# Основы программирования в R

Загрузка данных и их описание

# Алла Тамбовцева, НИУ ВШЭ

# Содержание

Загрузка CSV-файла и кодировка
Загрузка файла Excel
Выбор рабочей папки
Просмотр данных
Техническое описание данных
Поиск пропущенных значений
Содержательное описание данных
Паттерны пропущенных значений
Описание качественных данных
Описание количественных данных

# Загрузка CSV-файла и кодировка

Загрузим данные из файла firtree.csv, в котором хранятся результаты вымышленного опроса посетителей ёлочного базара, и сохраним их в переменную tree.

#### Показатели в файле:

- gender пол респондента;
- ftype тип хвойного дерева, которое оценивал респондент;
- height высота хвойного дерева в сантиметрах;
- expenses сумма (в рублях), которую респондент готов отдать за хвойное дерево;
- score балл, на который респондент оценил вид хвойного дерева (1 очень плохо, 5 отлично);
- wish ответ на вопрос «Хотели бы, чтобы Вам подарили такое хвойное дерево?» (да, нет).

Так как в файле есть текст на кириллице и создавался он на Mac OS/Linux, необходимо добавить аргумент encoding со значением кодировки "UTF-8", иначе на Windows вместо русских букв в тексте будут крокозябры:

Похожая проблема может возникнуть, если наоборот, файл с кириллицей создавался на Windows, а загружается в R на Mac/Linux. Тогда нужно будет выставить кодировку "Windows-1251".

Если добавление кодировки в **encoding** не решает проблему (текст не отображается в читаемом виде), нужно перед работой с файлом запустить следующую строчку кода:

```
Sys.setlocale("LC_CTYPE", "ru_RU.UTF-8")
```

Этот код сохранит настройки языка и кодировки, и файлы на русском языке будут благополучно открываться.

Какие ещё проблемы могут возникнуть при работе с CSV-файлом? Во-первых, в качестве разделителя столбцов вместо привычной запятой может использоваться точка с запятой. Если этот факт мы не учтём, R выдаст ошибку и файл с данными не загрузит. Справиться с этой проблемой поможет опция sep (от separator). Загрузим файл test2.csv, используя ссылку на странице курса:

```
test2 <- read.csv("https://raw.githubusercontent.com/allatambov/PyDat-0919/master/lectures-seminars/7-p
```

Во-вторых, в качестве десятичного разделителя в файле может использоваться запятая, вместо принятой в R точки. В таком случае дробные числа будут считываться R как некоторый текст. Если присмотреться, именно это мы увидим в датафрейме test2:

#### test2

```
## A B C
## 1 2 2,5 1,8
## 2 3 4,2 0
## 3 4 4,3 1,6
```

Столбцы В и С имеют тип *character*, хотя задумывались они явно как числовые. Исправим это, добавим ещё один аргумент — **dec** (десятичный разделитель):

```
test2 <- read.csv("https://raw.githubusercontent.com/allatambov/PyDat-0919/master/lectures-seminars/7-p
test2</pre>
```

```
## A B C
## 1 2 2.5 1.8
## 2 3 4.2 0.0
## 3 4 4.3 1.6
```

Теперь всё в порядке.

# Загрузка файла Excel

Для загрузки файла Excel (xls или xlsx), нам понадобится библиотека readxl. Установим её:

```
install.packages("readxl")
```

Обратимся к библиотеке, чтобы R видел, откуда брать функции для загрузки файлов Excel (аналог импортирования библиотеки через конструкцию import в Python):

```
library(readxl)
```

Теперь вызовем функция read.excel() и загрузим тестовый файл test1.xlsx:

```
test1 <- read_excel("/Users/allat/Desktop/test1.xlsx")
test1</pre>
```

```
## # A tibble: 2 x 3
## A B C
## <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> ## 1 2 3 4
## 2 5 6 7
```

# Выбор рабочей папки

Рабочая папка — папка, из которой R запускается по умолчанию. На практике это означает, что R по умолчанию видит только те файлы, которые находятся в рабочей папке, поэтому при обращении к ним не нужно прописывать полный путь, достаточно указать только название. Узнать, какая папка является рабочей, можно с помощью функции getwd():

```
# wd - working directory
getwd()
```

```
## [1] "/Users/allat/Desktop"
```

Чтобы изменить рабочую папку, нужно вызвать функцию setwd() и указать путь к новой папке:

```
setwd("/Users/allat/Desktop/")
```

Теперь файл firtree.csv, лежащий на рабочем столе (Desktop), можно загрузить довольно просто:

```
tree <- read.csv("firtree.csv")</pre>
```

Иногда, если очень не хочется возиться с папками и путями, можно обратиться к функции file.choose(), она откроет обычное окно для выбора файла:

```
tree <- read.csv(file.choose())</pre>
```

# Просмотр данных

Вернёмся к файлу с данными опроса на ёлочном базаре и датафрейму tree. Посмотрим на датафрейм — функция View() открывает датафрейм в отдельной вкладке:

```
View(tree)
```

Внимание: первая буква у View() заглавная!

Теперь запросим первые строки датафрейма:

# head(tree)

```
X gender
##
                       ftype height score expenses wish
## 1 1 female
                           190
                                          1051
                                          2378
## 2 2
                           174
                                   3
         male
## 3 3 female
                            248
                                            655
                                     4
## 4 4 female
                                           2934
                            191
                                     1
## 5 5 female
                            147
                                           1198
                                     3
## 6 6
                             91
                                     3
                                           2139
         male
```

По умолчанию функция head() выдает первые 6 строк, но это можно изменить:

```
# 8 head(tree, 8)
```

```
##
     X gender
                          ftype height score expenses wish
## 1 1 female
                              190
                                             1051
                                      3
## 2 2
         male
                              174
                                      3
                                             2378
## 3 3 female
                                               655
                               248
                                        4
## 4 4 female
                               191
                                              2934
                                        1
## 5 5 female
                               147
                                        3
                                              1198
## 6 6
                                91
                                        3
                                              2139
         male
## 7 7
                                            702
         male
                            151
                                     5
## 8 8 female
                             94
                                     2
                                           2707
```

Аналогичным образом можно вывести последние строки датафрейма:

```
View(tail(tree))
```

Здесь функцию tail() мы заключили в View(), чтобы строки выводились в удобном формате — не в консоль, а в отдельном окне.

# Техническое описание данных

Для начала запросим размерность датафрейма: число строк и число столбцов.

```
# 1200 7
dim(tree)
```

```
## [1] 1200 7
```

Функция dim() возвращает вектор из двух элементов, причем на первом месте всегда идёт число строк, на втором — число столбцов. Если нам нужно только число строк или только число столбцов, можно выбрать нужный элемент по индексу, а можно поступить проще — воспользоваться готовыми функциями.

Функция ncol() возвращает число столбцов, а функция nrow() — число строк.

```
ncol(tree)
```

```
## [1] 7 nrow(tree)
```

```
## [1] 1200
```

Если мы хотим получить техническое описание датафрейма — сколько в нём строк и столбцов, какого типа эти столбцы, можно воспользоваться функцией str(). Эта функция (str от *structure*) возвращает структуру любого объекта, не только датафрейма, поэтому, если не совсем ясно, какой объект выдала какая-нибудь функция из неизвестной библиотеки, можно смело её использовать.

Посмотрим на структуру датафрейма tree:

```
str(tree)
```

```
1200 obs. of 7 variables:
## 'data.frame':
             : int 1 2 3 4 5 6 7 8 9 10 ...
## $ gender : chr
                    "female" "male" "female" "female" ...
                            11 11
                                     11 11
                                              11 11
## $ ftype
             : chr
                   190 174 248 191 147 91 151 94 138 221 ...
## $ height : int
                    3 3 4 1 3 3 5 2 5 4 ...
             : int
                    1051 2378 655 2934 1198 2139 702 2707 713 1521 ...
## $ expenses: int
                    $ wish
```

Со столбцами X, height, score и expenses всё понятно, это обычные целочисленные столбцы типа *integer*. С остальными столбцами интереснее — они имеют тип factor. Levels здесь — это уникальные значения в векторе.

Тип factor используется в тех случаях, когда нечисловые, качественные, значения кодируются числами. Другими словами, когда числа «ненастоящие», когда с ними нельзя работать как с числами в математике. Например, если вместо значений "female" и "male" в столбце gender мы будем ставить 0 и 1, мы всё равно не сможем говорить, что 1 здесь больше 0, это какие-то наши условные обозначения, результат договоренности. Или, например, если мы будем кодировать любимый цвет респондента числами от 1 до 4 (красный, жёлтый, зелёный, синий), мы не сможем сравнивать эти числа и утверждать,

что 4 в два раза больше 2, потому что это то же самое, что сравнивать слова «жёлтый» и «синий». Считать среднее значение по такому набору чисел тоже неправильно, даже если технически мы можем все числа сложить и поделить на их количество, потому что результат будет неинтерпретируемым. Ведь непонятно, что такое средний цвет, равный, к примеру, 2.5.

Особого внимания заслуживает столбец wish. Помимо очевидных значений " " и " " здесь есть значение. На самом деле это пустые ячейки, которые считались в R таким образом. Чтобы они нам не мешали, давайте ещё раз загрузим файл, добавив опцию na.strings = , которая принудит R считать такие ячейки за полноценные пропущенные значения NA:

Посмотрим на структуру обновленного датафрейма:

str(tree)

```
## 'data.frame':
                   1200 obs. of 7 variables:
##
   $ X
             : int 1 2 3 4 5 6 7 8 9 10 ...
## $ gender : chr "female" "male" "female" "female" ...
                                      11 11
                                               11 11
                    11
                            11 11
## $ ftype
             : chr
## $ height : int 190 174 248 191 147 91 151 94 138 221 ...
## $ score
             : int 3 3 4 1 3 3 5 2 5 4 ...
## $ expenses: int 1051 2378 655 2934 1198 2139 702 2707 713 1521 ...
             : chr " " " " " " " ...
## $ wish
```

Всё исправилось!

# Поиск пропущенных значений

Теперь мы точно знаем, что в некоторых столбцах есть пропущенные значения (NA's). Попробуем их посчитать. Для начала воспользуемся функцией complete.cases(), которая вернёт нам вектор из значений TRUE и FALSE, где TRUE означает, что строка в таблице не содержит пропущенные значения (case — это строка, то есть одно наблюдение). Выведем первые несколько значений вектора:

```
head(complete.cases(tree))
```

```
## [1] TRUE TRUE TRUE TRUE TRUE TRUE
```

Теперь, чтобы посчитать число полностью заполненных строк, нам достаточно посчитать число TRUE. Сделать это очень просто: R воспринимает значения TRUE как 1, а FALSE — как 0, поэтому можно просто суммировать все значения в векторе выше:

```
sum(complete.cases(tree))
```

```
## [1] 1198
```

Но нам нужен противоположный набор значений, ведь мы хотим посчитать число строк с пропущенными значениями! Поэтому к complete.cases() нужно добавить отрицание. Отрицание в программировании обычно задаётся с помощью восклицательного знака. Поставим его перед функцией и получим «перевёрнутый» вектор, где TRUE и FALSE поменялись местами.

```
sum(!complete.cases(tree))
```

```
## [1] 2
```

Получается, в датафрейме **tree** у нас есть две строки, в которых есть хотя бы одно пропущенное значение.

Важно: в R есть ещё одна функция для поиска пропущенных значений — is.na():

```
sum(is.na(tree))
```

```
## [1] 2
```

В нашем случае результаты с complete.cases() и is.na() совпадают, но так будет не всегда. Функция complete.cases() проверяет заполненность строк, а функция is.na() — заполненность ячеек. Допустим, у нас есть маленький датафрейм такого вида:

```
test <- cbind.data.frame(a = c(NA, 2, 3),
b = c(NA, NA, 1))

test

## a b
## 1 NA NA
## 2 2 NA
## 3 3 1
```

В нём две строки, содержащие хотя бы один NA, но всего пропущенных значений три. Сравним результаты:

```
sum(!complete.cases(test))
## [1] 2
sum(is.na(test))
## [1] 3
```

# Содержательное описание данных

Выведем описательные статистики по всему датафрейму tree с помощью функции summary():

#### summary(tree)

```
##
          X
                        gender
                                           ftype
                                                                height
##
   Min.
          :
               1.0
                     Length: 1200
                                        Length: 1200
                                                            Min. : 70.0
  1st Qu.: 300.8
                     Class : character
                                        Class : character
                                                            1st Qu.:115.0
  Median : 600.5
                     Mode :character
                                        Mode : character
                                                            Median :157.0
## Mean
          : 600.5
                                                            Mean
                                                                   :159.1
##
   3rd Qu.: 900.2
                                                            3rd Qu.:203.2
                                                                   :250.0
##
  Max.
           :1200.0
                                                            Max.
##
                                         wish
        score
                       expenses
## Min.
          :1.000
                    Min.
                          : 302.0
                                     Length: 1200
##
   1st Qu.:2.000
                    1st Qu.: 904.8
                                     Class : character
##
  Median :3.000
                    Median :1630.5
                                     Mode :character
           :3.005
  Mean
                    Mean
                           :1629.0
   3rd Qu.:4.000
##
                    3rd Qu.:2300.0
           :5.000
                    Max.
                           :2999.0
```

Для количественных показателей функция возвращает минимальное и максимальное значения (Min. и Max), среднее арифметическое и медиану (Mean и Median), а также нижний и верхний квантили (1st Qu. и 3rd Qu.). Так, для столбца height получаем:

- высота 50% деревьев в данных не превышает значение 157 см;
- высота 25% деревьев в данных не превышает значение 115 см;
- высота 75% деревьев в данных не превышает значение 203.2 см.

Для текстовых показателей функция не возвращает ничего интересного. Чтобы это исправить, нужно считать текстовые столбцы как факторные (factor). Факторный тип — особый тип данных в R, к нему

можно относиться как к типу, который хранит неколичественные значения, но при этом присваивает им числовые метки. Так, факторный вектор может хранить ответы «да» и «нет», но при этом R будет знать, что значению «да» соответствует число 1, а значению «нет» — 2.

Для того, чтобы текстовые столбцы считались как факторные, при загрузке файла нужно добавить аргумент stringsAsfactors=TRUE:

```
tree <- read.csv("firtree.csv", na.strings = "", stringsAsFactors = TRUE)
summary(tree)</pre>
```

```
##
          Х
                                                 ftype
                                                               height
                         gender
                     female:612
##
    Min.
           :
               1.0
                                             :258
                                                    Min.
                                                           : 70.0
##
   1st Qu.: 300.8
                     male :588
                                              :326
                                                     1st Qu.:115.0
##
  Median : 600.5
                                              :289
                                                     Median :157.0
##
  {	t Mean}
          : 600.5
                                                :327
                                                       Mean
                                                              :159.1
   3rd Qu.: 900.2
##
                                                           3rd Qu.:203.2
           :1200.0
                                                                   :250.0
##
  {\tt Max.}
                                                           Max.
##
        score
                        expenses
                                        wish
## Min.
           :1.000
                    Min.
                           : 302.0
                                          :611
##
                    1st Qu.: 904.8
   1st Qu.:2.000
                                         :587
##
  Median :3.000
                    Median :1630.5
                                      NA's: 2
##
  Mean
           :3.005
                    Mean
                            :1629.0
    3rd Qu.:4.000
                    3rd Qu.:2300.0
           :5.000
                            :2999.0
##
   {\tt Max.}
                    Max.
```

Теперь для нечисловых (факторных) столбцов функция summary() показывает частоты — сколько раз то или иное значение встречается в столбце. Количество пропущенных значений тоже учитывается.

## Паттерны пропущенных значений

Для дальнейшей работы с пропущенными значениями нам понадобится дополнительная библиотека VIM. Установим её.

```
install.packages("VIM")
```

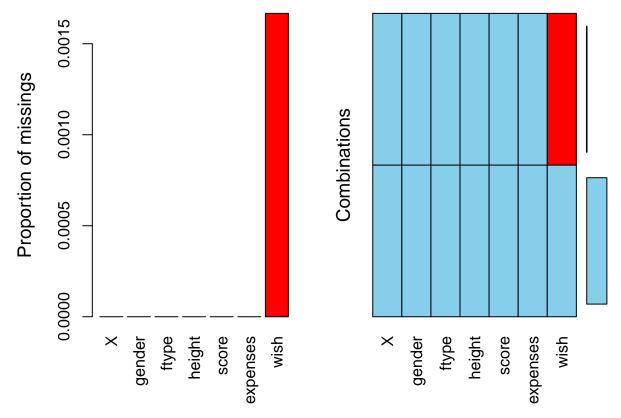
Обратимся к ней:

```
library(VIM)
```

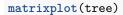
Выведем графики, которые покажут, в каких переменных пропущенных значений больше всего и как выглядит таблица с пропущенными значениями (паттерны пропущенных значений).

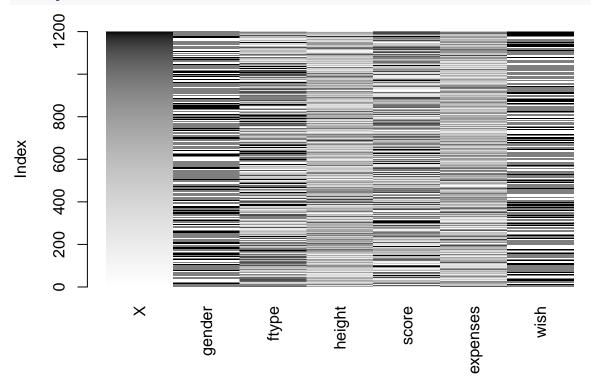
На графике слева показано, с какой частотой встречаются пропущенные значения в той или иной переменной. На графике справа показано, в каких комбинациях эти пропущенные значения встречаются.

```
aggr(tree)
```



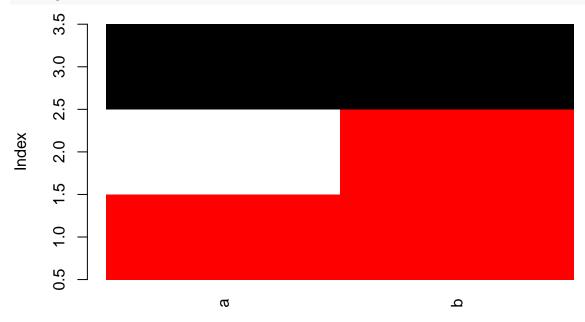
Следующий график отвечает за заполненность наблюдений (красным цветом отмечены пропущенные значения, остальное — заполненные значения, чем темнее цвет, тем больше значение). По вертикальной оси — номер строки в датафрейме, іd наблюдения.





Так как в датафрейме tree всего две строчки с пропущенными значениями, и они не рядом, на графике их почти не видно. Но если пропусков много, этот график их покажет, сразу станет видно красные «дыры» на фоне серых и черных полосок. Для примера можем посмотреть на тот же график для test:





Датафрейм маленький, и по графику сразу видно, что ячеек с пропущенными значениями много, если сравнивать с общим числом ячеек в датафрейме.

## Описание качественных данных

Если нас интересует отдельный столбец датафрейма, его можно выбрать через \$:

```
head(tree$wish) #
## [1]
## Levels:
```

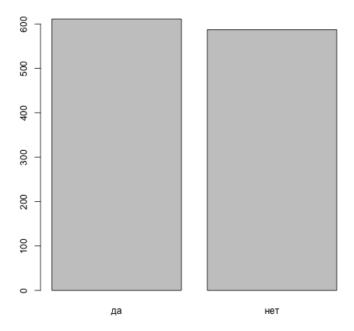
Выбрать, а дальше описывать отдельно. Если показатель качественный (текстовый или факторный),

```
для него логично определить уникальные значения:
unique(tree$wish)
## [1]
               <NA>
## Levels:
И соответствующие им частоты:
```

```
table(tree$wish)
##
##
## 611 587
```

Потом эту таблицу частот можно поместить внутрь функции barplot() и построить столбиковую диаграмму:

```
barplot(table(tree$wish))
```



Можем добавить цвета:

График далёк от идеального: подписей нет, вертикальная ось коротковата... Но настройкой графиков мы будем заниматься позже, пока просто смотрим, что возможность быстро построить график есть.

# Описание количественных данных

Уже знакомую нам функцию **summary()** мы можем применить и к отдельному столбцу (и к вектору вне датафрейма тоже):

```
## Min. 1st Qu. Median Mean 3rd Qu. Max.
## 302.0 904.8 1630.5 1629.0 2300.0 2999.0
```

Здесь уже всё знакомо.

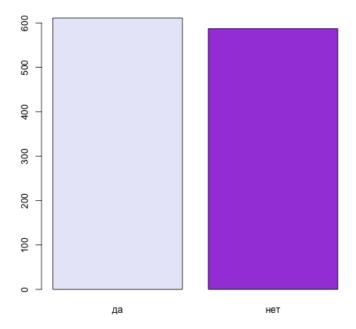
Теперь посмотрим на более подробную выдачу R с описательными статистиками. Чтобы это сделать, нам понадобится библиотека psych, которая содержит набор функций, часто используемых в психометрических исследованиях. Установим её:

```
install.packages("psych")
```

Обратимся к библиотеке через library():

```
library(psych)
```

Теперь запросим описательные статистики для столбца expenses с помощью функции describe():



# describe(tree\$expenses)

```
## vars n mean sd median trimmed mad min max range skew kurtosis
## X1 1 1200 1629.05 792.82 1630.5 1622.58 1028.18 302 2999 2697 0.06 -1.24
## se
## X1 22.89
```

Что есть что?

- vars: число описываемых переменных (не путать с var для дисперсии);
- n: число наблюдений;
- mean: среднее арифметическое, выборочное среднее;
- sd: стандартное отклонение;
- median: медиана;
- trimmed: усечённое среднее, среднее по цензурированной выборке (см. ниже);
- mad: медианное значение абсолютного отклонения от медианы (нам не понадобится);
- min, max: минимальное и максимальное значение;
- range: размах;
- skew: коэффициент асимметрии или скошенности (см.нижк);
- kurtosis: коэффициент эксцесса (см. ниже);
- se: стандартная ошибка среднего;

Подробнее про некоторые статистики.

Усечённое среднее, среднее по цензурированной выборке

Считается так: выборка упорядочивается по возрастанию, из неё убирается 5% наблюдений слева и справа (наименьшие и наибольшие), потом по такой усечённой или цензурированной выборке считается обычное среднее арифметическое.

Наравне с медианой считается более устойчивой оценкой среднего, так как после усечения выборки

такой показатель уже несильно зависит от слишком больших или слишном маленьких (нетипичных) значений в выборке. То есть, при наличии нетипичных наблюдений в выборке (выбросов) такое среднее более адекватно отражает реальность, чем обычное среднее арифметическое.

## Коэффициент асимметрии

Показатель принимает значения примерно от -3 до 3. Значение 0 соответствует симметричному распределению (например, нормальному, вспомните график плотности, симметричный относительно математического ожидания). Значения меньше 0 соответствуют распределению, которое скошено влево (длинный хвост «слева»), значения больше 0 соответствуют распределению, которое скошено вправо (длинный «хвост» справа).

В нашем случае распределение почти симметричное, коэффициент близок к нулю, но при это оно немного скошено вправо, поэтому значение больше 0.

#### Коэффициент эксцесса

Показатель принимает значения примерно от -3 до 3 и отвечает за выраженность пика распределения. Чем больше значение коэффициента, тем более выраженный пик. Стандартное нормальное распределение имеет коэффициент эксцесса равный 0. Отрицательные значения коэффициента соответствуют более «плоским» и «гладким» распределениям, у которых пик не такой заметный. Посмотрите на картинку здесь и сравните.

В нашем случае распределение несильно отличается от нормального, поэтому коэффициент близок к нулю.

Библиотека psych удобна тем, что она содержит функцию describeBy(), которая позволяет выводить описательные статистики по группам. Нет необходимости отфильтровывать нужные строки и сохранять их в отдельные датасеты, можно просто указать группирующую переменную. Например, сравним, сколько на хвойные деревья могут тратить мужчины и женщины:

#### describeBy(tree\$expenses, tree\$gender)

```
##
## Descriptive statistics by group
## group: female
##
    vars n
              mean
                     sd median trimmed
                                       mad min max range skew kurtosis
## X1
       1 612 1640.38 785.23 1652.5 1635.9 1012.62 302 2999 2697 0.03
                                                             -1.25
##
## X1 31.74
## group: male
          n
              mean
                     sd median trimmed
                                       mad min max range skew kurtosis
## X1
       ##
## X1 33.04
```

Очень удобно!

Если нас интересует только определённая характеристика столбца, можем воспользоваться базовыми, уже знакомыми нам, функциями.

```
min(tree$expenses)
## [1] 302
max(tree$expenses)
## [1] 2999
```

## mean(tree\$expenses)

## [1] 1629.045

median(tree\$expenses)

## [1] 1630.5

var(tree\$expenses)

## [1] 628562.6

sd(tree\$expenses)

## [1] 792.8194

Однако у всех этих функций есть одна особенность — они возвращают NA, если в столбце или векторе есть хотя бы одно пропущенное значение. Попробуем посчитать среднее для вектора с NA:

```
mean(c(7, 5, NA, 9))
```

## [1] NA

Нет ответа, плюс, получили предупреждение о наличие NA. Чтобы этого избежать, можно добавить опцию na.rm = TRUE, сокращение от NA remove:

```
mean(c(7, 5, NA, 9), na.rm = TRUE)
```

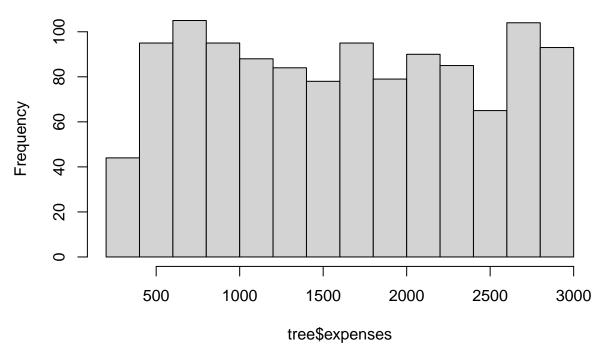
## [1] 7

Пропущенные значения не удаляются из самого вектора, но не учитываются при вычислении среднего. То же будет актуально и для других характеристик (минимум, медиана и прочие).

Напоследок построим гистограмму:

hist(tree\$expenses)

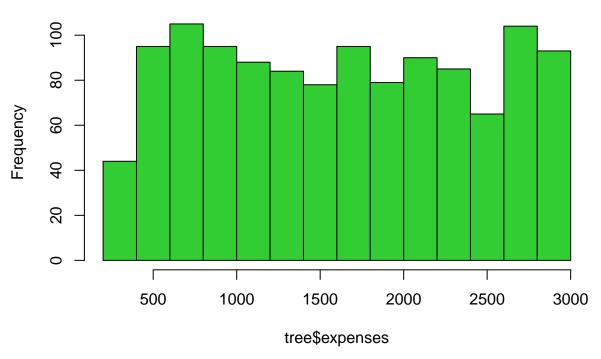
# **Histogram of tree\$expenses**



Добавим цвет:

hist(tree\$expenses, col = "limegreen")

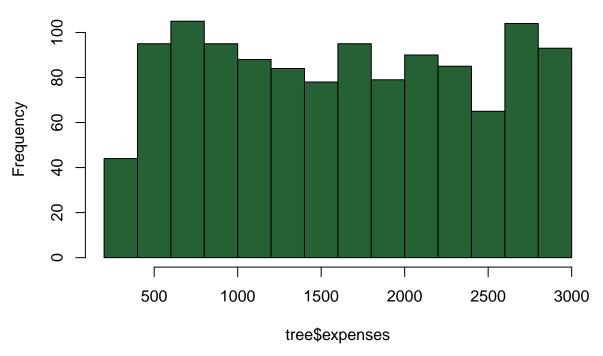
# Histogram of tree\$expenses



Выбор цветов в R богатый, список всех цветов с примерами можно посмотреть здесь. При желании можно вводить не название цвета, а его код в формате RGB или HEX. Пример с цветом в формате

hist(tree\$expenses, col = "#266136")

# **Histogram of tree\$expenses**



Про форматы цветов можно посмотреть здесь.

Настройку графиков и наведение красоты мы обсудим позже.