ФЕДЕРАЛЬНОЕ ГОСУДАРСТВЕННОЕ БЮДЖЕТНОЕ ОБРАЗОВАТЕЛЬНОЕ УЧРЕЖДЕНИЕ ВЫСШЕГО ОБРАЗОВАНИЯ «СИБИРСКИЙ ГОСУДАРСТВЕННЫЙ УНИВЕРСИТЕТ ТЕЛЕКОММУНИКАЦИЙ И ИНФОРМАТИКИ»

КУРСОВОЙ ПРОЕКТ

по дисциплине "Параллельные вычислительные технологии" на тему

Разработка параллельной **MPI-программы** вычисления обратной матрицы методом Гаусса

Выполнил студент	Григорьев Юрий Вадимович	
_		Ф.И.О.
Группы ИС-142		
Работу принял		профессор д.т.н. М.Г. Курносов
	подпись	
Защищена		Оценка

СОДЕРЖАНИЕ

ВВЕДЕНИЕ	3
1 Вычисление обратной матрицы методом Гаусса	4
2 Реализация метода Гаусса	6
2.1 Инициализация и распределение данных	6
2.2 Ход вычислений и обмен информацией между процессами	6
2.3 Завершение вычислений и сбор результатов	8
3 Масштабируемость реализованной программы	9
3.1 Результаты запусков на кластере Oak	9
3.2 Построение результирующего графика	10
ЗАКЛЮЧЕНИЕ	11
СПИСОК ИСПОЛЬЗОВАННЫХ ИСТОЧНИКОВ	
ПРИЛОЖЕНИЕ	13
1 Исходный код последовательной программы	13
2 Исходный код MPI-программы	14
3 Исходный код Python-программы для построения графика	

ВВЕДЕНИЕ

Целью данной работы является разработка и реализация параллельной MPI-программы для вычисления обратной матрицы с использованием метода Гаусса. Обратной матрицей называют такую матрицу, при умножении которой на исходную в качестве результата получается единичная диагональная матрица. Обратные матрицы существуют только для квадратных и невырожденных (определители которых не равны нулю) матриц.

Метод Гаусса (Гаусса-Жордана) был выбран за его надёжность и эффективность в вычислении обратных матриц. Этот метод основан на последовательных преобразованиях строк исходной матрицы для приведения её к диагональному или единичному виду, что позволяет легко получить обратную матрицу.

В работе будут рассмотрены теоретические основы метода Гаусса для вычисления обратной матрицы, детали реализации данного метода в программном виде, а также подробное описание работы параллельной программы, включая инициализацию процессов, обмены информацией между процессами, вычислительный процесс и сохранение результата.

1 Вычисление обратной матрицы методом Гаусса

Метод Гаусса-Жордана для нахождения обратной матрицы основывается на элементарных преобразованиях строк матрицы. Цель - привести данную квадратную матрицу к единичной форме. Параллельно с этими преобразованиями, те же операции применяются к единичной матрице того же размера. В итоге, после приведения исходной матрицы к единичной, единичная матрица преобразуется в обратную к исходной.

Этапы Метода Гаусса-Жордана

1. Формирование расширенной матрицы

Исходная матрица A объединяется с единичной матрицей I того же размера. Это создает расширенную матрицу [A | I], где I - единичная матрица.

2. Прямой ход

Строки расширенной матрицы преобразуются таким образом, чтобы привести левую часть (исходную матрицу A) к верхней треугольной форме. Это достигается путём элементарных преобразований строк: перестановка строк, умножение строки на ненулевой коэффициент и добавление к строке другой строки, умноженной на коэффициент.

3. Обратный ход

После получения верхней треугольной матрицы начинается процесс обратного хода, целью которого является приведение левой части матрицы к диагональному виду, а затем к единичной матрице. Это достигается путем дополнительных элементарных преобразований строк.

4. Получение обратной матрицы

По завершении этих преобразований, правая часть (матрица B) расширенной матрицы [I | B] представляет собой матрицу, обратную исходной.

В процессе преобразований крайне важно избегать деления на ноль, поэтому при выборе ведущего элемента в строке (для нормализации строки) следует выбирать максимальный по модулю элемент. Если в какой-то момент ведущий элемент (элемент на диагонали) оказывается равным нулю, это указывает на то, что матрица не обратима.

2 Реализация метода Гаусса

Пояснения по алгоритму работы МРІ-программы из Приложения 2

2.1 Инициализация и распределение данных

Функция **get_chunk** на основе общего количества процессов и номере текущего процесса определяет диапазон строк исходной матрицы (верхнюю и нижнюю границы), который будет обработан каждым процессом. Она обеспечивает равномерное распределение строк между процессами, учитывая, что общее количество строк может не делиться нацело на количество процессов.

Функция **get_proc** на основе заданного номера строки определяет, какой процесс отвечает за ее обработку.

Функция **get_input_matrix** генерирует исходную матрицу, которая будет преобразована. Функция **get_connected_matrix** создает сопутствующую единичную матрицу. В процессе вычислений эта матрица будет преобразована в обратную к исходной.

2.2 Ход вычислений и обмен информацией между процессами

Функция inverse_matrix обрабатывает один столбец (cur_col) матрицы А на каждом шаге алгоритма Гаусса. Целью этой функции является преобразование исходной матрицы таким образом, чтобы в текущем столбце все элементы, кроме главного (диагонального), стали нулями. Те же операции применяются и к единичной матрице X, которая в результате преобразуется в обратную матрицу к A.

Шаги Функции inverse_matrix:

1. Поиск локального максимума в столбце

Для текущего столбца cur_col каждый процесс ищет локальный максимальный элемент (по модулю) в своей части матрицы. Локальный максимум и его индекс сохраняются в local_max и local_index.

2. Определение глобального максимума

Используя операцию **MPI_Allreduce**, локальные максимумы со всех процессов собираются и сравниваются для нахождения глобального максимума. Глобальный максимум (**global_data.value**) и его индекс (**global_data.index**) используются для определения строки с главным элементом в дальнейших вычислениях.

3. Проверка на необратимость

Если глобальный максимум (global_data.value) равен нулю, функция inverse_matrix возвращает false, что означает, что матрица вырождена, а значит не имеет обратной. Это поведение обрабатывается в функции main с возвратом кода ошибки и выводом сообщения об ошибке пользователю.

4. Обмен данными и нормализация строк

При наличии глобального максимума создается массив \$1, куда процессы diag_p и main_p (процесс с диагональным элементом текущего столбца и процесс с главным элементом) копируют соответствующие строки из A и X. Применяется MPI_Allreduce для объединения данных из \$1 в \$2 на всех процессах. Он обеспечивает, что все процессы имеют одинаковую информацию о нормализованной строке и строке с главным элементом. Осуществляется нормализация строки с главным элементом так, чтобы главный элемент в ней (который теперь стал диагональным) стал равен 1, т.е. происходит деление всей строки на главный элемент (фактор).

5. Перестановка и вычитание строк

Если ранг текущего процесса совпадает с main_p или diag_p, то происходит обновление соответствующих строк в A и X. Все процессы вычитают нормализованную строку из остальных своих строк, чтобы обнулить элементы в текущем столбце, кроме диагонального.

2.3 Завершение вычислений и сбор результатов

По завершении преобразований каждый процесс содержит часть обратной матрицы. Для получения полной обратной матрицы происходит сбор всех строк в процессе 0 функцией MPI_Allgatherv, в которую подаются заранее подготовленные каждым процессом массивы recvcounts и displs с количеством отправляемых элементов и их смещением в полной матрице соответственно.

Выполняется завершение отсчета времени выполнения программы, пользователю выводится информация о работе. Освобождается память выделенных массивов, финализируется работа MPI функцией MPI_Finalize.

3 Масштабируемость реализованной программы

3.1 Результаты запусков на кластере Oak

Таблица 1 – Результаты экспериментов

Количество	Время работы программы для размера матрицы N x N, сек	
процессов	N = 1500	N = 5000
1 (послед.)	76,430	1878,501
2 (2 x 1)	38,275	958,965
4 (2 x 2)	19,162	471,292
6 (2 x 3)	12,973	315,931
8 (2 x 4)	9,911	238,076
10 (2 x 5)	8,536	196,280
12 (2 x 6)	7,231	160,478
14 (2 x 7)	6,638	138,709
16 (2 x 8)	6,199	125,993

Таблица 2 – Полученное ускорение относительно последовательной версии

Количество	Ускорение работы программы для размера матрицы N x N	
процессов	относительно последовательной программы (Приложение 1)	
	N = 1000	N = 10000
2 (2 x 1)	1,99	1,95
4 (2 x 2)	3,98	3,98
6 (2 x 3)	5,89	5,94
8 (2 x 4)	7,71	7,89
10 (2 x 5)	8,95	9,57
12 (2 x 6)	10,56	11,70

14 (2 x 7)	11,51	13,54
16 (2 x 8)	12,32	14,90

3.2 Построение результирующего графика

С помощью Python и библиотеки matplotlib была создана программа (Приложение 3) для построения графика по данным из Таблицы 2.

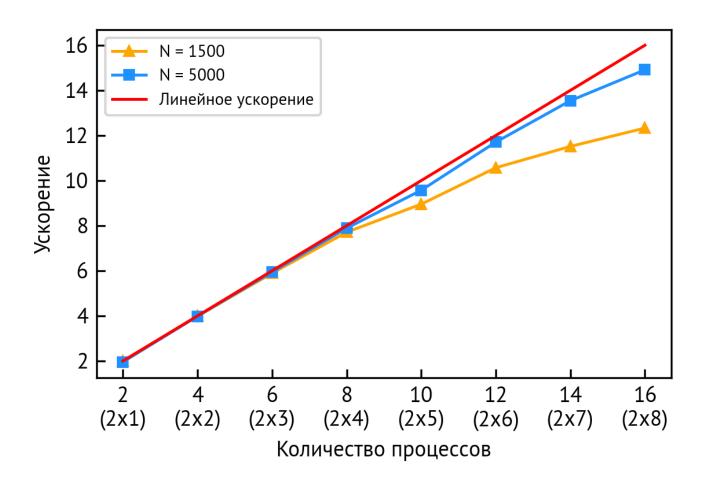


Рисунок 1 - График зависимости ускорения выполнения от количества процессов MPI-программы относительно последовательной версии

ЗАКЛЮЧЕНИЕ

В работе была успешно реализована параллельная программа для вычисления обратной матрицы с использованием метода Гаусса-Жордана и технологии МРІ. Программа демонстрирует эффективное распределение вычислительных задач между процессами и хорошую масштабируемость при увеличении работающих процессов, что позволяет значительно ускорить процесс вычисления обратной матрицы.

Тестирование программы на различных размерах матриц показало значительное улучшение производительности по сравнению с последовательными методами. Это подчёркивает преимущества использования параллельных вычислений в задачах, требующих интенсивных вычислений и обработки больших данных.

СПИСОК ИСПОЛЬЗОВАННЫХ ИСТОЧНИКОВ

- 1. Гергель В.П., Стронгин Р.Г. Основы параллельных вычислений для многопроцессорных вычислительных систем
- 2. Гергель В.П. Теория и практика параллельных вычислений
- 3. Karniadakis G., Kirby R. Parallel Scientific Computing in C++ and MPI
- 4. Эндрюс Г. Основы многопоточного, параллельного и распределенного программирования

ПРИЛОЖЕНИЕ

1 Исходный код последовательной программы

```
#include <cstdlib>
#include <iostream>
#include <sys/time.h>
#include <vector>
using namespace std;
int n;
double wtime() {
 struct timeval t;
  gettimeofday(&t, NULL);
  return (double) t.tv sec + (double) t.tv usec * 1E-6;
bool invertMatrix(double *matrix) {
  double *temp = (double*) malloc(n * n * 2 * sizeof(double));
  for (int i = 0; i < n; ++i) {</pre>
    for (int j = 0; j < n; ++j) {</pre>
      temp[i * n + j] = matrix[i * n + j];
    temp[i * n + i + n] = 1;
  }
  // direct way
  for (int i = 0; i < n; ++i) {</pre>
    // row normalization
    double diag = temp[i * n + i];
    if (diag == 0) return false; // no inverse matrix
    for (int j = 0; j < n * 2; ++j) {</pre>
      temp[i * n + j] /= diag;
    }
    // col zeroing
    for (int k = 0; k < n; ++k) {
      if (k == i) continue;
      double factor = temp[k * n + i];
      for (int j = 0; j < n * 2; ++j) {</pre>
        temp[k * n + j] -= factor * temp[i * n + j];
    }
  }
  // getting result
  for (int i = 0; i < n; ++i) {</pre>
    for (int j = 0; j < n; ++j) {</pre>
      matrix[i * n + j] = temp[i * n + j + n];
    }
  return true;
```

```
double *get matrix() {
  double *a = (double*) malloc(n * n * sizeof(double));
  for (int i = 0; i < n; i++) {</pre>
   for (int j = 0; j < n; j++) {</pre>
      a[i * n + j] = min(n - j, n - i);
 return a;
int main(int argc, char **argv) {
  double t = -wtime();
  if (argc > 1) {
   n = atoi(argv[1]);
  } else {
   n = 1680;
  double *matrix = get matrix();
  if (invertMatrix(matrix)) {
   t += wtime();
   cout << "n = " << n << ", t = " << t << " sec\n";
   cout << "No inverse matrix\n";</pre>
  free (matrix);
 return 0;
```

2 Исходный код МРІ-программы

```
#include <mpi.h>
#include <cmath>
#include <cstdlib>
#include <iomanip>
#include <iostream>
// Global variables
int rank, commsize, lb, ub, nrows, n;
void get chunk(int *1, int *u) {
  int rows per process = n / commsize;
  int remaining rows = n % commsize;
  if (rank < remaining rows) {</pre>
    *l = rank * (rows_per_process + 1);
    *u = *1 + rows per process;
  } else {
   *l = remaining_rows * (rows_per_process + 1) + (rank - remaining_rows) *
rows_per_process;
   *u = *1 + rows_per_process - 1;
  }
int get proc(int idx) {
```

```
int rows per process = n / commsize;
  int remaining_rows = n % commsize;
  int threshold = remaining_rows * (rows_per_process + 1);
  if (idx < threshold) {</pre>
    // Index falls in the range of processes with an extra row
    return idx / (rows_per_process + 1);
  } else {
    \ensuremath{//} Index falls in the range of processes without an extra row
    return remaining rows + (idx - threshold) / rows per process;
}
double *get input matrix() {
  double *matrix = (double*) malloc(nrows * n * sizeof(double));
  for (int i = 0; i < nrows; i++) {</pre>
    for (int j = 0; j < n; j++) {</pre>
      matrix[i * n + j] = std::min(n - j, n - i - rank * nrows);
  }
  return matrix;
double *get connected matrix() {
  double *x = (double*) malloc(nrows * n * sizeof(double));
  for (int i = 0; i < nrows; i++) {</pre>
    for (int j = 0; j < n; j++) {</pre>
      if (i + rank * nrows == j) {
        x[i * n + j] = 1.0;
      } else {
        x[i * n + j] = 0.0;
      }
    }
  }
  return x;
// Function for zeroing cur col in matrix A & leaving diagonal with 1
// All operations are duplicated to matrix X
bool inverse matrix(double *a, double *x, int cur col) {
  // Getting local maximum in cur col
  double local_max = 0.0;
  int local index = -1;
  for (int i = 0; i < nrows; i++) {</pre>
   int global index = i + lb;
    if (global index >= cur col) {
      double value = std::fabs(a[i * n + cur col]);
      if (value > local max) {
        local_max = value;
        local_index = global_index;
      }
    }
  }
  // Struct for sending (local) & receiving (global) maximums from processes
  struct {
    double value;
    int index;
```

```
} local data = {local max, local index}, global data;
  // Getting global maximum
  MPI Allreduce(&local data, &global data, 1, MPI DOUBLE INT, MPI MAXLOC,
MPI COMM WORLD);
  // If global cur col maximum is 0, matrix is singular and non-invertible
  if (global data.value == 0.0) {
   return false;
  // Calculating processes with diagonalised col & main element
  int diag p = get proc(cur col);
  int main p = get proc(global data.index);
  // Create & fill array for transferring data
  double *s1 = (double*) malloc(n * 4 * sizeof(double));
  for (int i = 0; i < n * 4; i++) {</pre>
   s1[i] = 0.0;
  // Process diag p puts needed rows to s1
  if (rank == diag p) {
    for (int i = n; i < n * 2; ++i) {</pre>
      s1[i] = a[(cur_col - rank * nrows) * n + i - n];
     s1[i + n * 2] = x[(cur_col - rank * nrows) * n + i - n];
    }
  }
  // Process main p puts needed rows to s1
  if (rank == main p) {
   for (int i = 0; i < n; ++i) {</pre>
     s1[i] = a[(global_data.index - rank * nrows) * n + i];
      s1[i + n * 2] = x[(global_data.index - rank * nrows) * n + i];
   }
  }
  // Reduce s1 arrays to s2
  double *s2 = (double*) malloc(n * 4 * sizeof(double));
  MPI Allreduce(s1, s2, n * 4, MPI DOUBLE, MPI SUM, MPI COMM WORLD);
  // All processes normalise row with main elem
  double c = s2[cur_col];
  for (int i = 0; i < n; i++) {</pre>
   s2[i] = s2[i] / c;
   s2[i + n * 2] = s2[i + n * 2] / c;
  // Processes with main and diagonal elements swap rows
  if (rank == main_p) {
    for (int i = n; i < n * 2; i++) {</pre>
      a[(global data.index - rank * nrows) * n + i - n] = s2[i];
      x[(global data.index - rank * nrows) * n + i - n] = s2[i + n * 2];
   }
  }
  if (rank == diag p) {
```

```
for (int i = 0; i < n; i++) {</pre>
     a[(cur_col - rank * nrows) * n + i] = s2[i];
     x[(cur_col - rank * nrows) * n + i] = s2[i + n * 2];
    }
  }
  // All processes subtract diagonal row from their rows, zeroing cur col
  // (except diagonal)
  for (int i = 0; i < nrows; i++) {</pre>
   if (i + rank * nrows != cur col) {
      c = a[i * n + cur col];
      for (int j = 0; j < n; j++) {</pre>
       a[i * n + j] = a[i * n + j] - s2[j] * c;
       x[i * n + j] = x[i * n + j] - s2[j + n * 2] * c;
      }
    }
  }
  // Free up resources used for transferring data
  free(s1);
  free(s2);
  return true;
int main(int argc, char **argv) {
  // Start measuring time
 double t = -MPI Wtime();
  // Initialize MPI
  MPI Init(&argc, &argv);
  MPI_Comm_size(MPI_COMM_WORLD, &commsize);
  MPI Comm rank (MPI COMM WORLD, &rank);
  n = 6;
  if (argc > 1) {
   n = std::atoi(argv[1]);
  // Get lower & upper bounds for this process, calculate number of local rows
  get chunk(&lb, &ub);
  nrows = ub - lb + 1;
  // Get matrices A and I (X after performing inversion operations)
  double *a = get input matrix();
  double *x = get connected matrix();
  // Perform operations with i-th col
  for (int i = 0; i < n; ++i) {</pre>
   if (!inverse matrix(a, x, i)) {
     std::cerr << "No inverse matrix\n";</pre>
     return 1;
   }
  // Fill receive counts and displacements for all procs
  double *recvbuf = nullptr;
```

```
int *recvcounts = (int*)malloc(commsize * sizeof(int));
  int *displs = (int*)malloc(commsize * sizeof(int));
  if (rank == 0) {
   recvbuf = (double*) malloc(n * n * sizeof(double));
    for (int i = 0; i < commsize; ++i) {</pre>
      int 1, u;
      get chunk(&1, &u);
     recvcounts[i] = (u - l + 1) * n;
      displs[i] = 1 * n;
   }
  }
  // Gathering all parts of inverse matrix on proc 0
  MPI_Gatherv(a, nrows * n, MPI_DOUBLE, recvbuf, recvcounts, displs, MPI_DOUBLE, 0,
MPI COMM WORLD);
  // End measuring time
  t += MPI Wtime();
  // Here receive buffer on proc 0 contains entire inverse matrix
  if (rank == 0) {
   std::cout << commsize << " procs, n = " << n << ", t = " << t << " sec\n";
  // Free up allocated memory, finalize
  free(a);
  free (x);
  free (recvcounts);
  free (displs);
  if (rank == 0) {
   free (recvbuf);
 MPI Finalize();
 return 0;
```

3 Исходный код Python-программы для построения графика

```
#!/usr/bin/env python3
import matplotlib.pyplot as plt
import numpy as np
def draw(filenames, labels, dest_filename):
    plt.rcParams["legend.markerscale"] = 1.0
    plt.rcParams['font.family'] = 'sans-serif'
    plt.rcParams['font.sans-serif'] = ['PT Sans']
    plt.rcParams['font.size'] = '9'
    plt.rcParams["legend.loc"] = "upper left"
    plt.rcParams["legend.fontsize"] = '7'
    cm = 1 / 2.54 # centimeters in inches
    fig = plt.figure(figsize = (10 * cm, 7 * cm))
    ax = fig.add_subplot(111)
    ax.set_title("")
    ax.set(xlabel = "Number of processes", ylabel = "Speedup")
```

```
ax.label outer()
    ax.xaxis.set_ticks(np.arange(0, 17, 2))
    ax.xaxis.set_tick_params(direction='in', which='both')
    ax.yaxis.set tick params(direction='in', which='both')
    for (fname, datalabel) in zip(filenames, labels):
        data = np.loadtxt(fname)
        x = data[:, 0]
        y = data[:, 1]
        if datalabel == "N = 1500":
           marker = '-^'
           color = "orange"
        elif datalabel == "N = 5000":
            marker = '-s'
            color = "dodgerblue"
        else:
           marker = '-'
            color = "red"
        ax.plot(x, y, marker, c = color, markersize = 4.0, linewidth = 1.2, label =
datalabel)
    labels = [item.get text() for item in ax.get xticklabels()]
    labels[1] = \frac{1}{2\ln(2x1)}
    labels[2] = '4\n(2x2)'
   labels[3] = \frac{6 n(2x3)}{}
   labels[4] = "8\n(2x4)"
    labels[5] = '10\n(2x5)'
    labels[6] = '12\n(2x6)'
   labels[7] = '14\n(2x7)'
   labels[8] = '16\n(2x8)'
   ax.set xticklabels(labels)
   plt.tight layout()
    ax.legend()
    fig.savefig(dest filename, dpi = 300)
if __name__ == "__main__":
    draw(["gauss_1500.dat", "gauss_5000.dat", "linear.dat"], ["N = 1500", "N = 5000",
"Linear speedup"], "chart.png")
```