Confronto delle prestazioni CPU-GPU per la simulazione di un reticolo di Ising-2D

Stefano Mandelli

1 Scelta del modello

Viene considerato un reticolo periodico di dimensione d, ad ogni cella del reticolo viene associato uno spin s_i che può essere solo del tipo $s_i = \{+1, -1\}$. La prima possibilità indica la direzione del dipolo magnetico, associato alla cella i-esima del reticolo, verso l'alto la seconda verso il basso. Il sistema è descritto dall'Hamiltoniana di Ising

$$\mathcal{H} = -J\sum_{\langle ij\rangle} s_i s_j - h\sum_i s_i \tag{1}$$

dove h identifica un eventuale campo magnetico esterno. La prima sommatoria è fatta sui primi vicini e J indica la costante di accoppiamento tra spin primi vicini. Se J>0 stiamo descrivendo un sistema ferromagnetico, se J<0 uno anti-ferromagnetico. In questo caso viene considerato J>0 e tutte le simulazioni sono fatte considerando il campo magnetico esterno nullo, quindi ad h=0.

Il modello di Ising (escluso il caso 1D) presenta una transizione di fase in prossimità di una temperatura critica T_c . Per temperature maggiori di T_c il sistema si comporta in modo totalmente paramagnetico. Per temperature inferiori invece si ha un fenomeno di magnetizzazione spontanea. Le grandezze fisiche che possono essere calcolate sono $\langle M \rangle$ e il calore specifico a volume costante C_V che viene calcolato col teorema di fluttuazione-dissipazione. La quantità interessente è $c_V = C_V/N$ dove N è il numero totale di spin del reticolo. In questo modo la quantità

$$c_v = \frac{k_B \beta^2}{N} (\langle E^2 \rangle - \langle E \rangle^2) \tag{2}$$

permette di confrontare i calori specifici per diversi size del reticolo.

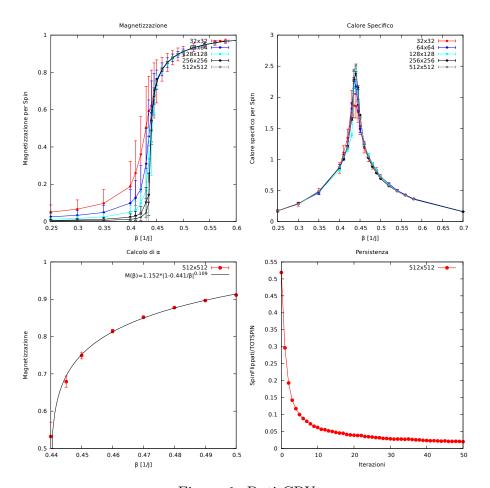


Figura 1: Dati CPU

- 2 Variabili termodinamiche di interesse
- 3 Il problema dei numeri pseudorandom

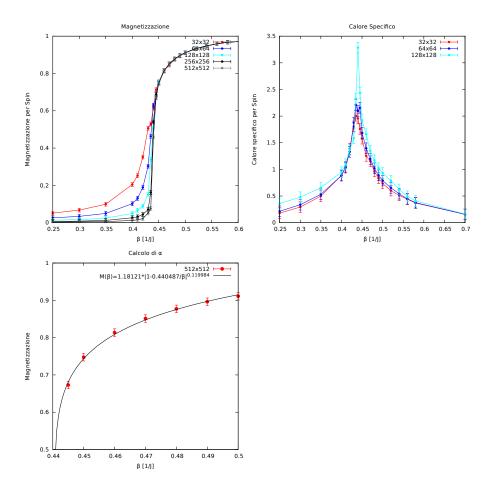


Figura 2: Dati GPU

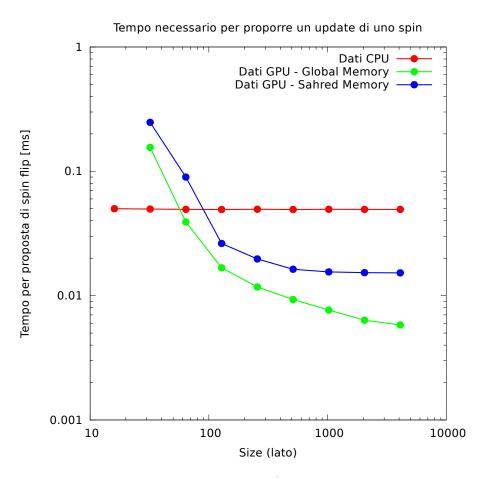


Figura 3: CPU/GPU