

relative transcript abundance

0.2  
0.1  
0.0

1

5

9

0.2  
0.1  
0.0

0.3  
0.4  
0.1  
1  
2  
3  
5  
6  
7  
8  
10  
11  
12  
13  
14  
15  
16  
17  
18  
19  
20

genes

0.3 0.4 0.1 1 2 3 5 6 7 8 10 11 12 13 14 15 16 17 18 19 20