmo k-means usa a distância euclidiana para determinar se um ponto está próximo de outro.

$$d(X1, X2) = \sqrt{\sum_{i=1}^{n} (X1_i - X2_i)^2}$$

Para dados quantitativos esse calculo é direto. Considere o banco de dados a seguir, com os dados da idade e do salário de consumidores de um shopping center.

Idade	Salário
24	2000
20	1000
60	18000
28	8500
33	6000

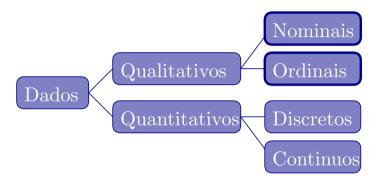
Já vimos que o algoritmo *k-means* usa a distância euclidiana para determinar se um ponto está próximo de outro.

$$d(X1, X2) = \sqrt{\sum_{i=1}^{n} (X1_i - X2_i)^2}$$

Para dados quantitativos esse calculo é direto. Considere o banco de dados a seguir, com os dados da idade e do salário de consumidores de um shopping center.

ldade	Salário
24	2000
20	1000
60	18000
28	8500
33	6000

Para calcularmos a distancia entre os dois primeiro clientes, temos que: X1 = [24,2000] e X2 = [20,1000]. Basta aplicar a fórmula.



Já os dados **Qualitativos** não são (necessariamente) numéricos. Dados **Nominais** são aqueles em que não existe uma ordem ou hierarquia. Podemos pensar em dados nominais como **Classes** (eg1. azul, amarelo, verde) (eg2. honda, toyota, bmw).

Considere o banco de dados abaixo, em que temos as informações do tipo de carro (dado nominal) que cada cliente dirige:

Idade	Salário	Carro	
24	2000	Honda	
20	1000	Toyota	
60	18000	Toyota	
28	8500	Chevrolet	
33	6000	Honda	

Considere o banco de dados abaixo, em que temos a informações do tipo de carro (dado nominal) que cada cliente dirige:

Idade	Salário	Carro
24	2000	Honda
20	1000	Toyota
60	18000	Toyota
28	8500	Chevrolet
33	6000	Honda

Para calcularmos a distancia entre os dois primeiro clientes, temos que: X1 = [24,2000,"Honda"] e X2 = [20,1000,"Toyota"]. Como a fórmula é aplicada aos dados nominais?

Não é possível da forma como está! Precisamos transformar os dados. Nesse caso podemos usar a técnica da **binarização**.

A **binarização** de um atributo consiste em contar o número de classes do atributo e criar uma nova coluna para cada elemento desse grupo. Em seguida, para cada registro marca-se 1 na coluna referente à classe do registro e zero em todas as outras.

Idade	Salário	Carro
24	2000	Honda
20	1000	Toyota
60	18000	Toyota
28	8500	Chevrolet
33	6000	Honda

Idade	Salário	Hon	Toy	Che
24	2000	1	0	0
20	1000	0	1	0
60	18000	0	1	0
28	8500	0	0	1
33	6000	1	0	0



Finalmente, nos dados **Ordinais** existe uma ordem gradativa nas classes. (eg. frio, morno, quente) (eg2. pouco, médio, muito).

Considere o banco de dados abaixo, em que temos agora a informação da avaliação que o cliente fez a respeito do serviço do shopping:

Idade	Salário	Carro	Serviço
24	2000	Honda	Bom
20	1000	Toyota	Ruim
60	18000	Toyota	Médio
28	8500	Chevrolet	Ruim
33	6000	Honda	Médio

Considere o banco de dados abaixo, em que temos agora a informação da avaliação que o cliente fez a respeito do serviço do shopping:

ldade	Salário	Carro	Serviço
24	2000	Honda	Bom
20	1000	Toyota	Ruim
60	18000	Toyota	Médio
28	8500	Chevrolet	Ruim
33	6000	Honda	Médio

Novamente não conseguimos usar a escala Ruim, Medio, Bom no cálculo das distâncias.

Para dados ordinais é mais simples, podemos simplesmente atribuir valores inteiros crescentes de acordo com a evolução da escala, por exemplo:

- Ruim:1
- Médio:2
- Bom:3

Tipos de dados

Com as transformações realizadas, podemos usar o banco de dados no algoritmo k-means.

Idade	Salário	Carro	Serviço
24	2000	Honda	Bom
20	1000	Toyota	Ruim
60	18000	Toyota	Médio
28	8500	Chevrolet	Ruim
33	6000	Honda	Médio

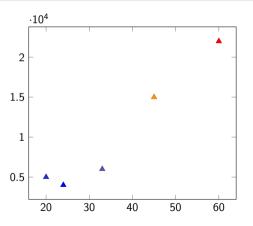
A۷.
3
1
2
1
2

Um outro problema que pode ocorrer no k-means se relaciona às escalas das variáveis

Considere o banco de dados abaixo:

Idade	Salário
24	4000
20	5000
60	22000
45	15000
33	6000

Plotando os dados em um scatter-plot temos o gráfico abaixo.



Podemos calcular a distância entre dois pontos da seguinte forma.

Idade	Salário
24	4000
20	5000
60	22000
45	15000
33	6000

$$d = \sqrt{(22000 - 15000)^2 + (60 - 45)^2} = 7000.016$$

Considere agora uma grande alteração nas idades. De 45 para 120 anos!

Idade	Salário
24	4000
20	5000
60	22000
120	15000
33	6000

$$d = \sqrt{(22000 - 15000)^2 + (60 - 120)^2} = 7000.257.$$

Comparando os resultados temos uma diferença nas distancias de 0.24

Realizando agora uma pequena alteração no salário (de 22000 para 21000)

Idade	Salário
24	4000
20	5000
60	21000
45	15000
33	6000

$$d = \sqrt{(21000 - 15000)^2 + (60 - 45)^2} = 6000.0187.$$

Gerando uma diferença de mais 999.99 unidades!

Note que isso gera um problema de **dominância** no algoritmo: pontos muito diferentes em relação a algum atributo podem não gerar efeito nenhum no agrupamento, na medida em que pequenas alterações em outros podem gerar grandes variações. Uma forma de corrigir esse problema é pela padronização dos dados.

A idéia da padronização é deixar todos os atributos em uma mesma escala. Existem inúmeras formas de padronização (cada uma adequada a uma situação), de forma que devemos avaliar os nossos dados e o que queremos atingir com a padronização.

ATENÇÃO À NOMENCLATURA: Em estatística o termo **normalização** é usado quando queremos transformar os dados, deixando-os com média 0 e desvio padrão 1. Para isso usamos a seguinte fórmula:

$$x' = (x - \bar{x})/s_{x} \tag{1}$$

Em que:

 $\begin{cases} x' : novo valor \\ x : valor atual \\ s_x : desvio padrão da amostra \end{cases}$

Porém, em algumas referências de mineração de dados os termos foram usados como sinônimos (existe uma grande quantidade de explicações na internet, algumas contraditórias). Podemos pensar da seguinte forma então: padronizar se refere a transformar uma variável em outra, de forma que a normalização é um tipo de padronização.

Voltando ao nosso problema. Que tipo de padronização podemos usar para deixar todos os atributos na mesma escala?

Idade	Salário
24	4000
20	5000
60	22000
45	15000
33	6000

Se dividirmos cada elemento de cada coluna pelo máximo valor da mesma coluna, temos o seguinte.

Um outro problema que pode ocorrer no k-mean se relaciona às escalas das variáveis

Idade	Salário
24/60	4000/22000
20/60	5000/22000
60/60	22000/22000
45/60	15000/22000
33/60	6000/22000

Idade	Salário
0.40	0.18
0.33	0.22
1.00	1.00
0.75	0.68
0.55	0.27

Realizando essas transformações, os exemplos que calculamos acima geram as seguintes variações:

- 1. Alterando a idade (45 para 120): 0.188
- 2. Alterando o salário (22000 para 21000): 0.024

Ou seja, a alteração na idade afetou mais a distância do que a alteração no salário, o que era o esperado de se ocorrer.

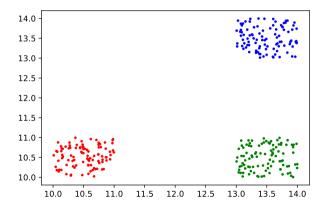
Como foi dito, existem diversas formas de padronização. A divisão pelo maior valor não é adequada quando existem valores negativos, nesse caso podemos dividir todos os elementos de uma coluna pela amplitude dos dados (maior valor - menor valor).

Quando terminamos de realizar um agrupamento, gostamos de **visualizar espa- cialmente** como ficaram os grupos, para nos certificarmos que está tudo fazendo sentido.

Por exemplo, considere um conjunto de dados com o seguinte formato (com os grupos definidos pelas cores):

ldade	Salário
24	4000
20	5000
60	21000
45	15000
33	6000

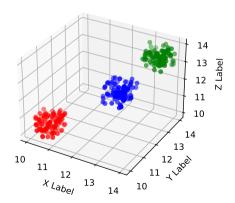
Podemos visualizar os grupos diretamente em um plano cartesiano (usando um *scatter plot* e alterando as cores dos elementos de cada grupo.)



Esse método pode ser usado para conjuntos de dados com 3 dimensões, considere o banco de dados a seguir:

Idade	Salário	Nota
24	4000	3
20	5000	2
60	21000	2
45	15000	6
33	6000	7

Podemos visualizar os grupos diretamente em um plano cartesiano (usando um *scatter plot* e alterando as cores dos elementos de cada grupo, porém agora com 3 dimensões).

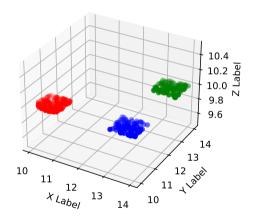


Mas e quando temos dados com mais de 3 dimensões? Como podemos visualizar os grupos formados?

Considere o seguinte conjunto de dados, para entendermos a premissa do método:

ldade	Salário	Nota
24	4000	10
20	5000	10
60	21000	10
45	15000	10
33	6000	10

Plotando os pontos teríamos algo da seguinte forma:

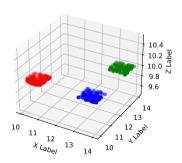


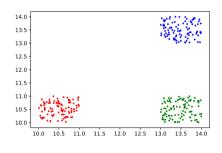
Note, porém, que todos os valores do eixo z são constantes, ou seja, o atributo z não ajuda na explicabilidade dos grupos, e portanto pode ser removido.

Considere o seguinte conjunto de dados, para entendermos a premissa do método:

Idade	Salário	Nota
24	4000	10
20	5000	10
60	21000	10
45	15000	10
33	6000	10

Se plotarmos os dados em 2 ou 3 dimensões, temos as mesmas informações.





De forma similar funcionam os métodos para **redução da dimensionalidade**. Um deles é o **PCA** (*Principal Components Analysis*)

O PCA identifica os atributos que mais contribuem para a variabilidade dos dados e cria uma combinação linear com k novos elementos, que são usados para representar os n originais. Esses novos elementos **não tem nenhuma relação com os anteriores** (representativa), somente no sentido de explicação da variabilidade.

Por exemplo, suponha que temos um banco com 3 atributos e queremos realizar a redução para 2. Uma possível saída do **PCA** é mostrada abaixo.

Idade	Salário	Nota
24	4000	3
20	5000	3
60	21000	3
45	15000	3
33	6000	3

α	β
0.40	0.18
0.33	0.22
1.00	1.00
0.75	0.68
0.55	0.27

Note que a escala de α e β não tem mais relação nenhuma com Idade, Salário ou Nota. Com esse novo conjunto podemos **visualizar** por meio de um *scatterplot* em 2 dimensões.

Conclusão

Conclusão

Os seguintes termos devem ser de conhecimento após o fim desta aula:

- 1. Tarefas descritivas/ tarefa de agrupamento.
- 2. Algoritmo k-means.
- 3. Gráfico de cotovelo.
- 4. Transformações nos dados.
- 5. O problema das escalas e padronização dos dados.
- 6. Redução da dimensionalidade.