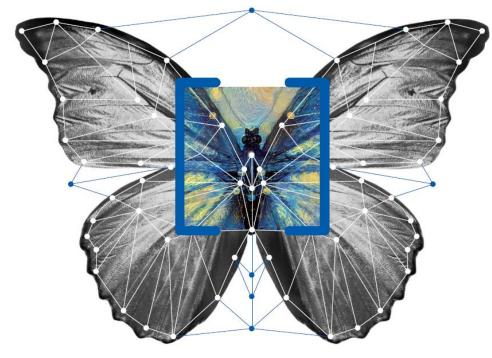
MACHINE LEARNING 기계 학습

[강의교안 이용 안내]

- 본 강의교안의 저작권은 한빛아카데미㈜에 있습니다.
- <u>이 자료를 무단으로 전제하거나 배포할 경우 저작권법 136조에 의거하여 최고 5년 이하의 징역 또는 5천만원 이하의 벌금에 처할 수 있고 이를 병과(倂科)할 수도 있습니다.</u>





MACHINE 기계 학습 LEARNING

10. 확률 그래피컬 모델

PREVIEW

- 확률 추론 문제
 - 흡연 환자의 엑스레이 진단에서 양성이 나타났을 때 폐암일 확률은?
 - 한국은행이 기준금리를 올렸고 S전자의 1분기 실적이 양호일 때 S전자의 주식이 오를 확률은?
 - →답을 구할 수 있다면 매우 유용
- 확률 그래피컬 모델probabilistic graphical model
 - 엑스레이, 흡연, 폐암을 확률변수로 정의하고 이들의 상호작용을 그래프로 표현하고, 그래 프에서 확률 추론 수행
 - 대표적 모델 3가지
 - 베이지안 네트워크
 - 마르코프 랜덤필드
 - RBM과 DBN

각 절에서 다루는 내용

- 10.1절_ 확률 그래피컬 모델의 유형을 구분하고 원리를 소개한다.
- 10.2절_ 베이지안 네트워크가 독립성을 이용하여 확률을 추론하는 방법을 설명한다.
- 10.3절_ 마르코프 네트워크가 에너지함수를 이용하여 확률을 추론하는 방법을 설명한다.
- 10.4절_ 딥러닝을 촉발시켰다고 평가되는 RBM과 RBM을 깊게 쌓은 DBN을 설명한다.

10.1 확률과 그래프의 만남

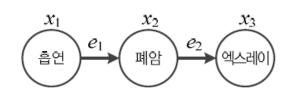
- 10.1.1 그래프 표현
- 10.1.2 그래프 분해와 확률 표현

10.1.1 그래프 표현

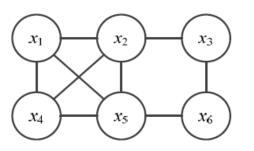
- 그래프 표현
 - 예, 흡연 환자의 엑스레이 진단에서 양성이 나타났을 때 폐암일 확률은?
 - 주요 요인을 확률변수로 뽑음(엑스레이, 흡연, 폐암) 노드
 - 인과관계 설정 -에지
 - 그래프는 확률변수의 상호작용을 표현하는 뼈대
 - 뼈대에 확률을 부여하면 확률 그래피컬 모델이 됨

10.1.1 그래프 표현

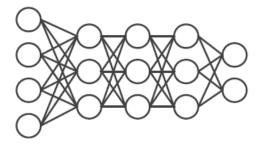
- 대표적인 3가지 모델
 - 베이지안 네트워크Bayesian network
 - 인과관계를 나타내기 위해 방향 에지를 사용
 - 마르코프 랜덤필드
 - 인과관계가 없어 무방향 에지를 사용
 - DBN
 - RBM을 여러 층으로 쌓아 만듦



(a) 베이지안 네트워크(방향 그래프)



(b) 마르코프 랜덤필드(무방향 그래프)



(c) DBN(깊은 신경망)

그림 10-1 확률 그래피컬 모델

10.1.2 그래프 분해와 확률 표현

- 그래프 G = {X,E}
 - 노드의 집합 $X = \{x_1, x_2, \dots, x_n\}$
 - 에지의 집합 $E = \{e_1, e_2, \dots, e_m\}$
- 완전 그래프 예, [그림 10-2]
 - 결합확률 $P(\mathbf{x}) = P(x_1, x_2, x_3)$ 을 부여해야 함
 - 확률변수가 가질 수 있는 값이 $x_1 \in$ $\{smoking, non_smoking\}, x_2 \in$ $\{lung_cancer, not_lung_cancer\}, x_3 \in$ $\{positive, negative\}$ 라면 8개(2³) 확률값을 지정해야 함

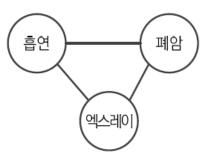


그림 10-2 세 확률변수의 완전 그래프(결합 확률 필요)

 $P(smoking, lung_cancer, positive) = 0.02, \ P(non_smoking, lung_cancer, positive) = 0.01,$ $P(smoking, lung_cancer, negative) = 0.01, \ P(non_smoking, lung_cancer, negative) = 0.01,$ $P(smoking, not_lung_cancer, positive) = 0.03, \ P(non_smoking, not_lung_cancer, positive) = 0.02,$ $P(smoking, not_lung_cancer, negative) = 0.20, \ P(non_smoking, not_lung_cancer, negative) = 0.70$

10.1.2 그래프 분해와 확률 표현

■ 결합확률

- 완벽한 확률 정보로서 모든 확률 추론 가능
 - 예, 엑스레이가 양성일 때 폐암 확률은?
 - 예, 흡연자의 폐암 확률은?
- 결합확률을 알아내는 일은 차원의 저주
 - n개 확률변수가 있고, 각각 q개의 값을 가진다면 총 $q^n 1$ 개의 확률을 알아내야 함

■ 그래프 분해

- 직접 상호작용하는 확률변수만 에지로 연결함
- 확률 그래피컬 모델의 핵심 아이디어
 - 베이지안 네트워크는 직접적인 인과관계가 있는 변수만 방향 에지로 연결
 - 마르코프 랜덤필드는 이웃한 변수만 무방향 에지로 연결
 - DBN은 이웃한 층 사이에만 무방향 에지로 연결
- 결합확률을 알아낼 필요가 없어지고, 분해된 그래프에서 부분집합의 확률분포만 알아내면 됨
- 에지 연결이 없는 노드는 중 간 노드를 통해 상호작용을 함(예, 흡연과 엑스레이는 폐암을 통해 상호작용)

10.2 베이지안 네트워크

- 10.2.1 간단한 예제
- 10.2.2 그래프 분해
- 10.2.3 d-분리
- 10.2.4 확률 추론

- 베이지안 네트워크의 장점
 - 마르코프 랜덤필드나 DBN보다 더 엄격한 확률 모델(다른 두 모델은 에너지 함수를 통해 간접적으로 확률 연산을 수행하는 반면, 베이지안 네트워크는 데이터로부터 확률 추정)
 - 확률변수 사이의 인과관계를 조건부 확률로 표현하므로 불완전 데이터를 처리할 수 있음(일부 확률변수를 관찰했을 때 나머지 변수 중 관심 있는 것의 확률을 계산할 수 있음)
 - 데이터와 전문가 지식을 혼용해 사용할 수 있음

10.2 베이지안 네트워크

■ 세 가지 주요 문제

- 구조 학습structure learning: [그림 10-1(a)]와 같은 그래프 구조를 만드는 작업이다. 확률변수는 사람이 결정 해야 하며, 확률변수가 정해지면 이들 간의 인과관계는 사람이 지정하거나 데이터로부터 자동으로 알아낼 수 있다.
- 확률 학습probability learning: 노드 또는 노드와 노드 사이에 확률을 부여하는 작업이다. 부모가 없는 루트 노드는 사전 확률, 부모가 있는 노드는 조건부 확률을 알아낸다.
- 확률 추론probabilistic inference: 구조 학습과 확률 학습을 마친 후 테스트 단계 또는 현장 설치 후 수행하는 작업이다. 흡연자의 폐암 확률을 알아내는 것과 같은 각종 질문에 대한 확률을 추정하는 일이다.

예제 10-1

베이지안 네트워크로 폐암 진단

병원에서는 폐암 진단을 위해 엑스레이 사진을 찍는다. 이때 폐암과 엑스레이를 확률변수로 뽑고, 각각을 x_1 과 x_2 로 표기하자. 자칫 엑스레이 결과를 보고 폐암을 진단하므로 엑스레이 \rightarrow 폐암이라는 인과관계를 맺으려 할 수 있는데, 자연계 현상에서는 폐암 여부가 엑스레이 결과를 좌우하므로 [그림 10-3]과 같이 폐암 \rightarrow 엑스레이라고 표현해야 한다.

청정지역으로 유명한 마을에 사는 길동은 정기건강검진을 하던 중 엑스레이에서 양성 반응이 나타났다. 공황상태에 빠진 길동은 문득 기계 학습 과목에서 배운 베이지안 네트워크 이론이 떠올랐다. [그림 10-3]과 같이 노드 2개를



 $P(lung_cancer) = 0.001$ $P(not\ lung\ cancer) = 0.999$ $P(positive|lung_cancer) = 0.6$

 $P(negative lung_cancer) = 0.4$

P(positive | not lung cancer) = 0.02

 $P(negative not_lung_cancer) = 0.98$

그림 10-3 노드가 2개인 베이지안 네트워크

길동은 자신이 알고 싶어하는 확률, 즉 엑스레이가 양성인 조건에서 폐암일 확률을 수식 $P(x_1 = lung_cancer | x_2 = positive)$ 로 표현하였다. 그리고 2장의 식 (2.26)의 베이즈 정리를 이용하여 다음과 같이 계산하였다.

$$P(lung_cancer|positive) = \frac{P(positive|lung_cancer)P(lung_cancer)}{P(positive)}$$

$$= \frac{P(positive|lung_cancer)P(lung_cancer)}{P(positive|lung_cancer)P(lung_cancer) + P(positive|not_lung_cancer)P(not_lung_cancer)}$$

$$= \frac{0.6 * 0.001}{0.6 * 0.001 + 0.02 * 0.999} = 0.029$$

길동은 엑스레이에서 양성 반응이 나타났지만 폐암일 확률은 불과 2.9%에 불과하다는 확률 추론 결과를 보고 안도하였다. 그리고 정밀 검사를 받기로 하였다.

- 세 가지 주요 문제
 - [그림 10-3]의 그래프 구조를 만드는 일은 구조 학습
 - 통계청과 병원에서 확률을 수집한 일은 확률 학습
 - 엑스레이에서 양상이 나타난 자신이 폐암일 확률을 계산한 일은 확률 추론

- 미세먼지에 뒤덮인 탄광 마을 주민에 적용하면,
 - 탄광의 폐암 환자 비율이 0.5%라고 가정하면, 양성 반응인 사람의 폐암 확률은 13.1%

$$P(lung_cancer|positive) = \frac{0.6 * 0.005}{0.6 * 0.005 + 0.02 * 0.995} = 0.131$$

예제 10-2 젖은 잔디

비가 오거나 스프링클러를 틀면 잔디는 젖은 상태가 된다. 비가 오면 스프링클러를 틀 필요가 없다. 이 상황을 베이지안 네트워크로 표현해 보자. 먼저 비, 스프링클러, 잔디라는 3개의 확률변수를 뽑았다고 하자. 그리고 모든 변수가 두 가지 상태만 가진다고, 즉 비 \in { $rain, not_rain$ }, 스프링클러 \in {on, off}, 잔디 \in {wet, dry}라 가정하자. 어느 정도 관찰한 결과,[그림 10-4]와 같은 확률을 얻었다.

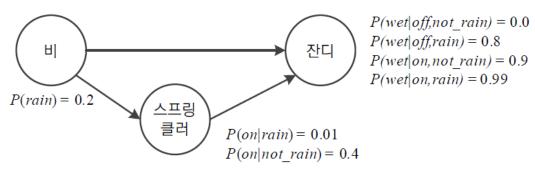


그림 10-4 노드가 3개인 베이지안 네트워크

확률은 아래와 같이 표로 표현할 수도 있다. 확률의 성질에 따라 행 방향으로 값을 더하면 항상 1이 되어야 한다. 따라서, 두 번째 열을 생략하여도 된다. [그림 10-4]에서는 이 성질을 이용하여 전체 경우 중 반만 제시하였다.

Ы	스프링쿨러		
rain not-rain	비	on	off
0.2 0.8	not_rain	0.4	0.6
	rain	0.01	0.99

		잔디	
스프링쿨러	비	wet	dry
off off on	not_rain rain not_rain	0.0 0.8 0.9	1.0 0.2 0.1
on	rain	0.99	0.01

이제 완성된 베이지안 네트워크로부터 다양한 확률을 추론할 수 있다. 예를 들어, 비가 오지 않았는데 스프링클러가 켜 지 있을 확률을 구하고자 하면 $P(\Delta = 0 = 0)$ 비 = non_rain)을 구하는 셈이므로 두 번째 표를 참조하여 40%라고 답하면 된다.

식 (10.1)을 적용하여 다음과 같이 결합확률을 구할 수도 있다. 총 8가지가 가능한데, 4가지만 보인다.

P(wet, on, rain) = P(rain)P(on|rain)P(wet|on, rain) = 0.2 * 0.01 * 0.99 = 0.00198 $P(wet, on, not_rain) = P(not_rain)P(on|not_rain)P(wet|on, not_rain) = 0.8 * 0.4 * 0.9 = 0.288$ P(wet, off, rain) = P(rain)P(off|rain)P(wet|off, rain) = 0.2 * 0.99 * 0.8 = 0.1584

 $P(wet, off, not_rain) = P(not_rain)P(off|not_rain)P(wet|off, not_rain) = 0.8 * 0.6 * 0.0 = 0.0$

잔디가 젖어 있는 것을 관찰했을 때 비가 왔을 확률 P(rain|wet)을 구해 보자. 다음과 같이 계산하며, 35.77%라는 것을 알 수 있다.

$$\begin{split} P(rain|wet) &= \frac{P(rain, wet)}{P(wet)} \\ &= \frac{\sum_{S \in \{on, off\}} P(wet, S, rain)}{\sum_{S \in \{on, off\}} \sum_{R \in \{rain, not_rain\}} P(wet, S, R)} \\ &= \frac{P(wet, on, rain) + P(wet, off, rain)}{P(wet, on, rain) + P(wet, off, rain) + P(wet, off, rain) + P(wet, off, rain)} \\ &= \frac{0.00198 + 0.1584}{0.00198 + 0.288 + 0.1584 + 0.0} = 0.3577 \end{split}$$

- 확률 부여에서 중요한 점
 - 루트 노드는 사전 확률
 - 루트가 아닌 노드는 조건부 확률을 가짐
 - ← 10.2.2절에서 마르코프 성질을 이용하여 엄밀하게 정의

■ 결합확률을 전개하면 식 (10.1)이 성립

$$P(\mathbf{x}) = P(x_1, x_2, \dots, x_n)$$

$$= P(x_1)P(x_2|x_1)P(x_3|x_2, x_1)P(x_4|x_3, x_2, x_1) \cdots P(x_n|x_{n-1}, x_{n-2}, \dots, x_1)$$
(10.1)

- [그림 10-5]의 예제에서
 - 위상 정렬한 후, 식 (10.1)을 적용하면

P(흡연, 폐렴, 폐암, 피로, 엑스레이)

 x_1 = P(흡연)P(폐렴[흡연)P(폐암[폐렴, 흡연)P(피로[폐암, 폐렴, 흡연) (10.2) P(엑스레이[피로, 폐암, 폐렴, 흡연)

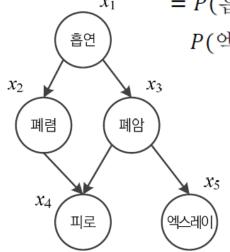


그림 10-5 노드가 5개인 인과관계 그래프

- 마르코프 조건
 - 노드 x의 부모를 y라 할 때, y의 값이 주어지면 x는 비후손(후손을 제외한 모든 노드)와 조건부 독립
 - 예, P(엑스레이 | 피로, 폐암, 폐렴, 흡연) = P(엑스레이 | 폐암)
- 마르코프 조건을 식 (10.2)에 적용하면,

P(흡연, 폐렴, 폐암, 피로, 엑스레이)

= P(흡연)P(폐렴[흡연)P(폐암[흡연)P(피로[폐암, 폐렴)P(엑스레이]폐암)

- 이렇게 유도된 식에 따라 확률을 부여하면
 - [그림 10-6]의 베이지안 네트워크가 됨

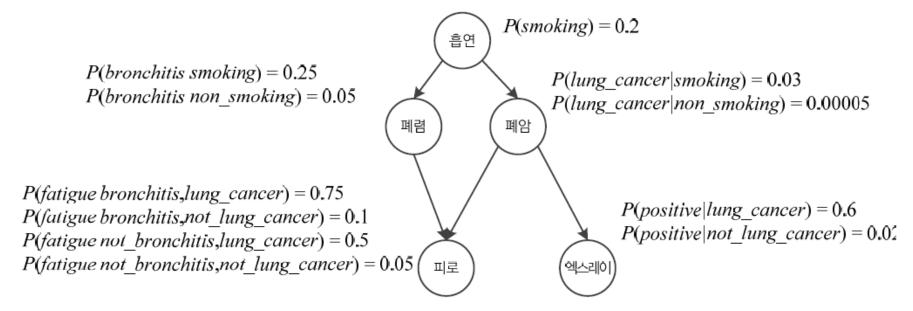


그림 10-6 베이지안 네트워크

- 확률 학습
 - 부모 자식 사이에만 확률을 부여하면 됨

베이지안 네트워크에 확률을 부여하는 방법: 부모가 없는 루트 노드에는 사전 확률을 부여하고, 부모가 있는 노드에는 부모와 자식 사이로 한정하여 조건부 확률을 부여한다.

- 확률 학습 수행
 - 해당 분야 전문가가 경험이나 보유한 데이터를 기반으로 부여
 - 훈련집합을 가지고 자동 학습

■ 조건부 독립

■ 세 가지 연결 패턴: 선형, 분기, 합류

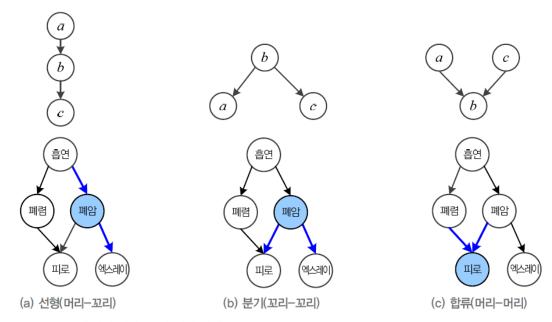


그림 10-7 세 가지 인과관계와 예제 체인

- 체인: 에지로 연결된 길
 - 예, 흡연→피로→폐렴
 - 예, 엑스레이←폐암→피로←폐렴(조상이 자식에게 영향을 미치기 떄문에 역방향도 인정)

■ 선형

- [그림 10-7(a)]에서 파란색은 값이 주어진 노드
- 폐암 여부가 알려졌으므로, 마르코프 조건에 따라 엑스레이는 흡연과 조건부 독립임
 - 즉, P(엑스레이|폐암,흡연) = P(엑스레이|폐암)
 - 독립 표기를 사용하면 I(엑스레이,흡연|폐암)

■ 분기

- b를 모르면 a와 c는 독립이 아니고, b를 알면 a와 c는 독립임
- 즉, I(피로,엑스레이|폐암)
- b를 알면 $a \leftarrow b \rightarrow c$ 체인은 폐쇄된다,라고 표현

■ 합류

- b를 모르면 a와 c는 독립, b를 알면 a와 c는 독립이 아님(분기와 반대)
- b를 알면 a와 c는 독립이 아님을 설명됨 $^{\text{explaining away}}$ 현상(할인 현상):
 - 예, 피로를 느낀다는 사실을 알게 되면, 폐암과 폐렴은 서로 영향을 줌(폐암이면 폐렴 가능성은 낮아짐)
 - b를 알면 $a \rightarrow b \leftarrow c$ 체인은 열린다,라고 표현

예제 10-3 조건부 독립

[그림 10-8(a)]는 [그림 10-5]의 그래프에서 일부를 자르고 짜증이라는 노드를 추가한 것이다. 이 상황에서 I(피로, 흡연|폐렴)은 [그림 10-7(a)]의 선형 구조에 따라 성립한다. 그런데 짜증도 흡연과 조건부 독립일까? 즉 I(짜증,흡연 |폐렴)일까? 답은 '예'이다. 이러한 조건부 독립은 체인이 아주 길어도 성립한다. 또한, 값이 알려진 변수를 중심으로 위쪽에 있는 변수집합과 아래쪽에 있는 변수집합 사이에도 조건부 독립이 성립한다. 예를 들어 I({피로,짜증},흡연|폐렴)이다. 폐렴이 체인을 폐쇄하였다.

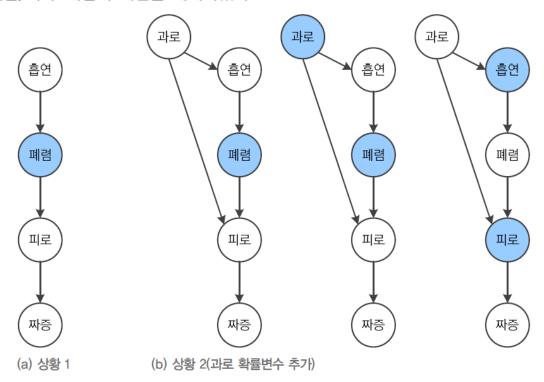


그림 10-8 조건부 독립을 설명하는 예제

[그림 10-8(a)]에 과로라는 확률변수를 추가하여 약간 더 복잡한 [그림 10-8(b)]를 만들었다. 과로는 흡연과 피로에 직접적인 영향을 준다고 가정하여 에지로 연결하였다. 이 상황에서도 I(m주, 흡연) 폐렴)일까? 즉, 폐렴 여부를 알게 되었을 때 짜증과 흡연은 독립일까? 답은 '아니다'이다. 왜냐하면 흡연한다는 사실은 과로일 가능성을 키우고, 과로는 피로일 가능성, 피로는 짜증일 가능성을 키우기 때문이다.

[그림 10-8(b)]의 두 번째 그림에 해당하는 것으로, 폐렴 여부도 알고 과로 여부도 안다고 가정하자. 짜증과 흡연이 조건부 독립일까? 즉, I(짜증,흡연|과로,폐렴)일까? 답은 '그렇다'이다. 과로가 값을 가져 더는 흡연이 피로에 영향을 미치지 못하기 때문이다. 과로 확률변수가 흡연←과로→피로→짜증 체인을 폐쇄하였다.

흡연과 피로 여부를 아는 [그림 10-8(b)]의 세 번째 상황을 생각해 보자. 이때 과로와 폐렴은 조건부 독립, 즉 I(과로, 폐렴[흡연, 피로)일까? 답은 '아니다'이다. 왜냐하면 이 상황에서 환자가 과로한다는 사실을 알게 되면 폐렴일 가능성을 작게 보고, 반대로 과로하지 않는다는 사실을 알게 되면 폐렴을 의심, 즉 폐렴 가능성을 크게 보므로 과로와 폐렴은 조건부 독립이 아니다. 설명됨explaining away이라는 현상이 발생하였다.

■ 체인의 폐쇄

정의 10-1 체인의 폐쇄

a와 c를 잇는 체인 $a \leadsto c$ 와 노드 집합 \mathcal{W} 가 주어졌을 때, 다음 조건 중 하나라도 성립하면 체인은 \mathcal{W} 에 의해 폐쇄되었다고 말한다.

- (1)(선형) \mathcal{W} 에 속한 노드가 체인에 머리-꼬리 형태로 나타난다.
- (2)(분기) \mathcal{W} 에 속한 노드가 체인에 꼬리-꼬리 형태로 나타난다.
- (3) (합류) 체인에 머리-머리 형태의 노드가 있을 때, 이 노드와 노드의 자손이 모두 \mathcal{W} 에 속하지 않는다.

예제 10-4 체인의 폐쇄

[그림 10-9]는 12개 확률변수를 가진 베이지안 네트워크이다. 여기에서 체인 $d \leadsto h$ 에 대한 폐쇄 여부를 확인하자.

• $d \to e \to f \to g \to h$ 는 $\mathcal{W} = \{f\}$ 에 의해 폐쇄된다. 이 체인에 \mathcal{W} 에 속하는 머리-꼬리 노드 f가 있기 때문이다.

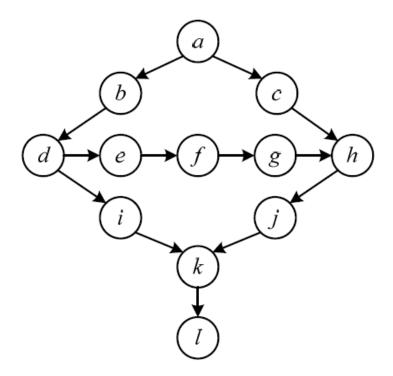


그림 10-9 체인의 폐쇄를 설명하는 예제

- $d \to e \to f \to g \to h$ 는 $\mathcal{W} = \{f,a\}$ 에 의해 폐쇄된다. 이 체인에 \mathcal{W} 에 속하는 머리-꼬리 노드 f가 있기 때문이다.
- $d \leftarrow b \leftarrow a \rightarrow c \rightarrow h$ 는 $\mathcal{W} = \{f,a\}$ 에 의해 폐쇄된다. 이 체인에 \mathcal{W} 에 속하는 꼬리-꼬리 노드 a가 있기 때문이다.
- $d \to i \to k \leftarrow j \leftarrow h$ 는 $\mathcal{W} = \{f, a\}$ 에 의해 폐쇄된다. 이 체인에 머리-머리 노드 k가 있는데, k와 k의 자손 l이 \mathcal{W} 에 속하지 않기 때문이다.
- $d \to i \to k \leftarrow j \leftarrow h$ 는 $\mathcal{W} = \{f, a, k\}$ 에 의해 폐쇄되지 않는다. 이 체인에 머리-머리 노드 k가 있는데, k가 \mathcal{W} 에 속하기 때문이다.
- $d \to i \to k \leftarrow j \leftarrow h$ 는 $\mathcal{W} = \{f, a, k, j\}$ 에 의해 폐쇄된다. 이 체인에 머리-꼬리 노드 j가 있는데, j가 \mathcal{W} 에 속하기 때문이다.

■ d-분리

- 앞에서는 두 노드를 잇는 체인 하나의 폐쇄 여부를 따짐
- 여기서는 두 노드를 잇는 체인에 여럿일 수 있으므로, 두 노드가 완전히 폐쇄되어 조건부 독립을 이루는지 확인

정의 10-2 d-분리

두 노드 a와 c 사이에 있는 모든 체인이 노드 집합 \mathcal{W} 에 의해 폐쇄되면 두 노드는 d-분리어-용무예계한다. 되었다고 하고, $d - sep(a,c|\mathcal{W})$ 라고 표기한다. 이 정의를 노드 집합으로 확장할 수 있다. 두 노드 집합 \mathcal{A} 와 \mathcal{C} 사이에 있는 모든 체인이 노드 집합 \mathcal{W} 에 의해 폐쇄되면 두 노드 집합은 d-분리되었다고 하고, $d - sep(\mathcal{A},\mathcal{C}|\mathcal{W})$ 라고 표기한다.

예제 10-5

d-분리

[그림 10-5]의 예제 베이지안 네트워크를 사용하여 d-분리를 따져 보자. 몇 가지 질문에 대한 답과 이유를 제시한다.

- d sep(흡연, 피로|폐렴)이 아니다. 폐쇄되지 않은 흡연→폐암→피로라는 체인이 있기 때문이다.
- *d* − *sep*(흡연, 피로|{폐렴, 폐암})이다. 2개의 체인, 흡연→폐렴→피로와 흡연→폐암→피로가 모두 폐쇄되었다.
- *d sep*(폐렴,엑스레이|피로)가 아니다. 폐렴→피로←폐암→엑스레이라는 체인이 피로에 의해 열렸기 때문이다.

[그림 10-9] 베이지안 네트워크의 d-분리를 생각해 보자.

- $d sep(d, h|\{b, f\})$ 이다. d와 h를 잇는 체인 3개가 모두 폐쇄되었다.
- d sep(d, h|f)가 아니다. d와 h를 잇는 $d \leftarrow b \leftarrow a \rightarrow c \rightarrow h$ 가 열려 있다.
- $d sep(d, h|\{a, f, j, k\})$ 이다. d와 h를 잇는 체인 3개가 모두 폐쇄되었다.
- $d sep(d, h | \{a, f, l\})$ 가 아니다. d와 h를 잇는 $d \rightarrow i \rightarrow k \leftarrow j \leftarrow h$ 가 열려 있다.

- d-분리와 확률 추론
 - 부모의 값이 지정된 경우 자식의 확률은 표 읽기로 알 수 있음
 - 예, 어떤 환자가 폐렴인데 폐암은 아니라는 사실을 알게 되면 피로를 느낄 확률은 확률 표에서 $P(fatigue | bronchitis, not_lung_cancer)$ 를 읽으면 됨 \rightarrow 답은 0.1
 - 부모가 아닌 노드의 값까지 알게 되었다면,
 - 예, 비흡연자라는 사실까지 알게 되면 피로를 느낄 확률은? 즉 $P(fatigue|brochitis,not_lung_cancer,non_smoking)은? ← 같을까?$
 - *d-sep*(흡연,피로|{폐렴,폐암})이기 때문에 같다.
 - ← 이렇게 확률을 알아내는 과정을 확률 추론이라 부름

- 현실 세계의 확률 추론
 - 주로 역방향 확률을 알아내고자 함
 - 예, 엑스레이가 *positive*일 때, 폐암일 확률은?
 - 아래에 있는 노드일수록 관찰 가능하고(정보 확률변수), 위쪽으로 갈수록 관찰 결과의 원인에 해당함(가설 확률변수)
 - 관찰을 통해 정보 확률변수를 알게 되었을 때, 가설 확률변수의 값을 알고자 함
 - 예, P(lung_cancer|positive,not_fatigue)를 추론
- 확률 추론에서 d-분리의 역할
 - 노드가 수십~수천 개인 베이지안 네트워크에서 확률 추론을 할 때, d-sep을 활용하면 계 산량을 획기적으로 줄일 수 있음
 - 왜냐하면, $d_sep(a,c|\mathcal{W})$ 이면 $I(a,c|\mathcal{W})$ 이고, $d_sep(\mathcal{A},\mathcal{C}|\mathcal{W})$ 이면 $I(\mathcal{A},\mathcal{C}|\mathcal{W})$ 이기 때문
 - 예, P(fatigue, positive | not_lung_cancer) 를 추정하는 경우, d_sep(피로, 엑스레이|폐암)이므로 I(피로, 엑스레이|폐암)임 → P(fatigue, positive | not_lung_cancer)를 P(fatigue | not_lung_cancer)*P(positive | not_lung_cancer) 처럼 분해하여 계산 가능함

- 정확한 해 구하기
 - 값이 알려진 확률변수에서 출발하여 이웃 확률변수로 정보를 파급하는 메시지 전달 방식을 사용

예제 10-6 메시지 전달을 통한 확률 추론

선형 구조를 가진 [그림 10-10]의 베이지안 네트워크에서 확률 추론을 해 보자. 이 네트워크에는 확률변수 4개가 있는데 각각 두 가지 값을 가지는 이진변수라고 가정하자. 예를 들어, 확률변수 $x \in \{x1, x2\}$ 이다. 이때 확률변수의 값은특별한 글씨체 x를 사용하여 확률변수 자체와 구분한다. 확률변수 x가 x1 값을 가진 상황을 가정하고, 순방향의 확률 추론으로서 P(w1|x1)을 계산한다고 하자. 먼저 x의 정보가 y로 전달된다. 이때는 베이지안 네트워크가 가진 조건부 확률을 사용한다.

$$P(y1|x1) = 0.9$$

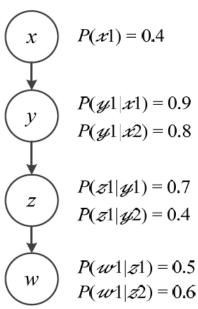


그림 10-10 확률 추론 예제(선형 구조)

이제 y의 정보가 z로 전달된다. P(z1|x1)은 다음과 같이 계산할 수 있다. 첫 번째 줄이 두 번째 줄로 바뀔 때는 마르코프 조건을 적용한다. 다음 단계의 전달을 위해 P(z2|x1)도 계산해야 하는데, P(z1|x1)처럼 수식을 전개하여 계산할 수도 있고, z가 두 가지 값만 가지므로 P(z1|x1) + P(z2|x1) = 1을 이용하여 0.33이라고 바로 결정할 수도 있다.

$$P(z1|x1) = P(z1|y1,x1)P(y1|x1) + P(z1|y2,x1)P(y2|x1)$$

= $P(z1|y1)P(y1|x1) + P(z1|y2)P(y2|x1)$
= $0.7 * 0.9 + 0.4 * 0.1 = 0.67$

이제 다음 식을 적용하여 z의 정보를 w로 전달한다.

$$P(w1|x1) = P(w1|z1,x1)P(z1|x1) + P(w1|z2,x1)P(z2|x1)$$

= $P(w1|z1)P(z1|x1) + P(w1|z2)P(z2|x1)$
= $0.5 * 0.67 + 0.6 * 0.33 = 0.533$

결국, 확률 추론을 통해 x 확률변수에서 x1을 관찰했을 때 w 확률변수가 w1을 가질 확률은 0.5330이라는 사실을 알게 되었다.

이제 확률변수 w가 w1 값을 가진 상황을 가정하고, 역방향의 확률 추론으로서 P(x1|w1)을 계산하자. 먼저 2 장의 식 (2.26) 베이즈 정리를 적용하고 앞에서 계산한 P(w1|x1) = 0.533과 x의 사전확률 P(x1) = 0.4를 대입하면 다음과 같다.

$$P(x1|w1) = \frac{P(w1|x1)P(x1)}{P(w1)} = \frac{0.533 * 0.4}{P(w1)}$$

P(w1)을 계산하려면 메시지 전달을 적용해야 한다. 먼저 x의 사전확률로부터 y의 사전확률을 계산한다. P(y1) + P(y2) = 10 므로 P(y2) = 0.16이다.

$$P(y1) = P(y1|x1)P(x1) + P(y1|x2)P(x2) = 0.9 * 0.4 + 0.8 * 0.6 = 0.84$$

이어 y를 z로 전달하면 다음과 같다. P(z1) + P(z2) = 1이므로 P(z2) = 0.348이다.

$$P(z1) = P(z1|y1)P(y1) + P(z1|y2)P(y2) = 0.7 * 0.84 + 0.4 * 0.16 = 0.652$$

z를 w로 전달하면 다음과 같다.

$$P(w1) = P(w1|z1)P(z1) + P(w1|z2)P(z2) = 0.5 * 0.652 + 0.6 * 0.348 = 0.5348$$

P(x1|w1) 식에 대입하여 P(w1)을 계산하면 다음과 같다. 결국 w 확률변수에서 w1을 관찰했을 때 x 확률변수가 x1을 가질 확률은 0.3987이라는 사실을 추론하였다.

$$P(x1|w1) = \frac{0.533 * 0.4}{P(w1)} = \frac{0.533 * 0.4}{0.5348} = 0.3987$$

- 근사 추론
 - 정확한 해 알고리즘은 NP-hard → 대안은 정확성을 포기하고 근사해
 - 근사 접근방법은 샘플링 사용
- 논리 샘플링 기법
 - 예, [그림 10-11]

[그림 10-11]의 베이지안 네트워크에서 P(y = y1)을 구하는 코드:

- 1. h=0
- 2. for (k=1 to m)
- 3. P(x)에 따라 x의 값 \tilde{x} 을 생성한다.
- 4. $P(y|\tilde{x})$ 에 따라 y의 값 \tilde{y} 을 생성한다.
- 5. if $(\tilde{y} = y1) h ++$
- $6. \ P(y=y1)=\frac{h}{m}$

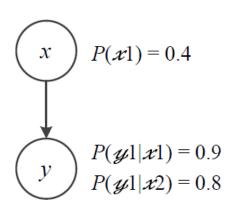


그림 10-11 확률 추론 예제

예제 10-7 논리 샘플링

m=10으로 설정하고 앞의 코드를 실행해 보자. 라인 3에서는 [0,1] 사이의 난수를 생성하여 0.4보다 작으면 x1, 그렇지 않으면 x2로 결정한다. 0.7이 나와 $\tilde{x}=x2$ 가 되었다고 가정하자. 라인 4에서는 난수를 생성하여 0.8보다 작으면 y1, 그렇지 않으면 y2로 결정한다. 0.2가 나와 $\tilde{y}=y1$ 이 되었다고 가정하자. 이렇게 하여 첫 번째 샘플 (x2,y1)을 얻었다. h를 증가시킨다.

두 번째 루프에서는 0.30 나와 $\tilde{x}=x10$ 되었다고 하자. 라인 4에서는 0.9보다 작으면 y1, 그렇지 않으면 y2로 결정해야 하는데, 0.92가 나와 $\tilde{y}=y2$ 가 되었다고 가정하자. 이렇게 하면 두 번째 샘플 (x1,y2)를 얻는다. h를 증가시키지 않는다.

이렇게 10번 반복하여 다음과 같은 샘플을 얻었다고 하자. 샘플 10개 중 y1인 것이 8개이므로 $P(y=y1)=\frac{8}{10}=0.8$ 이 된다.

$$(x2, y1)(x1, y2)(x2, y1)(x2, y2)(x1, y1)(x2, y1)(x2, y1)(x1, y1)(x2, y1)(x1, y1)$$

[예제 10-6]에서 추정한 정확한 값 0.84와 논리 샘플링으로 추정한 근사해 0.8은 0.04만큼 오차가 있다.

예, [그림 10-11]

[그림 10-11]의 베이지안 네트워크에서 $P(x1|y^2)$ 를 구하는 코드:

- 1. *h*=0
- 2. for (k=1 to m)
- repeat
- 4. P(x)에 따라 x의 값 \tilde{x} 을 생성한다.
- 5. $P(y|\tilde{x})$ 에 따라 y의 값 \tilde{y} 을 생성한다.
- 6. until $(\tilde{y} = y^2)$ // y^2 인 샘플만 취함
- 7. if $(\tilde{x} = x1) h + +$
- 8. $P(x1|y2) = \frac{h}{m}$

예제 10-8

논리 샘플링

m=10으로 설정하고 앞의 코드를 실행해 보자. 라인 4에서 0.1이 나와 $\tilde{x}=x$ 1이 되었다. 라인 5에서 0.4가 나와, 이번 샘플을 버리고 repeat 루프를 다시 시작한다. 라인 4에서 0.3이 나와 $\tilde{x}=x$ 1이 되고 라인 5에서 0.95가 나와 $\tilde{y}=y$ 2가 되었다. 이렇게 첫 번째 샘플 $(x1,y^2)$ 를 얻었다. h를 증가시킨다.

10번 반복하여 다음과 같은 샘플을 얻었다고 하자. 샘플 10개 중 x1인 것이 3개이므로 $P(x1|y_2) = \frac{3}{10} = 0.3$ 이 된다.

$$(x1,y2)(x2,y2)(x2,y2)(x2,y2)(x1,y2)(x2,y2)(x2,y2)(x1,y2)(x2,y2)$$

베이즈 정리를 적용하여 정확한 해를 구하면 0.25이다. 논리 샘플링으로 추정한 근사해 0.3은 0.05만큼 오차가 있다.

- [예제 10-8]에서는 샘플을 10개만 사용하여 오차가 큰데, 샘플 수를 늘리면 정확도 증가
- [예제 10-7]과 [예제 10-8]은 [그림 10-11]의 특정 베이지안 네트워크에 대한 알고리즘

■ 일반적인 베이지안 네트워크에서 논리 샘플링 알고리즘

```
알고리즘 10-1 베이지안 네트워크의 확률 추론을 위한 확률 논리 샘플링
입력: 베이지안 네트워크 G = (V, E), 값이 알려진 노드집합 A
     // V = \{x_1, x_2, \cdots, x_n\}은 자식이 부모보다 큰 번호를 가지도록 위상 정렬됨(그림 10-5)
출력: V - A에 속한 노드 x_i 각각에 대한 조건부 확률 P(x_i|A)
   for (x_i \in V - \mathcal{A})
2
       x_i가 l개의 값을 가진다면 h_{i1} \sim h_{i1}을 0으로 초기화한다.
   for (k=1 \text{ to } m)
       j=1 // 루트 노드에서 시작
4
5
       while (j <= n)
           P(x_i|\tilde{p}(x_i))에 따라 x_i의 값 \tilde{x}_i를 생성한다. //|\tilde{p}(x_i)|는 x_i의 부모의 값
6
7
           if(x_i \in A \text{ and } \tilde{x_i} \neq 0력으로 주어진 x_i의 값) j=1 // 처음부터 다시 시작
           else j++ // 다음 변수로 넘어감
8
      for(x_i \in V - A)
9
10
          \tilde{x}_i에 해당하는 인덱스 q에 대해 h_{ia}++
   for(x_i \in V - A)
11
       P(x_i r q 번 째 값 | A) = \frac{n_{iq}}{m}, \forall q
12
```

- 지금은 마르코프 체인 몬테카를로MCMC(Markov chain Monte Carlo) 기법을 주로 사용
 - 논리 샘플링은 이전 샘플과 현재 샘플 사이에 아무런 연관이 없음
 - MCMC는 현재 샘플링이 직전에 생성된 샘플의 정보를 활용함
 - 연관성은 주로 Metropolis-Hastings 알고리즘이나 깁스 샘플링을 사용
- 근사해 알고리즘조차 작은 오류를 보장해야 하는 경우는 NP-hard
 - 중요한 연구 주제

10.3 마르코프 랜덤필드

- 10.3.1 동작 원리
- 10.3.2 사례 연구: 영상 잡음 제거

- 마르코프 랜덤필드
 - 노드 사이에 인과관계가 없는 문제를 다루므로 무방향 그래프 사용
 - 이웃한 노드 사이에만 직접적인 상호작용 허용 → 마르코프
 - 확률변수가 동일한 자격으로 영향을 주고받으며 필드를 형성 → 랜덤필드

- 그래프 분해
 - 클릭을 이용하여 분해(베이지안 네트워크는 부모-자식 사이에만 확률 부여하여 분해)
 - 클릭은 완전 부분그래프, 극대 클릭은 maximal clique 노드를 추가하면 더 이상 완전 그래프를 유지하지 못하는 클릭
 - 예, G₁은 {a,b,c}, {b,d}, {d,e}의 극대 클릭 3개를 가짐
 - 예, G_2 는 $\{x_1,x_2\}$, $\{x_1,x_5\}$, $\{x_2,x_3\}$, $\{x_2,x_6\}$, ...의 극대 클릭을 가짐

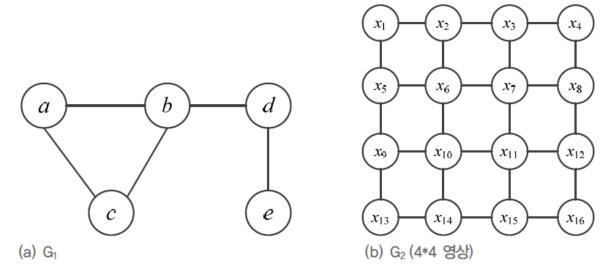


그림 10-12 마르코프 랜덤필드 예제

- 깁스 확률분포Gibbs distribution
 - 클릭 q는 퍼텐셜 ψ(q)를 가짐
 - 식 (10.4)는 퍼텐셜로 정의되는 확률분포($\sum_{\mathbf{x}} \tilde{P}(\mathbf{x}) = 1$ 를 만족하지 못해 확률로서 결함)

$$\tilde{P}(\mathbf{x}) = \prod_{q \in G} \psi(q) \tag{10.4}$$

■ 분할함수 Z로 나누어 정규화하면,

$$P(\mathbf{x}) = \frac{1}{Z}\tilde{P}(\mathbf{x}) \tag{10.5}$$

$$Z = \sum_{\mathbf{x}} \tilde{P}(\mathbf{x}) \tag{10.6}$$

- 퍼텐셜함수는 에너지함수로 정의됨
 - 에너지함수 energy(q)는 응용과 목적에 맞게 정의해야 함

$$\psi(q) = \exp(-energy(q)) \tag{10.7}$$

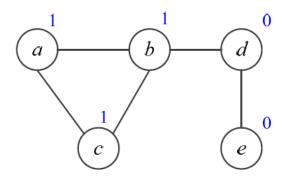
예제 10-9 마르코프 랜덤필드의 확률분포

[그림 10-12(a)]의 마르코프 랜덤필드의 에너지함수를 다음과 같이 정의하자. 확률변수 5개는 모두 0 또는 1을 가지는 이진변수라 가정한다.

 $energy(q) = \begin{cases} 0, & q$ 의 모든 노드가 같은 값을 가짐 1, 그렇지 않음

[그림 10-13]이 보여 주는 상태의 에너지와 퍼텐셜을 계산하자. 클릭 $\{a,b,c\},\{b,d\},\{d,e\}$ 의 energy와 ψ 는 다음 과 같다.

energy(
$$\{a, b, c\}$$
) = 0, energy($\{b, d\}$) = 1, energy($\{d, e\}$) = 0
 $\psi(\{a, b, c\})$ = 1, $\psi(\{b, d\})$ = 0.3679, $\psi(\{d, e\})$ = 1



이 퍼텐셜값을 식 (10.4)에 대입하면 다음 결과를 얻는다.

그림 10-13 이진 확률변수의 예제 상태(총 2⁵=32개의 상태가 있음)

$$\tilde{P}(\mathbf{x} = (1,1,1,0,0)^{\mathrm{T}}) = \psi(\{a,b,c\})\psi(\{b,d\})\psi(\{d,e\}) = 0.3679$$

지금까지 (1,1,1,0,0)이라는 한 상태에 대해 계산하였는데 [표 10-1]은 32개의 상태를 모두 나열한다.

표 10-1 [그림 10-13]의 마르코프 랜덤필드의 확률분포를 계산하는 과정

상태	$\psi(\{a,b,c\})$	$\psi(\{b,d\})$	$\psi(\{d,e\})$	Ρ̃	상태	$\psi(\{a,b,c\})$	$\psi(\{b,d\})$	$\psi(\{d,e\})$	Ρ̃
(0,0,0,0,0)	1	1	1	1.000	(1,0,0,0,0)	0.3679	1	1	0.3679
(0,0,0,0,1)	1	1	0.3679	0.3679	(1,0,0,0,1)	0.3679	1	0.3679	0.1353
(0,0,0,1,0)	1	0.3679	0.3679	0.1353	(1,0,0,1,0)	0.3679	0.3679	0.3679	0.0498
(0,0,0,1,1)	1	0.3679	1	0.3679	(1,0,0,1,1)	0.3679	0.3679	1	0.1353
(0,0,1,0,0)	0.3679	0.3679	1	0.1353	(1,0,1,0,0)	0.3679	0.3679	1	0.1353
(0,0,1,0,1)	0.3679	0.3679	0.3679	0.0498	(1,0,1,0,1)	0.3679	0.3679	0.3679	0.0498
(0,0,1,1,0)	0.3679	1	0.3679	0.1353	(1,0,1,1,0)	0.3679	1	0.3679	0.1353
(0,0,1,1,1)	0.3679	1	1	0.3679	(1,0,1,1,1)	0.3679	1	1	0.3679
(0,1,0,0,0)	0.3679	1	1	0.3679	(1,1,0,0,0)	0.3679	1	1	0.3679
(0,1,0,0,1)	0.3679	1	0.3679	0.1353	(1,1,0,0,1)	0.3679	1	0.3679	0.1353
(0,1,0,1,0)	0.3679	0.3679	0.3679	0.0498	(1,1,0,1,0)	0.3679	0.3679	0.3679	0.0498
(0,1,0,1,1)	0.3679	0.3679	1	0.1353	(1,1,0,1,1)	0.3679	0.3679	1	0.1353
(0,1,1,0,0)	0.3679	0.3679	1	0.1353	(1,1,1,0,0)	1	0.3679	1	0.3679
(0,1,1,0,1)	0.3679	0.3679	0.3679	0.0498	(1,1,1,0,1)	1	0.3679	0.3679	0.1353
(0,1,1,1,0)	0.3679	1	0.3679	0.1353	(1,1,1,1,0)	1	1	0.3679	0.3679
(0,1,1,1,1)	0.3679	1	1	0.3679	(1,1,1,1,1)	1	1	1	1.000

식 (10.6)의 분할함수 Z는 32개의 값을 모두 더하여 Z=7.872가 된다. 이제 식 (10.5)를 적용하여 확률분포를 구하자. [표 10-1]에 있는 \tilde{P} 을 Z로 나누면 된다. 예를 들어, $P(\mathbf{x}=(1,1,1,0,0)^{\mathrm{T}})=\frac{0.3679}{7.872}=0.0467$, $P(\mathbf{x}=(0,0,1,0,1)^{\mathrm{T}})=\frac{0.0498}{7.872}=0.0063$, $P(\mathbf{x}=(0,0,0,0,0)^{\mathrm{T}})=\frac{1.0}{7.872}=0.1270$ 다.

- 마르코프 랜덤필드의 특성
 - 식 (10.4)의 $\tilde{P}(\mathbf{x})$ 계산은 빠름
 - 하지만 식 (10.6)의 분할함수 계산은 차원의 저주
 - n개의 확률변수(노드)가 있고 변수마다 k개의 값을 가진다면 k^n 번의 계산 필요
 - 따라서 추정치를 사용

- 마르코프 랜덤필드의 학습
 - 확률을 최대로 하는 상태를 찾는 과정

$$\hat{\mathbf{x}} = \underset{\mathbf{x}}{\operatorname{argmax}} P(\mathbf{x}) \tag{10.8}$$

- 컴퓨터비전에 응용
 - 잡음 제거, 영상 복원, 에지 검출, 텍스쳐 분석, 스테레오 비전, 영상 분할 등
 - 여기서는 잡음 제거 응용을 살펴봄([그림 10-14]에서 오른쪽 영상이 주어지면 왼쪽 영상을 찾아내는 일)

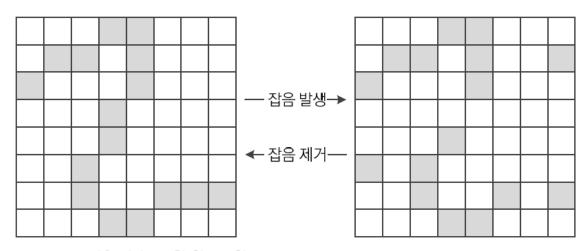


그림 10-14 잡음 제거를 통한 원본 복원

■ 오른쪽 영상만 가지고 왼쪽에 가까운 영상을 어떻게 찾나? → 에너지 함수에 매끄러움 성 질을 반영하면 됨

- 잡음 제거 문제의 공식화
 - 컴퓨터비전은 [그림 10-15]의 틀을 사용
 - y는 입력 영상이고 x는 출력 영상

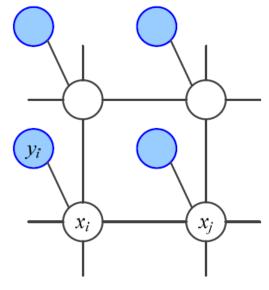


그림 10-15 마르코프 랜덤필드를 이용한 영상 잡음 제거

■ 잡음 제거는 식 (10.9)로 공식화

$$\hat{\mathbf{x}} = \underset{\mathbf{x}}{\operatorname{argmax}} P(\mathbf{x}|\mathbf{y})$$
 (10.9)

- 에너지함수 공식화
 - 두 종류의 클릭에 대한 에너지함수

$$energy(\{x_i, x_i\}) = -\alpha x_i x_i \tag{10.10}$$

$$energy(\{x_i, y_i\}) = -\beta x_i y_i \tag{10.11}$$

- 타당성
 - x_i 와 x_j 가 같으면 $\psi(\{x_i, x_j\}) = \exp(\alpha) = 2.718$ 이고, 다르면 $\psi(\{x_i, x_j\}) = \exp(-\alpha) = 0.3679$ ($\alpha = 1$ 일 때)
 - 즉 같은 상태를 선호함 > 영상을 매끄럽게 유지하려는 힘
- 식 (10.11)도 비슷하게 작동함(즉 영상 x와 y를 같게 만들려는 힘)
- 식 (10.10)의 힘과 식 (10.11)의 힘이 균형을 이루어 잡음이 제거된 최적 영상을 찾아냄

■ 영상 전체를 위한 식의 유도

$$P(\mathbf{x}|\mathbf{y}) = \frac{1}{Z} \prod_{q \in G} \psi(q)$$

$$= \frac{1}{Z} \exp(-energy(\{x_1, x_2\})) \exp(-energy(\{x_1, x_3\})) \cdots$$

$$= \exp(-energy(\{x_1, y_1\})) \exp(-energy(\{x_2, y_2\})) \cdots$$

$$= \frac{1}{Z} \exp(-energy(\{x_1, x_2\}) - energy(\{x_1, x_3\}) \cdots$$

$$-energy(\{x_1, y_1\}) - energy(\{x_2, y_2\}) \cdots)$$

$$= \frac{1}{Z} \exp(-energy(\mathbf{x}, \mathbf{y}))$$
(10.12)

■ 최적화 알고리즘

■ 가장 간단한 ICM(iterated conditional modes) 알고리즘

if (라인 4~6)에서 부호가 바뀐 화소가 없으면 break

알고리즘 10-2 영상 잡음 제거를 위한 ICM

입력: 잡음이 섞인 영상 **y 출력:** 잡음이 줄어든 영상 **x**

```
1  x = y
2  energy(x,y)를 계산하여 e<sub>current</sub>라 한다.
3  while (true)
4  for (x의 화소 x<sub>i</sub> 각각에 대해)
5  x<sub>i</sub>를 반전시킨 영상을 x'라 하고 energy(x',y)를 계산한 결과를 e<sub>new</sub>라 한다.
if (e<sub>new</sub> < e<sub>current</sub>) x = x', e<sub>current</sub> = e<sub>new</sub>
```

ICM 알고리즘은 한 화소씩 처리하므로 탐욕 알고리즘 greedy algorithm이다. 따라서 전역 최적해가 아닌 지역 최적해를 찾는다. 전역 최적해에 더 근접한 해를 찾아 주는 개선된 알고리즘은 여러가지 있으며, 그래프 절단 알고리즘이 대표적이다[Kolmogorov2004].

10.4 RBM과 DBN

- 10.4.1 RBM의 구조와 원리
- 10.4.2 RBM 학습
- 10.4.3 DBN
- 통계 역학
 - 볼츠만과 깁스의 연구
 - 홉필드는 통계 역학 이론을 신경망에 도입

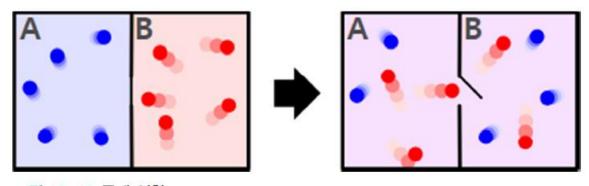


그림 10-16 통계 역학

10.4 RBM과 DBN

- 제한 볼츠만 기계RBM(restricted Boltzmann machine)([그림 10-17(c)])
 - 가시 노드는 관찰된 특징을 입력, 은닉 노드는 중간 계산 결과 저장
 - 같은 종류의 노드 사이에는 에지가 없는 볼츠만 기계

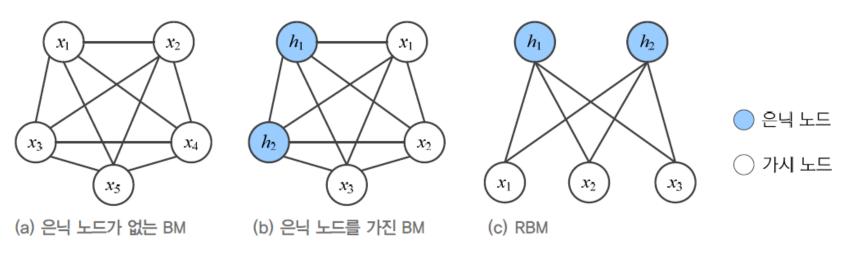


그림 10-17 볼츠만 기계(BM)와 제한 볼츠만 기계(RBM)

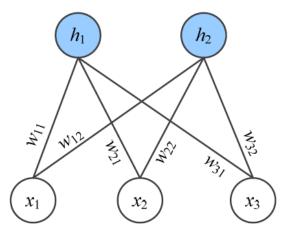
- RBM조차 마땅한 학습 알고리즘이 없었는데, 2002년 대조 발산 알고리즘 탄생
- 2006년에 층별 사전 학습 알고리즘으로 RBM을 여러 층 쌓아 만든 DBN 탄생 ← 딥러닝을 널리 확산하는 기폭제

■ RBM은 에너지 모델

- 노드 값에 따라 에너지가 정해지는데, 에너지가 낮을수록 발생 확률이 높음
- 특정 패턴을 높은 확률로 발생시킬 수 있는 능력 → 생성 모델과 분별 모델로 쓸 수 있음

■ RBM 구조

- 바이파타이트 그래프
 - x_i 로 표기되는 가시 노드와 h_i 로 표기되는 은닉 노드
 - 벡터로 표기하면, $\mathbf{x} = (x_1, x_2, \dots, x_d)^T$, $\mathbf{h} = (h_1, h_2, \dots, h_m)^T$
- 학습이 알아내야 하는 매개변수는 $\Theta = \{\mathbf{W}, \mathbf{a}, \mathbf{b}\}$
- 모든 노드는 이진 값을 가진다고 가정



$$\mathbf{W} = \begin{pmatrix} w_{11} & w_{12} \\ w_{21} & w_{22} \\ w_{31} & w_{32} \end{pmatrix}$$

- 에너지와 확률분포
 - RBM의 x와 h 값이 지정되면,

$$energy(\mathbf{x}, \mathbf{h}) = -\sum_{i=1}^{d} a_i x_i - \sum_{j=1}^{m} b_j h_j - \sum_{i=1}^{d} \sum_{j=1}^{m} x_i w_{ij} h_j$$

$$= -\mathbf{a}^{\mathrm{T}} \mathbf{x} - \mathbf{b}^{\mathrm{T}} \mathbf{h} - \mathbf{x}^{\mathrm{T}} \mathbf{W} \mathbf{h}$$
(10.14)

■ 발생 확률은,

$$P(\mathbf{x}, \mathbf{h}) = \frac{1}{Z} \exp(-energy(\mathbf{x}, \mathbf{h}))$$
 (10.15)

$$Z = \sum_{\mathbf{h}} \exp(-energy(\mathbf{x}, \mathbf{h}))$$
(10.16)

■ x의 발생 확률은,

$$P(\mathbf{x}) = \sum_{\mathbf{h}} P(\mathbf{x}, \mathbf{h}) = \frac{1}{Z} \sum_{\mathbf{h}} \exp(-energy(\mathbf{x}, \mathbf{h}))$$
(10.17)

예제 10-10

x와 h의 발생 확률

[그림 10-19]의 예제 RBM을 가지고 수식 (10.14)~(10.17)을 명확히 이해하자. RBM의 매개변수는 다음과 같다. 그 림에서 수평선은 바이어스에 해당한다.

$$\mathbf{W} = \begin{pmatrix} 0.1 & -0.2 \\ 0.0 & -0.1 \\ 0.2 & 0.1 \end{pmatrix}, \ \mathbf{a} = \begin{pmatrix} 0.2 \\ -0.1 \\ 0.0 \end{pmatrix}, \ \mathbf{b} = \begin{pmatrix} 0.1 \\ 0.2 \end{pmatrix}$$

먼저 $\mathbf{x} = (1,0,1)^{\mathrm{T}}$ 이고 $\mathbf{h} = (1,1)^{\mathrm{T}}$ 일 때 에너지를 계산하면 다음과 같이 -0.7이다.

$$\begin{split} \textit{energy}(\textbf{x} = (1,0,1)^T, \textbf{h} = (1,1)^T) \\ &= -(1 \times 0.2 + 0 \times (-0.1) + 1 \times 0) - (1 \times 0.1 + 1 \times 0.2) - (1 \times 1 \times 0.1 + 1 \times 1 \\ &\times (-0.2) + 0 \times 1 \times 0.0 + 0 \times 1 \times (-0.1) + 1 \times 1 \times 0.2 + 1 \times 1 \times 0.1) = -0.7 \end{split}$$

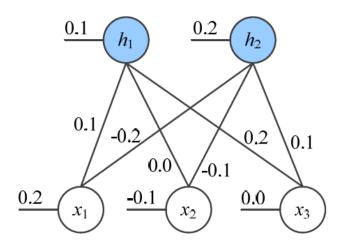


그림 10-19 RBM의 예제

확률을 계산하려면 먼저 Z값을 구해야만 한다. Z는 \mathbf{x} 와 \mathbf{h} 가 가질 수 있는 모든 상태의 값을 더한 것이므로, 총 2^5 =32가지의 에너지를 계산해야 한다. $\mathbf{x}=(1,0,1)^\mathrm{T}$, $\mathbf{h}=(1,1)^\mathrm{T}$ 를 계산한 것처럼, 모든 경우를 계산하여 식 (10.16)에 대입하면 Z=40.9493이 된다. $\mathbf{x}=(1,0,1)^\mathrm{T}$, $\mathbf{h}=(1,1)^\mathrm{T}$ 가 발생할 확률은 다음과 같이 계산한다.

$$P(\mathbf{x} = (1,0,1)^{\mathrm{T}}, \ \mathbf{h} = (1,1)^{\mathrm{T}}) = \frac{1}{40.9493} \exp(0.7) = 0.04918$$

식 (10.17)을 이용하여 $\mathbf{x} = (1,0,1)^{\mathrm{T}}$ 가 발생할 확률을 계산하면, 0.156465이다.

$$P(\mathbf{x} = (1,0,1)^{\mathrm{T}}) = P((1,0,1)^{\mathrm{T}}, (0,0)^{\mathrm{T}}) + P((1,0,1)^{\mathrm{T}}, (0,1)^{\mathrm{T}}) + P((1,0,1)^{\mathrm{T}}, (1,0)^{\mathrm{T}}) + P((1,0,1)^{\mathrm{T}}, (1,1)^{\mathrm{T}})$$

$$= 0.0298272 + 0.0329641 + 0.0444969 + 0.0491767 = 0.156465$$

x가 가질 수 있는 모든 경우의 발생 확률을 계산하면 다음과 같다.

$$P((0,0,0)^{\mathrm{T}}) = 0.114200, \quad P((1,0,0)^{\mathrm{T}}) = 0.132516$$

 $P((0,0,1)^{\mathrm{T}}) = 0.134846, \quad P((1,0,1)^{\mathrm{T}}) = 0.156465$
 $P((0,1,0)^{\mathrm{T}}) = 0.097926, \quad P((1,1,0)^{\mathrm{T}}) = 0.114200$
 $P((0,1,1)^{\mathrm{T}}) = 0.115343, \quad P((1,1,1)^{\mathrm{T}}) = 0.134502$

10.4.2 RBM 학습

- 학습의 목적
 - 훈련집합 $\mathbb{X} = \{\mathbf{x}_1, \mathbf{x}_2, \cdots, \mathbf{x}_n\}$ 에 속한 샘플은 높은 확률로 발생시키고, 속하지 않은 샘플은 낮은 확률로 발생시키는 것
 - 예, [그림 10-19]의 RBM은 모든 샘플이 비슷한 확률임 → 쓸모가 없음
 - 예, [그림 10-20]의 RBM은 $\mathbb{X} = \{(1,0,0)^{\mathrm{T}}, (1,0,1)^{\mathrm{T}}, (1,1,0)^{\mathrm{T}}, (1,1,1)^{\mathrm{T}}\}$ 이라면, \mathbb{X} 를 높은 확률로 발생시킨 \rightarrow 유용한 RBM
- RBM이 사용하는 목적함수

$$J(\Theta) = \prod_{\mathbf{x} \in \mathbb{X}} P(\mathbf{x}) \quad \text{\(\mathbb{E} \subseteq } J(\Theta) = \sum_{\mathbf{x} \in \mathbb{X}} \log P(\mathbf{x})$$
 (10.18)

■ RBM 학습 알고리즘이 할 일

$$\widehat{\Theta} = \underset{\Theta}{\operatorname{argmax}} \prod_{\mathbf{x} \in \mathbb{X}} P(\mathbf{x}) \quad \text{E-} \widehat{\Theta} = \underset{\Theta}{\operatorname{argmax}} \sum_{\mathbf{x} \in \mathbb{X}} \log P(\mathbf{x}) \tag{10.19}$$