

	1	10	20	30	40	50	60
GELK01048600.1_1	AGCLFLPTMALKRPSGKAAPAMKDSSKAAMKPSM						
DVNP1_sequenced	.....KGKKPSATARGSRMYAVFSGRKEKT						

	70	80	90	100	110	120
GELK01048600.1_1	YTGLTKSDLQRNSYNRIVSKRRSALLAKKRYQGSREFORWIAAIVAVARNELNVTGFVAVNSS					
DVNP1_sequenced	YTGLTKSDLQRNSYNRIVSKRRSALLAKKRYQGSREFORWIAAIVAVARNELNVTGFVAVNSS					

	130
GELK01048600.1_1	SVQGRALFSKA
DVNP1_sequenced	TVQGRALFS..