Objectif

Décrire les étapes de création d’un type d’import.

Pour les données à importer dans NGL, il est nécessaire connaitre quelles sont obligatoires, pour chaque type d’import. Il est pratique de connaitre la totalité des propriétés qu’on peut renseigner au moment de chaque import.

Import via fichier Excel

1. Dans app-ngl-data/app/service/description/sample/ ImportServiceGET.java -> saveImportTypes() ajouter nouveau type d’import

// l.add(newImportType …

et définir ses propriétés

// private static List<PropertyDefinition> get\*() throws DAOException {  
        List<PropertyDefinition> propertyDefinitions = new ArrayList<PropertyDefinition>();  
        propertyDefinitions.add( …

1. Créer un fichier excel. (Model est stocké dans app-ngl-sq/doc/get/excel/ )
   1. Les noms des colonnes ne sont pas prisés en compte, contrairement à leurs numéros (0-n).
   2. Le nombre de feuilles non limité, mais seulement la première est destinée pour la lecture.
   3. Des titres se trouvent sur la ligne "1" (pas de lignes supplémentaires avant).
2. Créer un document mongodb dans la collection ngl\_common.ReceptionConfiguration. Ce qui permet le mapping entre les colonnes Excel et les Objet Java. (json est stocké dans app-ngl-sq/doc/get/collections/ )

Dans cette collection :

* "importTypeCode" - est le type d’import définis dans java
* "className" - "models.laboratory.common.instance.property.PropertySingleValue" ( si "\_type": "properties")
* "\_type" - "default" (si valeur est renseigné directement) ; "excel" (si valeur à chercher dans Excel)
* "cellPosition" - corresponde au numéro de colonne dans Excel
* "required" – booléen obligatoire
* "defaultValue" - si besoin, il est de bon pratique le définir au moins : "null"
* des propriétés de content ne sont pas vérifiées

La structure de JSON

|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
| par défaut | obligatoire | facultative | possible |

|  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| **1** | **2** | **3** | **4** | **Description** | **Exemples valeurs** |
| code |  |  |  | Code d’indentification | "RC-201704030930", |
| name |  |  |  | Nom affiché à l’interface (=ImportServiceGET) | "Import Fichier 10x" |
| fileType |  |  |  |  | "excel" |
| action |  |  |  |  | "save", "update" |
| traceInformation |  |  |  |  |  |
|  | createUser |  |  |  | "ngsrg" |
|  | creationDate |  |  |  | New Date() |
|  | modifyUser |  |  |  | "ngsrg" |
|  | modifyDate |  |  |  | New Date() |
| container |  |  |  | object |  |
|  | code |  |  | Code-barres | "GENOxxxx" |
|  | importTypeCode |  |  | Nom d’import (=ImportServiceGET) | "import10x" |
|  | state |  |  |  | "IW-P" |
|  | support |  |  | object |  |
|  |  | code |  | Code-barres | "GENOxxxx" |
|  |  | line |  |  |  |
|  |  | column |  |  |  |
|  |  | categoryCode |  | Type de support | " 96-well-plate", "tube" |
|  | contents |  |  | object |  |
|  |  | pool |  | boolean |  |
|  |  | projectCode |  |  |  |
|  |  | sampleCode |  | Code-barres | "GENOxxxx", "GENOxxxx :XX" |
|  |  | properties |  | properties |  |
|  |  |  | tag | nom d’index |  |
|  |  |  | tagCategory | catégorie d’index | "DUAL-INDEX",  "SINGLE-INDEX", "NoIndex" |
|  |  |  | Type\_librairie | type de librairie | DNA, DNA-MP, RNA-Stranded, RAD-Seq, ReadyToLoad, 16S, Amplicon, Bisulfite-DNA, MeDIP-Seq,  ChIP-Seq, 10X |
|  |  |  | Concentration\_Librairie |  |  |
|  |  | concentration |  |  |  |
|  |  | comments |  | comments |  |
|  |  |  | comment | concaténation: date de reception + projet + nomCollab.  (= étiquette) |  |
|  |  | properties |  | properties |  |
|  |  |  | receptionDate |  |  |
|  |  |  | qualityControlResults {} | qualityControlResults |  |
| sample |  |  |  |  |  |
|  | code |  |  | code-barres | "GENOxxxx", "GENOxxxx :XX" |
|  | typeCode |  |  | type d’échantillon | DNA, RNA, ReadyToLoad, Amplicon |
|  | categoryCode |  |  | type d’échantillon | DNA, RNA, ReadyToLoad, Amplicon |
|  | importTypeCode |  |  | nom d’import (=ImportServiceGET) | "import10x" |
|  | referenceCollab |  |  | nom d’échantillon |  |
|  | projectCodes |  |  |  |  |
|  | properties |  |  | properties |  |
|  |  | theoricalGCPercent |  |  |  |
| support |  |  |  |  |  |
|  | code |  |  | Code-barres | "GENOxxxx" |
|  | state |  |  |  | "IW-P" |
|  |  |  |  |  |  |