PANDUAN PENGGUNAAN APLIKASI R-GUI: OPTIMALISASI METODE HIERARCHICAL AGGLOMERATIVE CLUSTERING MENGGUNAKAN CALINSKIHARABASZ PSEUDO F-STATISTIC



Aplikasi R-GUI: Optimalisasi Metode Hierarchical Agglomerative Clustering Menggunakan Calinski-Harabasz Pseudo F-Statistic

TIM INVENTOR:

Ali Mahmudan Dr. Di Asih I Maruddani, S.Si., M.Si. Dr. Budi Warsito, S.Si., M.Si.

DEPARTEMEN STATISTIKA
FAKULTAS SAINS DAN MATEMATIKA
UNIVERSITAS DIPONEGORO
SEMARANG
2021

Deskripsi Aplikasi

Aplikasi GUI R: Optimalisasi Metode Hierarchical Agglomerative Clustering Menggunakan Calinski-Harabasz Pseudo F-Statistic merupakan aplikasi GUI R yang disusun untuk membantu penelitian mengenai pengelompokan (clustering) dengan Algoritma Agglomerative Hierarchical. Aplikasi ini dilengkapi dengan beberapa metode pengukuran jarak seperti Single Linkage, Complete Linkage, Average Linkage, Centroid, dan Ward yang dapat digunakan sebagai pemilihan metode pengukuran jarak terdekat pada saat melakukan clustering. Aplikasi ini mampu melakukan pemilihan jumlah cluster optimal dengan menggunakan nilai Pseudo F-Statistics. Nilai Pseudo F-Statistics diperoleh dari perhitungan metode Calinski-Harabsz Pseudo F-Statistics. Metode Calinski-Harabsz Pseudo F-Statistics tersebut mampu menemukan jumlah cluster optimal yang merupakan cluster dengan tingkat homogenitas yang tinggi antar anggota dalam cluster tersebut dan heterogenitas yang tinggi antar cluster yang terbentuk.

Langkah Pendahuluan Sebelum Menggunakan Aplikasi

Berikut merupakan langkah pendahuluan yang harus dilakukan sebelum menggunakan aplikasi ini:

1. Memasang program R-GUI (usahakan minimal versi 4.0.0) dan R-Studio. Agar program GUI dapat berjalan dengan baik maka disarankan menggunakan R-GUI minimal versi 4.0.0 meskipun jika di bawah versi tersebut masih memungkinkan untuk dijalankan, namun akan lebih baik jika menggunakan R-GUI di atas versi 4.0.0. Sedangkan untuk program R-Studio, tidak ada ketentuan

terkait minimal versi yang harus terpasang.

2. Persiapan data

Data yang perlu dipersiapkan adalah dua buah data yaitu data indikator *clustering* dan data objek yang ingin diklasterkan. Data variabel indikator harus memiliki satuan yang sama, jika tidak memiliki satuan yang sama maka data harus distandardisasi terlebih dahulu. Semua data yang digunakan haruslah dalam format '.txt'.

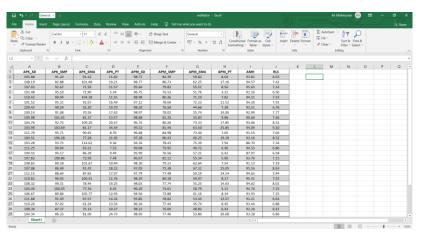
3. Install Packages

Adapaun beberapa paket yang harus di-*install* terlebih dahulu sebelum menjalankan aplikasi tersebut adalah paket 'shiny', 'shinythemes', 'psych', dan 'clusterSim'.

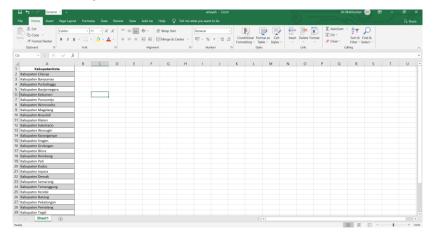
Langkah-Langkah Penggunaan Aplikasi

- 1. Persiapkan data variabel yang akan digunakan sebagai indikator klasterisasi dan data objek yang akan diklasterkan dalam bentuk '.txt'. Berikut disajikan ilustrasi cara membentuk data dengan format '.txt':
 - a. Input data menggunakan Ms. Excel.
 - b. Isikan nama masing-masing variabel indikator dan objek di baris pertama.

Variabel indikator

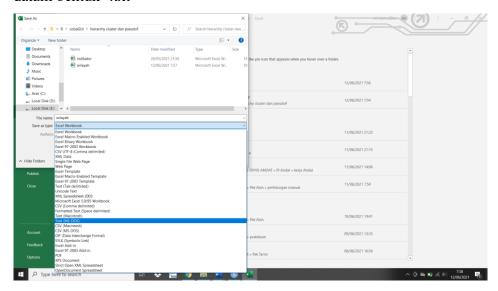


Variabel objek

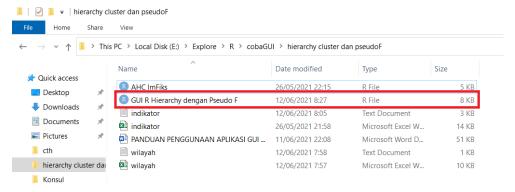


- c. Tanda koma dinotasikan dengan '.' (titik).
- d. Nama tidak perlu menggunakan spasi, jika ingin menggunakan spasi, ganti dengan tanda '_' (*underscore*).

e. Setelah semua data terinput maka langkah terakhir adalah menyimpan data dalam bentuk '.txt'



2. Buka aplikasi R-GUI lalu jalankan aplikasi tersebut.



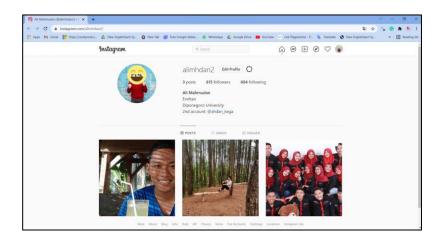
Jalankan aplikasi tersebut dengan cara blok semua syntax lalu klik 'Run App'.

3. Berikut merupakan tampilan awal dari aplikasi R-GUI-nya.

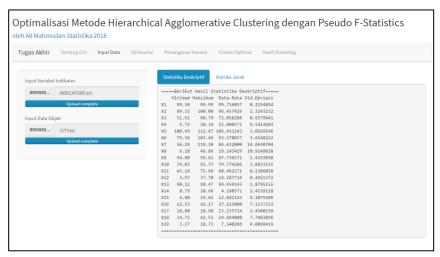


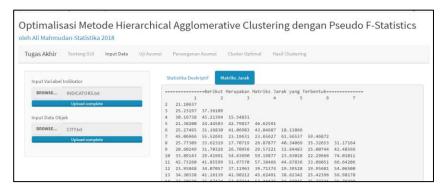


Jika tulisan 'oleh: Ali Mahmudan-Statistika 2018' di klik maka akan menuju ke halaman biodata pembuat GUI (tampilan *profile* Instagram).



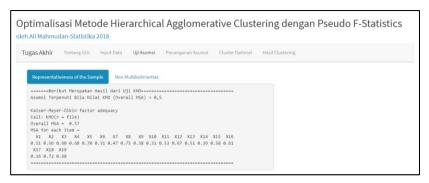
4. Lakukan *input* data dengan cara klik '*Browse*' pada panel '*Input* Data'. Setelah data terinput maka akan muncul hasil statistika deskriptif dan matriks jarak seperti pada ilustrasi di bawah ini:





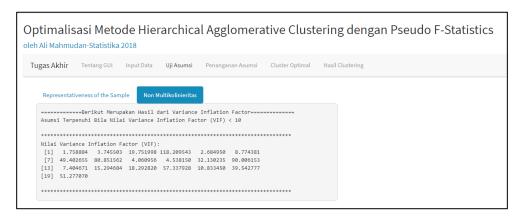
5. Lakukan uji asumsi terhadap data klasterisasi yang digunakan dengan cara klik panel 'Uji Asumsi', maka akan muncul hasil dari uji uji asumsi seperti ilustrasi di bawah ini:

Sanpel Representatif



Interpretasi: berdasarkan hasil *output* di atas diperoleh nilai KMO sebesar 0,57 (pada bagian *Overall MSA*) > 0,5 maka asumsi sampel representatif telah terpenuhi.

Non Multikolinieritas



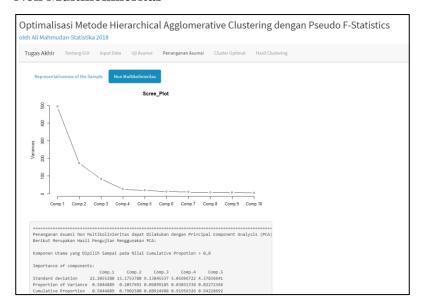
Interpretasi: berdasarkan hasil *output* di atas diperoleh bahwa masih terdapat nilai *Variance Inflation Factor* (VIF) yang > 10 maka asumsi belum terpenuhi dan harus dilakukan penanganan.

6. Jika asumsi belum terpenuhi maka dapat dilakukan penanganan dengan cara klik panel 'Penanganan Asumsi' lalu akan muncul tampilan sebagai berikut:

Sampel Representatif

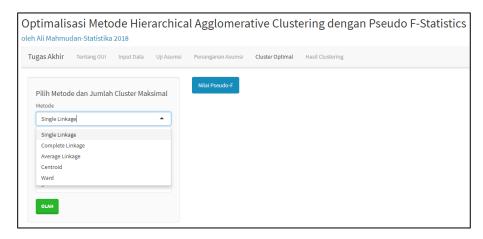


Non Multikolinieritas



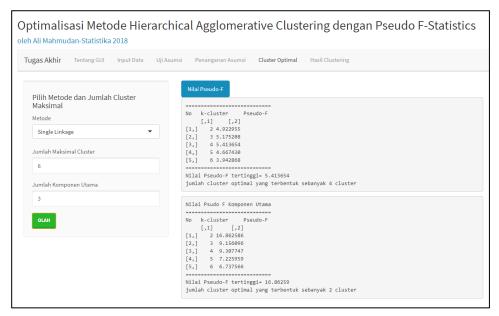
Interpretasi: penanganan asumsi non multikolinieritas dalam kasus ini dilakukan dengan *Principal Component Analysis* (PCA). PCA akan memberikan beberapa komponen yang dapat mewakili seluruh variabel penelitian. Jumlah komponen yang dapat dipilih jika nilai *Cumulative Proportion* > 0,8.

7. Jika asumsi telah terpenuhi maka dapat dilakukan pengecekkan jumlah *cluster* optimal dengan cara klik panel 'Cluster Optimal', lalu pilih metode penentuan jarak terdekat yang diinginkan pada menu 'Metode' (Metode yang dapat dipilih adalah *Single Linkage, Complete Linkage, Average Linkage, Centroid*, dan *Ward*), isikan jumlah *cluster* maksimal yang ingin dibentuk pada bagian 'Jumlah Maksimal Cluster', isikan jumlah komponen utama pada bagian 'Jumlah Komponen Utama' (isikan nilai 0 atau bilangan sembarang apabila tidak menggunakan komponen utama), lalu klik 'OLAH'.





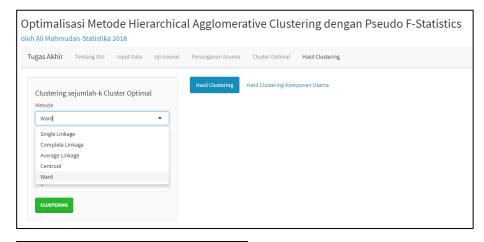
Setelah dilakukan pengolahan, maka akan muncul jumlah *cluster* optimal berdasarkan nilai *Pseudo F* tertinggi.



Interpretsi: Diperoleh nilai *Pseudo F* tertinggi sebesar 5,1752 maka *cluster* optimal yang terbentuk berdasarkan metode penentuan jarak terdekat *Single Linkage* sejumlah 4 *cluster* (Pilih *output* bagian

bawah 'Nilai *Pseudo F* Komponen Utama' apabila menggunakan variabel komponen utama).

8. Lakukan *clustering* berdasarkan hasil jumlah *cluster* optimal yang telah terbentuk pada hasil 'Cluster Optimal' dengan cara klik panel 'Hasil Clustering', lalu pilih metode penentuan jarak terdekat yang diinginkan pada menu 'Metode' (Metode yang dapat dipilih adalah *Single Linkage, Complete Linkage, Average Linkage, Centroid*, dan *Ward*), isikan jumlah *cluster* maksimal yang ingin dibentuk pada bagian 'Jumlah Cluster Optimal', isikan jumlah komponen utama pada bagian 'Jumlah Komponen Utama' (isikan nilai 0 atau bilangan sembarang apabila tidak menggunakan komponen utama), lalu klik 'CLUSTERING'.





Berikut merupakan hasil *cluster* isasi data yang telah terbentuk:

(Pilih tab panel Hasil Clustering Komponen Utama jika menggunakan variabel komponen utama)

