

Package ‘INEPsico’

July 25, 2025

Title Bora Facilitar a Vida

Version 1.3

Description Automatização de rotinas para análises psicométricas.

License `use_mit_license()`, `use_gpl3_license()` or friends to
pick a license

Encoding UTF-8

LazyData true

Roxygen list(markdown = TRUE)

RoxygenNote 7.3.2

Imports magrittr,
data.table,
shiny,
mirtCAT,
mirt,
dplyr,
stringr,
stringi,
gdata,
rmarkdown,
knitr,
kableExtra,
LaF,
catIrt,
tableHTML

Depends R (>= 3.5)

Contents

INEPsico-package	2
abre.banco	3
abre.resp	4
adeq.par	5
aloca.dico	6
aloca.pessoa	7
aloca.poli	8
arred	10
banco.sim.3PL	11

banco.sim.BIB.aberto	11
banco.sim.BIB.fechado	12
brincar	12
cci	13
compara.sim.tct	14
compara.sim.tri.v0	14
compara.sim.tri.v1	15
dif.bilog	16
dif.mirt	17
freq.nivel	19
gera.caderno	20
gera.form	21
grafico.agi	22
info.teste	23
ler.exp	24
ler.par	25
ler.sco	25
pars.priori	26
prop.exp	27
relatorio.tct	27
simular	28
tct	29
Index	31

 INEPsico-package

 INEPsico: Bora Facilitar a Vida

Description

Automatização de rotinas para análises psicométricas

Details

Este pacote objetiva automatizar rotinas de análise de itens e testes por meio da Teoria Clássica dos Testes (TCT) e Teoria de Resposta ao Item (TRI). Além de realizar análises via TCT e produzir relatórios desses resultados, o pacote cria arquivos para serem lidos no BILOG-MG. A maioria das funções que envolvem análises via TRI são voltadas para trabalhar com resultados produzidos nesse programa.

Author(s)

Alexandre Jaloto alexandre.jaloto@inep.gov.br

`abre.banco`*Abrir o banco*

Description

Construir um banco 'aberto' a partir de uma base com informações de respostas organizada por cadernos distintos.

Usage

```
abre.banco(banco, itens, bib, disc, disc.cad = 2)
```

Arguments

<code>banco</code>	Objeto que tem somente a variável correspondente ao caderno e as variáveis correspondentes às respostas aos itens
<code>itens</code>	O(s) objeto(s) com os itens da(s) disciplina(s) que compõe(m) os cadernos no BIB (tem que ser todos, por enquanto; depois tem que melhorar a função)
<code>bib</code>	Objeto com o BIB
<code>disc</code>	Qual será a disciplina desse banco?
<code>disc.cad</code>	Quantidade de disciplinas em cada caderno

Value

A função retorna uma lista com dois elementos: 'respostas' e 'gabarito'

Author(s)

Alexandre Jaloto

Examples

```
set.seed(1000)
gab.lc = sample (LETTERS[1:4], 9, replace = TRUE)
gab.mt = sample (LETTERS[1:4], 9, replace = TRUE)
itens.lc = data.frame (Bloco = rep (1:3, c (3,3,3)), Posicao = rep (1:3, 3),
                      Item = sample (12345:54321, 9), Origem = 'NOVO',
                      Gabarito = gab.lc, Num_bilog = 201:209,
                      Nome_bilog = paste ('P', 0001:0009, sep = ''), Disciplina = 'LC')
itens.mt = data.frame (Bloco = rep (1:3, c (3,3,3)), Posicao = rep (1:3, 3),
                      Gabarito = gab.mt, Item = sample (12345:54321, 9),
                      Origem = 'NOVO', Num_bilog = 201:209,
                      Nome_bilog = paste ('P', 0001:0009, sep = ''), Disciplina = 'MT')

bib = data.frame (Caderno = 1:3, Disciplina1 = rep ('LC', 3), Disciplina2 = rep ('MT', 3),
                 Bloco1 = 1:3, Bloco2 = c(2, 3, 1), Bloco3 = 1:3, Bloco4 = c(2, 3, 1))
itens = rbind (itens.lc, itens.mt)
resp = matrix (sample (LETTERS[1:4], 12*30, replace = TRUE), ncol = 12)
banco = data.frame (CAD = seq(1:3), resp)
disc = 'LC'
aberto = abre.banco (banco = banco, itens = itens, bib = bib, disc = disc)
```

`abre.resp`*Separar o vetor de resposta*

Description

Separa um único vetor de respostas (vários itens) em vetores compostos pela resposta a um único item

Usage

```
abre.resp(unico)
```

Arguments

`unico` Objeto com o vetor das respostas a todos os itens

Value

A função retorna uma matriz com número de colunas igual à quantidade de itens e número de linhas igual à quantidade de participantes.

Author(s)

Alexandre Jaloto

Examples

```
arq.par = 'Rodada6.PAR'
categorias = 5
p = .65
m = 0
dp = 1
int.dp = .25
int.nivel = c (-2, 2)
met = 3
nomes.cat = data.frame (a = paste0 ('a', 1:16), b = paste0 ('b', 1:16),
                        c = paste0 ('c', 1:16), d = paste0 ('d', 1:16),
                        e = paste0 ('e', 1:16))
aloca.item.multi (arq.par, categorias, p = .65, m = 0,
                  dp = 1, int.dp = .25, int.nivel = c (-2, 2),
                  met = 3, nomes.cat = nomes.cat)
```

adeq.par

*Adequação dos parâmetros estimados***Description**

Verificar a adequação dos parâmetros dos itens estimados pelo BILOG-MG.

Usage

```
adeq.par(  
  arq.par,  
  a = list(0.45, 4),  
  b = list(-4, 4),  
  c = list(0, 0.45),  
  erro.a = NULL,  
  erro.b = NULL,  
  erro.c = NULL,  
  salvar = FALSE  
)
```

Arguments

arq.par	Arquivo PAR geado pelo BILOG-MG
a	Vetor com o menor valor aceitável e o maior valor aceitável do parâmetro 'a'
b	Vetor com o menor valor aceitável e o maior valor aceitável do parâmetro 'b'
c	Vetor com o menor valor aceitável e o maior valor aceitável do parâmetro 'c'
erro.a	valor do maior valor aceitável para o erro do parâmetro 'a'
erro.b	valor do maior valor aceitável para o erro do parâmetro 'b'
erro.c	valor do maior valor aceitável para o erro do parâmetro 'c'
salvar	Valor lógico. Indica se o resultado será salvo em um arquivo; caso seja TRUE, o arquivo será salvo como "ITENS_FORA_INTERVALO.txt"

Details

Utilize este campo para escrever detalhes mais técnicos da sua função (se necessário), ou para detalhar melhor como utilizar determinados argumentos.

Value

A função retorna uma data.frame com o número do item no BILOG-MG e o motivo de sua exclusão

Author(s)

Alexandre Jaloto

Examples

```
adeq.par (arq.par = 'PTLCV3.PAR', a = c (1, 3.5), b = c (-3.5, 3.8), c = c (0, .25))
```

aloca.dico

*Alocação de itens dicotômicos nos níveis da escala***Description**

Alocar itens dicotômicos em pontos ou níveis da escala

Usage

```
aloca.dico(
  par,
  met,
  dp = 1,
  int.dp = 0.5,
  int.nivel = c(-2, 2),
  centro = "centro",
  banco,
  min.casos = 50,
  log = TRUE
)
```

Arguments

par	Objeto com os parâmetros dos itens estimados. Deve possuir três colunas, uma para cada parâmetro (nesta ordem: a, b, c). Só é necessário quando o método for um dos que seguem: b, b65, n65 ou $(2+c)/3$.
met	O método de alocação. As opções são: b (o parâmetro 'b' é utilizado para alocar o item no nível); b65 (o valor de theta em que a probabilidade de acertar o item vale 0.65); b65emp (o valor de theta em que 65 por cento das pessoas acertaram o item; é a abcissa da intercessão da reta 0.65, com a interpolação linear entre a proporção empírica do nível e a do nível anterior); n65 (o nível para b65); n65emp (o nível em que 65 por cento das pessoas acertaram o item); $(2+c)/3$ (o valor de theta em que a probabilidade de acertar o item vale $(2+c)/3$)
dp	Desvio padrão da escala transformada
int.dp	Os níveis variam de quanto em quanto, em relação ao dp?
int.nivel	O nível mais baixo e o nível mais alto
centro	'centro' se o nível for centrado no ponto; 'esquerda' se o nível inicia no ponto (fechado na esquerda)
banco	Objeto do tipo <code>data.frame</code> com as respostas (0 = erro; 1 = acerto) e o escore de cada indivíduo. A última variável do banco é o score. Esse objeto é necessário somente se <code>met = 'b65emp'</code> ou <code>met = 'n65emp'</code> . ATENÇÃO: os nomes das colunas dos itens devem começar com 'I' e o da nota deve ser 'NOTA'; para detalhes, veja o exemplo.
min.casos	Número mínimo de respostas em um determinado nível para que o item possa ser alocado nele. Usado somente quando o método for 'b65emp' ou 'n65emp'
log	Argumento lógico. A métrica é logística?

Details

Para esta função, ainda é necessário pensar sobre as transformações dos parâmetros para alocação dos itens na escala. Por exemplo, se de fato vai para escala (0,1) adequadamente e depois para a escala da avaliação. É possível que haja algum erro nessas transformações.

Author(s)

Alexandre Jaloto

Examples

```
set.seed(1000)
par = as.matrix(data.frame(a = rlnorm(30, 0, .5), b = rnorm(30, 0, 1), c = rbeta(30, 5, 17)))
pop = rnorm(5000, 0, 1)

# precisa ser do tipo data.frame (não pode ser data.table nem matrix)
banco = data.frame(simular(pop, par))

calib = mirt::mirt(banco, 1, itemtype = '3PL', TOL = 0.01)
nota = data.frame(mirt::fscores(calib))
names(nota) = 'NOTA'
par = mirt::coef(calib, simplify = TRUE, IRTpars = TRUE)$items[,1:3]
banco$NOTA = nota

# atenção para a forma de nomear
names(banco) = c(paste0('I', 1:30), 'NOTA')
head(banco)

int.nivel = c(-3, 3)

centro = 'esquerda'
met = 'n65emp'

aloca.dico(par = par, met = met, int.nivel = int.nivel, centro = centro, banco = banco, min.casos = 30)
```

aloca.pessoa

Alocação dos indivíduos nos níveis da escala

Description

Alocar os indivíduos, de acordo com seu escore, nos níveis da escala

Usage

```
aloca.pessoa(escore, niv = seq(-2, 2, 0.25), direita = TRUE)
```

Arguments

escore	Vetor com os escores dos indivíduos
niv	Os níveis da escala
direita	argumento lógico. Se TRUE (padrão), é fechado na direita e aberto na esquerda. Se FALSE, é aberto na direita e fechado na esquerda.

Details

O nível é selecionado de acordo com o escore. O participante é posicionado no nível em que o escore é maior do que o valor mínimo do intervalo e menor ou igual ao maior valor do intervalo, se `direita = TRUE`. Se `direita = FALSE`, o participante é posicionado no nível em que o escore é maior ou igual ao valor mínimo do intervalo e menor do que o maior valor do intervalo.

Value

A função retorna um objeto do tipo lista com dois elementos:

`$theta`: O escore dos indivíduos

`$niveis`: O nível de cada indivíduo na escala

Author(s)

Alexandre Jaloto

Examples

```
set.seed (12345)
escore = rnorm (100)
aloca.pessoa (escore)
```

`aloca.poli`

Alocação de itens politômicos nos níveis da escala

Description

Alocar os itens com parâmetros estimados pelo MULTILOG nos níveis da escala

Usage

```
aloca.poli(
  arq.par,
  categorias,
  p = 0.65,
  m = 0,
  dp = 1,
  int.dp = 0.25,
  int.nivel = c(-2, 2),
  met = 3,
  nomes.cat = c()
)
```

Arguments

<code>arq.par</code>	Arquivo PAR gerado, pelo MULTILOG, com os parâmetros dos itens estimados
<code>categorias</code>	O maior quantitativo de categorias de um mesmo item
<code>p</code>	A probabilidade de obter determinado código (categoria) utilizada para alocar o item em um nível

<code>m</code>	Média da escala transformada (o padrão da função é não transformar)
<code>dp</code>	Desvio padrão da escala transformada (o padrão da função é não transformar)
<code>int.dp</code>	Os níveis variam de quanto em quanto, em relação ao <code>dp</code> ?
<code>int.nivel</code>	O nível mais baixo e o nível mais alto
<code>met</code>	O método de alocação, podendo ser 1 ou 3
<code>nomes.cat</code>	objeto do tipo <code>data.frame</code> ou <code>matrix</code> indicando o nome de cada categoria de cada item (nesta <code>data.frame</code> , se a categoria não existir em determinado item, indicar NA)

Details

Para esta função, ainda é necessário pensar sobre as transformações dos parâmetros para alocação dos itens na escala. Por exemplo, se de fato vai para a escala (0,1) adequadamente e depois para a escala da avaliação. É possível que haja algum erro nessas transformações.

Se `met = 1`, o posicionamento do item é feito da seguinte maneira: calcula-se a proficiência que o participante deveria ter, dada a probabilidade de 0,65 de ele marcar aquela categoria ou mais alta

$$\theta = (-1/a) * \ln((1 - p)/1) + b$$

onde a é a discriminação, p é a probabilidade de marcar a categoria ou superior (no caso, 0,65) e b é o parâmetro de dificuldade.

Se `met = 3`, o posicionamento do item é feito da seguinte maneira: calcula-se a probabilidade de uma categoria ser selecionada dado que o θ é igual ao nível. Seleciona-se o nível em que há 65% de probabilidade ou mais de um estudante com proficiência naquele nível marcar uma categoria ou mais alta.

Value

A função retorna um objeto do tipo lista com três elementos:

`$prof`: O escore que retorna a probabilidade 'p' do indivíduo selecionar determinada categoria

`$niveis`: O nível de cada categoria do item

`$MaiorProb`: A categoria mais provável de ser selecionada em cada nível

Author(s)

Alexandre Jaloto

Examples

```
arq.par = 'Rodada6.PAR'
categorias = 5
p = .65
m = 0
dp = 1
int.dp = .25
int.nivel = c(-2, 2)
met = 3
nomes.cat = data.frame(a = paste0('a', 1:16), b = paste0('b', 1:16),
                        c = paste0('c', 1:16), d = paste0('d', 1:16),
                        e = paste0('e', 1:16))
aloca.poli(arq.par, categorias, p = .65, m = 0,
```

```
dp = 1, int.dp = .25, int.nivel = c (-2, 2),
met = 3, nomes.cat = nomes.cat)
```

arred

*Arredondamento de números***Description**

Arredondar valores numéricos de acordo com a norma 5891:2014 da ABNT. O mesmo critério é adotado por programas como Excel e SPSS.

Usage

```
arred(x, n)
```

Arguments

x	Valor a ser arredondado
n	Quantidade de casas decimais

Details

O programa multiplica x por 10^n , trunca esse número e diminui de $x * 10^n$. Se essa diferença for maior ou igual a 0.5, então arredonda para cima; se essa diferença for menor do que 0.5, então arredonda para baixo.

ATENÇÃO: devido à forma como o número binário é convertido em número real, é aconselhável utilizar o comando `options(digits = 16)`. O padrão para essa opção é 7.

Value

A função retorna o valor arredondado de acordo com o critério determinado.

Author(s)

Alexandre Jaloto

Examples

```
x = 100.123456
n = 5
arred (x, n)
options(digits=7)
arred (x, n)
options(digits=16)
arred (x, n)
options(digits=22)
arred (x, n)
```

`banco.sim.3PL`*Banco simulado simples*

Description

Banco simulado simples

Usage

`banco.sim.3PL`

Format

An object of class `list` of length 2.

Details

Lista com dois elementos:

- respostas banco com 3.000 respostas e 45 itens de múltipla escolha. As respostas possíveis são "A", "B", "C", "D", "E", ".", "*"
- gabarito gabarito dos 45 itens

`banco.sim.BIB.aberto`*Banco simulado em BIB com formato aberto*

Description

Banco simulado em BIB com formato aberto

Usage

`banco.sim.BIB.aberto`

Format

An object of class `list` of length 4.

Details

Lista com quatro elementos:

- respostas banco com 10.000 respostas e 77 itens de múltipla escolha. As respostas possíveis são "A", "B", "C", "D", "E", ".", "*"
- gabarito gabarito dos 77 itens
- BIB desenho do BIB
- itens dicionário dos itens

`banco.sim.BIB.fechado` *Banco simulado em BIB com formato fechado*

Description

Banco simulado em BIB com formato fechado

Usage

`banco.sim.BIB.fechado`

Format

An object of class list of length 4.

Details

Lista com quatro elementos:

- respostas `data.frame` correspondente ao banco de respostas, com três variáveis:
 - ID identificação dos 10.000 sujeitos
 - CADERNO caderno que o sujeito respondeu
 - TX_RESPOSTA vetor de resposta aos 77 itens. As respostas possíveis são "A", "B", "C", "D", "E", ".", "*"
- gabarito gabarito dos 77 itens
- BIB desenho do BIB
- itens dicionário dos itens

`brincar`

Brincando com a TRI

Description

Gera um aplicativo shiny com o objetivo de conhecer melhor a TRI

Usage

`brincar()`

Author(s)

Alexandre Jaloto

Examples

`brincar()`

`cci`*Curva característica do item*

Description

Produz a curva característica de um item (CCI)

Usage

```
cci(  
  a = 1.2,  
  b = 0,  
  c = 0.2,  
  theta = seq(-4, 4, 0.01),  
  info = FALSE,  
  xlab = "Proficiência (habilidade)",  
  ylab = "Probabilidade de acerto",  
  ...  
)
```

Arguments

<code>a</code>	valor do parâmetro a
<code>b</code>	valor do parâmetro b
<code>c</code>	valor do parâmetro c
<code>theta</code>	vetor com os valores de traço latente para a construção do gráfico
<code>info</code>	Valor lógico. Se TRUE, plota também a curva de informação do item
<code>...</code>	Outros argumentos das funções plot e lines

Value

A função retorna um gráfico com a curva característica do item

Author(s)

Alexandre Jaloto

Examples

```
# em uma escala (0,1)  
a = 1.5  
b = 0.3  
c = .15  
  
cci (a, b, c)  
cci (a, b, c, info = TRUE)  
  
# agora em uma escala (500, 100)  
a = .01  
b = 505  
c = .15
```

```
theta = seq (100, 900, 10)
cci (a, b, c, theta)

# alterando parâmtros do gráfico
cci (a, b, c, theta, col = 'red', lty = 2, main = 'CCI')
```

compara.sim.tct

Comparar análise pela TCT de bancos simulados

Description

Compara resultados da análise pela TCT de bancos simulados.

Usage

```
compara.sim.tct(banco, resultado)
```

Arguments

banco	lista com o banco simulado (respostas e gabarito)
resultado	objeto com resultado da TCT gerado pela função tct

Value

A função mostra a comparação na tela.

Author(s)

Alexandre Jaloto

Examples

```
compara.sim.tct (banco = banco.sim.3PL, resultado = tct.3PL)
```

compara.sim.tri.v0

Comparar rodada V0 da análise pela TRI de bancos simulados

Description

Compara resultados da V0 da análise pela TRI de bancos simulados.

Usage

```
compara.sim.tri.v0(banco, tab.pars, objeto.mirt)
```

Arguments

banco	lista com o banco simulado (respostas e gabarito)
tab.pars	tabela de parâmetros gerado pela função mirt ou multipleGroup com argumento pars = 'values'
objeto.mirt	objeto mirt da calibração

Value

A função mostra a comparação na tela.

Author(s)

Alexandre Jaloto

Examples

```
compara.sim.tri.v0 (banco = banco.sim.3PL, tab.pars = values, objeto.mirt = fit1)
```

compara.sim.tri.v1	<i>Comparar rodada V1 da análise pela TRI de bancos simulados</i>
--------------------	---

Description

Compara resultados da V1 da análise pela TRI de bancos simulados.

Usage

```
compara.sim.tri.v1(banco, tab.pars, objeto.mirt)
```

Arguments

banco	lista com o banco simulado (respostas e gabarito)
tab.pars	tabela de parâmetros gerado pela função mirt ou multipleGroup com argumento pars = 'values'
objeto.mirt	objeto mirt da calibração

Details

Para a análise, são excluídos automaticamente os itens que apresentem pelo menos um dos seguintes critérios:

- $a < .5$ ou $a > 4$
- nenhum parâmetro b entre -2.5 e 2.5
- $c > .45$
- Problema de ajuste
- Existência de DIF

Value

A função mostra a comparação na tela.

Author(s)

Alexandre Jaloto

Examples

```
compara.sim.tri.v1 (banco = banco.sim.3PL, tab.pars = values, objeto.mirt = fit1)
```

dif.bilog

Análise de DIF para o BILOG-MG

Description

Verifica existência de DIF e a qualidade do ajuste de um item calibrado no BILOG-MG

Usage

```
dif.bilog(
  arq.exp,
  arq.sco,
  perc = list(5, 95),
  dif.dif = 0.15,
  grupo = 7,
  int.comum = TRUE,
  salvar = FALSE
)
```

Arguments

arq.exp	arquivo .EXP gerado pelo BILOG-MG
arq.sco	arquivo .SCO gerado pelo BILOG-MG
perc	os percentis que definirão o intervalo de análise para detecção de DIF
dif.dif	a diferença máxima tolerada entre a proporção de acerto observada e a esperada segundo o modelo
grupo	o grupo, no arquivo .BLM, que está em análise; ou seja, o grupo focal corresponde a qual grupo no arquivo .BLM?
int.comum	valor lógico: se TRUE, o intervalo a ser analisado é o compreendido entre o maior percentil inferior e o menor percentil superior.
salvar	argumento lógico que indica se a saída será salva em dois arquivos (um para DIF e outro para ajuste do modelo)

Details

Para analisar DIF, a função diminui a proporção de acerto do grupo focal da proporção de acerto do grupo de referência. Para verificar a qualidade do ajuste do item, a função diminui a probabilidade de acerto segundo o modelo da proporção de acerto observada.

Sobre o argumento `int.comum`: supondo que o intervalo escolhido foi `perc = c(.05, .95)`. A análise de DIF se dará para o intervalo compreendido entre o maior P5 e o menor P95 dos dois grupos.

O que a função faz? Ela lê o arquivo `expect`; seleciona os itens comuns; seleciona o grupo de interesse e os outros grupos; compara as duas proporções esperadas de resposta correta; seleciona o grupo de interesse; compara o teórico com a proporção esperada do grupo (para análise de ajuste)

ATENÇÃO: é necessário que o início do arquivo SCO tenha duas linhas que não são referentes a dados

Value

Uma lista com três elementos:

`$DIF` Contém os itens que apresentaram DIF entre o grupo focal e algum outro grupo do BILOG-MG.

`$INTERVALOS` Os intervalos em que ocorreram as análises. P5 e P95 é o intervalo compreendido entre o maior P5 e o menor P95 de cada análise entre dois grupos. `LIMITE_INF` e `LIMITE_SUP` compreende o limite em que a análise de fato ocorreu, ou seja, os pontos de quadratura no interior do intervalo do P% e P95.

`$AJUSTE` contém os itens que apresentaram problemas de ajuste.

Author(s)

Alexandre Jaloto

`dif.mirt`

Análise de ajuste e DIF em um objeto mirt

Description

Verifica existência de DIF e a qualidade do ajuste de um item calibrado no mirt

Usage

```

dif.mirt(
  fit.atual,
  fit.antigo = NULL,
  comuns.atual = NULL,
  comuns.antigo = NULL,
  int.teta = c(-6, 6),
  n.qdpt = 61,
  int.cent = TRUE,
  limite.max.dif = 0.15,
  limite.rmsd = 0.1,
  limite.rmsd.pisa = 0.1,
  p.ajuste = c(0.05, 0.95),
  p.dif = c(0.05, 0.95),
  limite.pseudoR2.lordif = 0.035
)
```

Arguments

<code>fit.atual</code>	objeto mirt do tipo <code>SingleGroupClass</code> referente ao grupo da aplicação em voga (grupo focal).
<code>fit.antigo</code>	objeto mirt do tipo <code>SingleGroupClass</code> referente ao grupo em que os itens foram calibrados (grupo de referência).
<code>comuns.atual</code>	vetor com nomes dos itens comuns no banco atual. Os nomes dos itens podem ser obtidos com <code>mirt::extract.mirt(fit.atual, 'itemnames')</code> . Só é necessário se os nomes dos itens forem diferentes nos dois bancos.
<code>comuns.antigo</code>	vetor com nomes dos itens comuns no banco antigo. Os nomes dos itens podem ser obtidos com <code>mirt::extract.mirt(fit.antigo, 'itemnames')</code> . Só é necessário se os nomes dos itens forem diferentes nos dois bancos.
<code>int.teta</code>	intervalo dos pontos de quadratura. Esse intervalo será usado para a análise de MaxADif. O padrão é <code>c(-6, 6)</code> .
<code>n.qdpt</code>	quantidade de pontos de quadratura.
<code>int.cent</code>	lógico. Se <code>TRUE</code> , o intervalo dos pontos de quadratura é centrado. Se <code>FALSE</code> , o intervalo começa no ponto de quadratura. O padrão é <code>TRUE</code> .
<code>limite.max.dif</code>	limite superior para as diferenças absolutas em MaxADIF. Itens com diferenças maiores que este valor são sinalizados. O padrão é <code>0.15</code> .
<code>limite.rmsd</code>	limite superior para o RMSD (ajuste e DIF). Itens com RMSD maior que este valor são sinalizados. O padrão é <code>0.10</code> .
<code>limite.rmsd.pisa</code>	limite superior para o RMSD PISA. Itens com RMSD maior que este valor são sinalizados. O padrão é <code>0.10</code> .
<code>limite.pseudoR2.lordif</code>	limite superior para o pseudo R2 de Nagelkerke na análise de regressão logística (lordif). O padrão é <code>0.035</code> .

Value

A função retorna uma lista com quatro elementos

- `info` lista com informação usada nos cálculos
 - `p.antigo.dif` percentis do grupo antigo para análise de DIF
 - `p.atual.dif` percentis do grupo atual para análise de DIF
 - `p.ajuste` percentis do grupo atual para análise de ajuste
 - `qdpt.analise.dif` pontos de quadratura utilizados na análise de DIF
- `itens` itens que apresentaram problema. Se os nomes forem diferentes nos bancos atual e antigo, os nomes do banco atual são apresentados
- `rmsd.ajuste` itens que apresentaram desajuste pelo método RMSD, com o nome do item e os valores de RMSD para cada categoria de resposta
- `rmsd.pisa` itens que apresentaram desajuste pelo método RMSD do PISA, com o nome do item e os valores de RMSD para cada categoria de resposta
- `maxadif` itens que apresentaram DIF pelo método MaxADIF, com o nome do item, o ponto de quadratura em que a proporção superou `limite.max.dif` e as diferenças em cada categoria de resposta
- `rmsd.dif` itens que apresentaram DIF pelo método RMSD, com o nome do item e os valores de RMSD para cada categoria de resposta
- `regressao` itens que apresentaram DIF uniforme, não uniforme e misto com o método de regressão logística

Author(s)

Alexandre Jaloto

Examples

```

set.seed(1234)

a <- rlnorm(60)
d <- rnorm(60)
data.atual <- data.frame(mirt::simdata(a, d, 1000, '2PL'))
data.antigo <- data.frame(mirt::simdata(a, d, 1000, '2PL'))

names(data.antigo) <- c(paste0('IME_', 1:50), paste0('IRC_', 51:60))
names(data.atual) <- c(paste0('IME_', 61:85), paste0('IME_', 1:25), paste0('IRC_', 51:60))

for(i in 51:60)
{data.antigo[,i] <- sample(3, 1000, TRUE)
 data.atual[,i] <- sample(3, 1000, TRUE)}
fit.antigo <- mirt::mirt(data.antigo, 1, TOL = .01)
fit.atual <- mirt::mirt(data.atual, 1, TOL = .01)
dif <- dif.mirt(fit.antigo = fit.antigo, fit.atual = fit.atual)

# para itens com nomes diferentes
names(data.antigo) <- paste0('I', 1:ncol(data.antigo))

comuns.antigo <- c(paste0('I', 1:25), paste0('I', 51:60))
comuns.atual <- c(paste0('IME_', 1:25), paste0('IRC_', 51:60))

fit.antigo <- mirt::mirt(data.antigo, 1, TOL = .01)
fit.atual <- mirt::mirt(data.atual, 1, TOL = .01)

dif <- dif.mirt(fit.antigo = fit.antigo, fit.atual = fit.atual, comuns.atual = comuns.atual, comuns.antigo = co

```

freq.nivel

*Frequência dos indivíduos nos níveis da escala***Description**

Verificar a frequência dos indivíduos em cada nível da escala

Usage

```
freq.nivel(escore, peso = 1, niv = seq(-2, 2, 0.25), met = 3)
```

Arguments

escore	Vetor com os escores
peso	Vetor com o peso de cada escore
niv	Os níveis da escala
met	O método de alocação, segundo o relatório de 2014 da ANA

Details

Detalhes

Value

A função retorna um objeto do tipo data.frame com duas variáveis: o nível da escala e a frequência relativa dos indivíduos.

Author(s)

Alexandre Jaloto

Examples

```
set.seed(1000)
escore = rnorm (100)
freq.nivel (escore)
```

gera.caderno

Gerar os cadernos de prova

Description

Gerar objeto com a estrutura correspondente à composição de cada caderno de cada disciplina / área

Usage

```
gera.caderno(itens, bib, disc.cad = 2)
```

Arguments

itens	O(s) objeto(s) com os itens da(s) disciplina(s) que compõe(m) os cadernos no BIB (tem que ser todos, por enquanto; depois tem que melhorar a função)
bib	Objeto com o BIB
disc.cad	Quantidade de disciplinas em cada caderno (padrão: 2)

Details

Utilize este campo para escrever detalhes mais técnicos da sua função (se necessário), ou para detalhar melhor como utilizar determinados argumentos.

Value

O que a função retorna?

Author(s)

Alexandre Jaloto

Examples

```
set.seed(1000)
gab.lc = sample (LETTERS[1:4], 9, replace = TRUE)
gab.mt = sample (LETTERS[1:4], 9, replace = TRUE)
itens.lc = data.frame (Bloco = rep (1:3, c (3,3,3)), Posicao = rep (1:3, 3),
                      Item = sample (12345:54321, 9), Origem = 'NOVO',
                      Gabarito = gab.lc, Num_bilog = 201:209,
                      Nome_bilog = paste ('P', 0001:0009, sep = ''), Disciplina = 'LC')
itens.mt = data.frame (Bloco = rep (1:3, c (3,3,3)), Posicao = rep (1:3, 3),
                      Gabarito = gab.mt, Item = sample (12345:54321, 9),
                      Origem = 'NOVO', Num_bilog = 201:209,
                      Nome_bilog = paste ('P', 0001:0009, sep = ''), Disciplina = 'MT')

bib = data.frame (Caderno = 1:3, Disciplina1 = rep ('LC', 3), Disciplina2 = rep ('MT', 3),
                  Bloco1 = 1:3, Bloco2 = c(2, 3, 1), Bloco3 = 1:3, Bloco4 = c(2, 3, 1))
itens = rbind (itens.lc, itens.mt)
cadernos = gera.caderno (itens, bib)
```

gera.form

Gera os forms e os gabaritos para o BILOG-MG

Description

A partir das informações do BIB e dos itens, esta função gera dois arquivos 'txt' para serem incorporados aos arquivos do BILOG-MG. São os forms, que devem ser adicionados no BLM, e os gabaritos.

Usage

```
gera.form(itens, bib, disc.cad = 2, cad.1 = c(1, 1), carac = 34)
```

Arguments

itens	O(s) objeto(s) com os itens da(s) disciplina(s) que compõe(m) os cadernos no BIB (tem que ser todos, por enquanto; depois tem que melhorar a função). ATENÇÃO: precisa ser data.frame
bib	Objeto com o BIB. ATENÇÃO: precisa ser data.frame
disc.cad	Quantidade de disciplinas em cada caderno
cad.1	Número do primeiro form, no BILOG-MG, referente aos cadernos de cada disciplina
carac	Quantidade de caracteres antes da leitura do vetor de resposta no BILOG-MG

Value

Para cada disciplina, dois arquivos 'txt':

1. arquivo com os forms para o BILOG-MG
2. arquivo com os gabaritos dos forms para o BILOG-MG

Author(s)

Alexandre Jaloto

Examples

```

set.seed(1000)
gab.lc = sample (LETTERS[1:4], 9, replace = TRUE)
gab.mt = sample (LETTERS[1:4], 9, replace = TRUE)
itens.lc = data.frame (Bloco = rep (1:3, c (3,3,3)), Posicao = rep (1:3, 3),
                      Item = sample (12345:54321, 9), Origem = 'NOVO',
                      Gabarito = gab.lc, Num_bilog = 201:209,
                      Nome_bilog = paste ('P', 0001:0009, sep = ''), Disciplina = 'LC')
itens.mt = data.frame (Bloco = rep (1:3, c (3,3,3)), Posicao = rep (1:3, 3),
                      Gabarito = gab.mt, Item = sample (12345:54321, 9),
                      Origem = 'NOVO', Num_bilog = 201:209,
                      Nome_bilog = paste ('P', 0001:0009, sep = ''), Disciplina = 'MT')

bib = data.frame (Caderno = 1:3, Disciplina1 = rep ('LC', 3), Disciplina2 = rep ('MT', 3),
                  Bloco1 = 1:3, Bloco2 = c(2, 3, 1), Bloco3 = 1:3, Bloco4 = c(2, 3, 1))
itens = rbind (itens.lc, itens.mt)

gera.form (itens, bib, cad.1 = c (12, 14))

```

grafico.agi

*Gerar gráficos AGI***Description**

Gerar gráficos para Análise Gráfica do Item (AGI)

Usage

grafico.agi(banco, gabarito, escore, cortes)

Arguments

banco	data.frame cuja primeira variável é o ID dos sujeitos e as demais são as repostas aos itens.
gabarito	data.frame cuja primeira variável é o nome dos itens e a segunda, o gabarito do item
escore	vetor com os escores dos sujeitos
cortes	pontos de corte para classificar os sujeitos de acordo com o escore

Value

Retorna uma lista nomeada de objetos da classe ggplot2. Cada elemento da lista é um gráfico que representa a Análise Gráfica do Item (AGI) para um item específico. Os nomes dos elementos da lista correspondem aos números dos itens (ex: lista_graficos[[1]] contém o gráfico do item 1).

Author(s)

Alexandre Jaloto

Examples

```
data(banco.sim.3PL)
banco <- banco.sim.3PL$respostas
gabarito <- banco.sim.3PL$gabarito
correcao <- mirt::key2binary(banco[, -1], gabarito$Gabarito)
escore <- rowSums(correcao, na.rm = TRUE)
grafico <- grafico.agi(banco = banco, gabarito = gabarito, escore = escore, cortes = seq(0, 45, 9))
plot(grafico[[1]])
```

info.teste

Curva de informação do teste

Description

Produz a(s) curva(s) de informação do(s) teste(s)

Usage

```
info.teste(
  pars = list(),
  testes = list(),
  theta = seq(-4, 4, 0.01),
  erro = FALSE,
  ajustar = TRUE
)
```

Arguments

pars	Objeto do tipo data.frame, matrix ou uma lista com data.frame e/ou matrix. Este objeto contém os parâmetros dos itens de cada instrumento. Se o objetivo é plotar a curva de apenas um instrumento, o objeto deve ser uma data.frame ou matrix; se a curva de mais de um instrumento for plotada, o objeto deve ser uma lista em que cada elemento é uma data.frame ou matrix com os parâmetros. A primeira coluna do objeto (ou elemento, em caso de ser uma lista) contém os valores do parâmetro 'a'; a segunda, os do parâmetro 'b'; a terceira, os do parâmetro 'c'
testes	Vetor com os nomes dos testes, para inserir a legenda no gráfico
theta	Vetor com os valores de traço latente para a construção do gráfico
erro	Valor lógico. Se TRUE, plota também a curva de erro da medida
ajustar	Valor lógico. Se TRUE, plota todas as curvas de informação na mesma escala. Se FALSE, as curvas serão plotadas em escalas diferentes no que diz respeito ao eixo 'y'.

Value

A função retorna um gráfico com a curva de informação de cada teste.

Author(s)

Alexandre Jaloto

Examples

```
# criar objeto com os parâmetros
set.seed(1000)
pars1 = data.frame (a = runif (50, .7, 1.3), b = runif (50, -3, 3), c = runif (50, 0, 1))
pars2 = data.frame (a = runif (50, .7, 1.3), b = runif (50, -3, 3), c = runif (50, 0, 1))
pars3 = data.frame (a = runif (50, .7, 1.3), b = runif (50, -3, 3), c = runif (50, 0, 1))

pars = list (pars1, pars2, pars3)
testes = c ('T1', 'T2', 'T3')
theta = seq (-3, 3, .5)

info.teste (pars = pars, theta = theta, testes = testes, erro = FALSE, ajustar = TRUE)

info.teste (pars = pars[[1]], theta = theta, testes = testes[1], erro = TRUE)
```

ler.exp

*Importação do arquivo EXPECT***Description**

Importar o arquivo .EXP produzido pelo BILOG-MG

Usage

```
ler.exp(arq.exp)
```

Arguments

arq.exp Arquivo .EXP

Details

Utilize este campo para escrever detalhes mais técnicos da sua função (se necessário), ou para detalhar melhor como utilizar determinados argumentos.

Value

A função retorna um objeto do tipo data.frame com os dados do arquivo .EXP

Author(s)

Alexandre Jaloto

Examples

```
ler.exp (arq.exp = 'PTLCV3.EXP')
```

ler.par	<i>Importação do arquivo PAR</i>
---------	----------------------------------

Description

Importar o arquivo .PAR produzido pelo BILOG-MG ou MULTILOG

Usage

```
ler.par(arq.par, prog = "BLM", categorias)
```

Arguments

arq.par	Arquivo .PAR
prog	O programa que produziu o arquivo .PAR. Use 'BLM' (padrão) para BILOG-MG e 'MLM' para MULTILOG.
categorias	Somente se prog = 'MLM'. O número máximo de categorias de um item.

Details

Utilize este campo para escrever detalhes mais técnicos da sua função (se necessário), ou para detalhar melhor como utilizar determinados argumentos.

Value

A função retorna um objeto do tipo data.frame com os dados do arquivo .PAR

Author(s)

Alexandre Jaloto

Examples

```
ler.par ('PTLCV3.PAR')  
ler.par ('ANA16.PAR', prog = 'MLM', categorias = 4)
```

ler.sco	<i>Importação do arquivo de escore</i>
---------	--

Description

Importar o arquivo de escore do BILOG-MG ou do MULTILOG

Usage

```
ler.sco(arq.sco, prog = "BLM")
```

Arguments

arq.sco	Arquivo SCO gerado pelo BILOG-MG ou pelo MULTILog
prog	Programa que gerou a base de dados ('BLM' para BILOG-MG e 'MLM' para MULTILog)

Details

Utilize este campo para escrever detalhes mais técnicos da sua função (se necessário), ou para detalhar melhor como utilizar determinados argumentos.

Value

A função retorna uma data.frame com os escores dos indivíduos

Author(s)

Alexandre Jaloto

Examples

```
ler.sco (arq.sco = 'PTLCV3.SCO', prog = 'BLM')
```

pars.priori	<i>Altera priori dos parâmetros</i>
-------------	-------------------------------------

Description

Altera valores iniciais e distribuição prévia dos parâmetros dos itens na tabela de parâmetros

Usage

```
pars.priori(values)
```

Arguments

values	tabela de parâmetros gerado pela função mirt ou multipleGroup com argumento pars = 'values'
--------	---

Details

Distribuição do a é lognormal com média 0.53062825106217, que corresponde a $\log(1.7)$, e desvio 0.5, com valor inicial 1.7. Distribuição do c é beta com alpha 5 e beta 17, com valor inicial 0.2.

Value

Tabela de parâmetros com valores alterados

Author(s)

Alexandre Jaloto

Examples

```
pars.priori (parametros)
```

prop.exp	<i>Proporções esperadas</i>
----------	-----------------------------

Description

"Abre" o objeto gerado pela função ler.exp. Ou seja, verifica as proporções empíricas e do modelo de acerto do item em cada ponto de quadratura.

Usage

```
prop.exp(dados)
```

Arguments

dados objeto gerado pela função ler.exp

Value

data.frame com o nome do item no BILOG-MG, o grupo em que foi aplicado, a variável analisada (PROPORÇÃO ou PROPORÇÃO DO MODELO), e a proporção em cada ponto de quadratura.

Author(s)

Alexandre Jaloto

relatorio.tct	<i>Relatório TCT</i>
---------------	----------------------

Description

Elabora um relatório com informações das análises psicométricas segundo a Teoria Clássica dos Testes (TCT)

Usage

```
relatorio.tct(
  disc,
  disc.extenso,
  teste,
  n.itens.comuns,
  n.itens.novos,
  n.alt,
  tct,
  caminho = getwd()
)
```

Arguments

<code>disc</code>	Sigla da disciplina / área
<code>disc.extenso</code>	Nome da disciplina / área por extenso
<code>teste</code>	Nome do teste
<code>n.itens.comuns</code>	Quantidade de itens comuns
<code>n.itens.novos</code>	Quantidade de itens novos
<code>n.alt</code>	Número máximo de alternativas dos itens
<code>tct</code>	Objeto com os resultados da análise clássica (no mesmo padrão do objeto que a função <code>tct</code> retorna). Importante que o nome das variáveis deste objeto seja no mesmo padrão do objeto que a função <code>tct</code> retorna
<code>caminho</code>	caminho para a pasta onde o relatório será salvo. Por padrão, salva na pasta de trabalho.

Value

A função retorna um arquivo HTML com o relatório das análises psicométricas segundo a Teoria Clássica dos Testes (TCT).

Author(s)

Alexandre Jaloto

simular

Simular padrões de resposta

Description

Simular padrões de resposta para itens dicotômicos segundo a Teoria de Resposta ao Item (modelos logístico e normal). Verifique se a função `simdata` do pacote `mirt` contempla suas necessidades, pois ela é mais rápida.

Usage

```
simular(theta = seq(-3, 3, by = 0.1), pars, mod = "log")
```

Arguments

<code>theta</code>	Vetor com as medidas de traço latente dos indivíduos
<code>pars</code>	Objeto do tipo <code>data.frame</code> ou <code>matrix</code> com os parâmetros dos itens. A primeira coluna deve apresentar os valores do parâmetro de discriminação; a segunda, os valores de dificuldade (posição); a terceira, os valores de acerto casual (<i>pseudochute</i>). Para modelos de dois parâmetros ou um, veja a seção <i>Details</i> .
<code>mod</code>	O modelo da distribuição de probabilidade. Use "log" para logístico e "norm" para normal

Details

A simulação requer itens de três parâmetros. Para realizar simulação de respostas a itens de dois parâmetros, arbitre o valor do acerto casual para 0. Para realizar a simulação de respostas a itens de um parâmetro, considere o acerto casual como 0 e a discriminação como 1.

Value

A função retorna um objeto do tipo matrix que contém a probabilidade de cada indivíduo acertar cada item. As linhas correspondem aos indivíduos e as colunas, aos itens.

Author(s)

Alexandre Jaloto

Examples

```
set.seed(1000)
theta = rnorm(50, 0, 1)
pars = matrix( c( runif(20, .5, 2), rnorm(20, 0, 1),
                  runif(20, .05, .4)), nrow = 20, ncol = 3)
simular(theta = theta, pars = pars)
```

tct

*Análise via Teoria Clássica dos Testes (TCT)***Description**

Análise psicométrica de itens por meio da TCT

Usage

```
tct(
  banco.aberto,
  gab.aberto,
  alt = c("A", "B", "C", "D", ".", "*"),
  usa.normit = TRUE,
  met.perc = 6,
  pop = FALSE
)
```

Arguments

banco.aberto	Objeto do tipo data.frame ou matrix cuja primeira variável é o número do caderno e as demais variáveis são as respostas a cada item; é necessário que o banco esteja aberto e os cadernos estejam ordenados a partir do 1; importante: o banco já tem que ser somente da disciplina que será analisada
gab.aberto	Objeto do tipo data.frame com duas variáveis: código do item e gabarito; é necessário que a ordem dos itens seja a mesma da ordem do objeto banco.aberto
alt	As alternativas possíveis em cada item
usa.normit	Valor lógico que indica se o escore utilizado para a análise é o normit (TRUE) ou a soma de acertos (FALSE)
met.perc	O método utilizado para o cálculo do percentil. Varia de 1 a 9. Para mais informações, verifique ajuda da função quantile.
pop	TRUE se for população, FALSE (padrão) se for uma amostra. Essa escolha interfere nas contas que envolvem o cálculo da variância ou do desvio padrão.

Details

A análise utiliza análise via normit. Para os cálculos que envolvem o desvio padrão, considera-se a raiz da variância da população; a função var considera n-1, assim como a função sd.

Value

A função retorna um objeto do tipo list com os seguintes elementos:

\$tct Dados dos itens e da análise, quais sejam: Número sequencial do item; Código do item; Gabarito do item; Índice de dificuldade; Índice de discriminação; Porcentagem de acerto no grupo inferior; Porcentagem de acerto no grupo superior; Correlação bisserial (mesma fórmula do do BILOG-MG, porém incluindo o item no escore); Correlação bisserial robusta (escore sem o item analisado; igual à do BILOG); Correlação de Parson robusta (escore sem o item analisado); Proporção de escolha de cada alternativa; Correlação bisserial de cada alternativa.

\$normit Dados dos indivíduos, quais sejam: Caderno apresentado; Resposta a cada item (banco aberto); Soma de acertos; Normit.

Author(s)

Alexandre Jaloto

Examples

```
# criar um banco aberto
set.seed(1000)
gab.lc = sample (LETTERS[1:4], 9, replace = TRUE)
gab.mt = sample (LETTERS[1:4], 9, replace = TRUE)
itens.lc = data.frame (Bloco = rep (1:3, c (3,3,3)), Posicao = rep (1:3, 3),
                      Item = sample (12345:54321, 9), Origem = 'NOVO',
                      Gabarito = gab.lc, Num_bilog = 201:209,
                      Nome_bilog = paste ('P', 0001:0009, sep = ''), Disciplina = 'LC')
itens.mt = data.frame (Bloco = rep (1:3, c (3,3,3)), Posicao = rep (1:3, 3),
                      Gabarito = gab.mt, Item = sample (12345:54321, 9),
                      Origem = 'NOVO', Num_bilog = 201:209,
                      Nome_bilog = paste ('P', 0001:0009, sep = ''), Disciplina = 'MT')

bib = data.frame (Caderno = 1:3, Disciplina1 = rep ('LC', 3), Disciplina2 = rep ('MT', 3),
                 Bloco1 = 1:3, Bloco2 = c(2, 3, 1), Bloco3 = 1:3, Bloco4 = c(2, 3, 1))
itens = rbind (itens.lc, itens.mt)
resp = matrix (sample (LETTERS[1:4], 12*30, replace = TRUE), ncol = 12)
banco = data.frame (CAD = seq(1:3), resp)
disc = 'LC'
aberto = abre.banco (banco = banco, itens = itens, bib = bib, disc = disc)

tct = tct (banco.aberto = aberto$respostas, gab.aberto = aberto$gabarito)
```

Index

* datasets

- banco.sim.3PL, [11](#)
- banco.sim.BIB.aberto, [11](#)
- banco.sim.BIB.fechado, [12](#)

- abre.banco, [3](#)
- abre.resp, [4](#)
- adeq.par, [5](#)
- aloca.dico, [6](#)
- aloca.pessoa, [7](#)
- aloca.poli, [8](#)
- arred, [10](#)

- banco.sim.3PL, [11](#)
- banco.sim.BIB.aberto, [11](#)
- banco.sim.BIB.fechado, [12](#)
- brincar, [12](#)

- cci, [13](#)
- compara.sim.tct, [14](#)
- compara.sim.tri.v0, [14](#)
- compara.sim.tri.v1, [15](#)

- dif.bilog, [16](#)
- dif.mirt, [17](#)

- freq.nivel, [19](#)

- gera.caderno, [20](#)
- gera.form, [21](#)
- grafico.agi, [22](#)

- INEPsico (INEPsico-package), [2](#)
- INEPsico-package, [2](#)
- info.teste, [23](#)

- ler.exp, [24](#)
- ler.par, [25](#)
- ler.sco, [25](#)

- pars.priori, [26](#)
- prop.exp, [27](#)

- relatorio.tct, [27](#)

- simular, [28](#)

- tct, [29](#)