	150	160	170	180	190	200 210	220	
GmPR-1-1	MDV.KTARAĖ <mark>V</mark> G	. VEALSWSĖK <mark>LG</mark> NV	/ <mark>S</mark> SLMŸRYQRNKK	GCEFANLTA.	.SR <mark>YĠ</mark> GNQLWAGVI	`.ĖVAPRVV <mark>V</mark> EE <mark>WV</mark> K <mark>EK</mark> KF	YVRĖN <mark>NTC</mark> V	225
GmPR-1-2	LEAHNQARAA <mark>V</mark> G	. VEPLRWSEQLANY	/TSKL <mark>A</mark> RYQRDKL	GCEFANLST.	.GKYGANQLLAWGT	'.AVTPRM <mark>AV</mark> EE <mark>WV</mark> K <mark>QK</mark> QF	YNHADN <mark>S</mark> CV	122
GmPR-1-3	LNGQNDARSD <mark>V</mark> DVQVP	.LPPLVWNNTLAE	AQD <mark>YA</mark> KQRKSN.	.CQLVHSN.	.GPYGENLAGSTG.	.DISCANAVKLWVDEKPY	YDRNS <mark>NS</mark> CV	117
GmPR-1-4	LDAHNAARAE <mark>V</mark> G	. <mark>V</mark> EPLAWDDT <mark>VA</mark> A	AQQ <mark>YA</mark> DSRIKE.	.CQVVHSQ.	.GPYGENLVASPG.	.DVSGTDAVKMWVAEKAN	IYDHKA <mark>nkc</mark> v	111
GmPR-1-5	FNVHNAARSQ <mark>V</mark> G	. VPPLTWDNTLAAI	AQSYANLRNVI.	. A N L	<del> </del>	.STHADHTVRAWVNEKAN	YDYNSN <mark>T</mark> CS	123
GmPR-1-6	LHAHNWIRKQYN	.LPEYTWDEKLAS	ARG <mark>Y</mark> LMQRYED.	.CKLVHSN.	.SNYGENVFWGKKI	HWSPSD <mark>A</mark> TYY <mark>WY</mark> QE <mark>K</mark> QW	YNFQTLSCA	220
GmPR-1-7	LFRHNLVRAAKW	.ELPLMWDFQLEQ	'ARW <mark>W</mark> AGE <mark>R</mark> KAD.	.CKLEHSFPEDG.	.FKLGENIYWGSGS	S.AWTPSD <mark>AV</mark> RA <mark>W</mark> AD <mark>EE</mark> KY	YTYAT <mark>NT</mark> CV	151
GmPR-1-8	LIPQNAARAVLR	.LRPLVWDSKLAH	'AQWYANQRRND.	.CALEHSN.	.GPYGENIFWGSG7	".GWKPAQ <mark>AV</mark> SA <mark>W<mark>V</mark>EE<mark>R</mark>QW</mark>	I <mark>Y</mark> NYWH <mark>NS</mark> CA	125
GmPR-1-9	VNAHNAARAEVGSQSPRQTV	I <mark>v</mark> pslawddt <mark>va</mark> ai	AES <mark>YA</mark> NQ <mark>R</mark> KGD.	.CQLIHSG.	.GEYGENIAMSTG.	.ELSGTDAVKMWVDEKSN	I <mark>Y</mark> DYDS <mark>NS</mark> CV	124
GmPR-1-10	VNAHNAARAEVGSQSPRQTVI	I <mark>v</mark> pslawddt <mark>va</mark> a!	<mark>(A</mark> ES <mark>YA</mark> NQRKGD.	.CQLIHSG.	.GE <mark>YG</mark> ENIAMST <mark>G</mark> .	.ELSGTDAVKMW <mark>V</mark> DE <mark>K</mark> SN	I <mark>Y</mark> DYDS <mark>NS</mark> CV	124
GmPR-1-11	VNAHNAARAEVGSQSPRQTV	I <mark>v</mark> pslawddt <mark>va</mark> a!	<mark>(A</mark> ES <mark>YA</mark> NQRKGD.	.CQLIHSG.	.GE <mark>YG</mark> ENIAMST <mark>G</mark> .	.ELSGTDAVKMW <mark>V</mark> DE <mark>K</mark> SN	I <mark>Y</mark> DYDS <mark>NS</mark> CV	124
GmPR-1-12	VNAHNAARAEVGSQSPRQTVI	I <mark>v</mark> pslawddt <mark>va</mark> a!	<mark>(A</mark> ES <mark>YA</mark> NQRKGD.	.CQLIHSG.	.GE <mark>YG</mark> ENIAMST <mark>G</mark> .	.ELSGTDAVKMW <mark>V</mark> DE <mark>K</mark> SN	I <mark>Y</mark> DYDS <mark>NS</mark> CV	124
GmPR-1-13	VNAHNAARAE <mark>V</mark> GSQSPRQTVI	I <mark>v</mark> pslawddt <mark>va</mark> a!	<mark>(A</mark> ES <mark>YA</mark> NQRKGD.	.CQLIHSG.	.GE <mark>YG</mark> ENIAMST <mark>G</mark> .	.ELSGTDAVKMW <mark>V</mark> DE <mark>K</mark> SN	I <mark>Y</mark> DYDS <mark>NS</mark> CV	124
GmPR-1-14	VNAHNAARSE <mark>V</mark> G	. <mark>V</mark> QNLAWDDT <mark>VA</mark> AI	AQN <mark>YA</mark> NQRKGD.	.CQRGESC.	.NEHG	<del></del> <del></del>		79
GmPR-1-15	LDVHNQARAE <mark>V</mark> G	. <mark>V</mark> GPLSWNHTLQA	AQS <mark>YA</mark> NK <mark>R</mark> IPD.	.CNLEHSM.	.GPFGENISEGYA.	.EMKGSDAVKFWLTEKPY	YDHHSNACV	113
GmPR-1-16	LDVHNQARAE <mark>V</mark> G	. <mark>V</mark> GPLSWNHTLQA	AQR <mark>YA</mark> NE <mark>R</mark> IPD.	.CNLEHSM.	.GPFGENLAEGYG.	.EMKGSDAVKFWLTEKPY	YDHYS <mark>N</mark> ACV	113
GmPR-1-17	VNAHNAARSE <mark>V</mark> G	. <mark>V</mark> QNLAWDDT <mark>VA</mark> AI	AQN <mark>YA</mark> NQRKGD.	.CQLIHSGG	GGQ <mark>YG</mark> ENLAMST <mark>G</mark> .	.DLSGTDAVKLWVDEKSN	I <mark>Y</mark> DYNS <mark>NS</mark> CV	116
GmPR-1-18	VNAHN <mark>AAR</mark> SQ <mark>V</mark> G	. <mark>V</mark> PN <b>I</b> VWDNA <mark>VA</mark> AI	AQN <mark>YA</mark> NQRKGD.	.CKLVHSGG	DGK <mark>YG</mark> ENLAGST <mark>G</mark> .	. NLSGKD <mark>AV</mark> QL <mark>WV</mark> NE <mark>K</mark> SK	YNYNS <mark>NS</mark> CV	116
GmPR-1-19	VNAHN <mark>AAR</mark> SQ <mark>V</mark> G	. <mark>V</mark> PN <mark>I</mark> VWDDT <mark>VA</mark> AI	AQN <mark>YA</mark> NQRKGD.	.CKLVHSGG	DGK <mark>YG</mark> ENLAGST <mark>G</mark> .	.NLSGTNAVKLWVDEKSK	YDYNS <mark>NT</mark> CV	117
GmPR-1-20	VNAHN <mark>AAR</mark> AE <mark>V</mark> SSQSPRANVI	I <mark>V</mark> PSLAWDDT <mark>VA</mark> A!	<mark>/A</mark> ES <mark>YA</mark> NQ <mark>R</mark> KGD.	.CALIHSG.	.GKYGENIAMSTG.	.ELSGTD <mark>AV</mark> KM <mark>WV</mark> DE <mark>K</mark> AN	I <mark>Y</mark> DYNS <mark>NS</mark> CV	124
GmPR-1-21	VDAHNAARSE <mark>V</mark> G	. <mark>V</mark> PDLAWDDS <mark>VA</mark> A	<mark>/A</mark> EN <mark>YA</mark> NQ <mark>R</mark> KGD.	.CALIHSG.	.GEYGENIAMSTG.	.ELSGTD <mark>AV</mark> KM <mark>WV</mark> DE <mark>K</mark> AN	I <mark>Y</mark> DHDS <mark>NS</mark> CV	87
GmPR-1-22	LEAHNQARAA <mark>V</mark> G	. <mark>V</mark> EPLRWSEQ <mark>VA</mark> NV	<i>I</i> TSKL <mark>A</mark> RYQRVKT	GCQFANLTA.	.GK <mark>YG</mark> ANQLLAR <mark>G</mark> S	SAAVTPRM <mark>AV</mark> EE <mark>WV</mark> K <mark>QK</mark> QF	'YNHAD <mark>NS</mark> CA	124
GmPR-1-23	LIPQNAARAVLR	.LRPLVWDSKLAH	<mark>TAQWYA</mark> NQ <mark>R</mark> RND.	.CALEHSN.	.GP <mark>YG</mark> ENIFWGS <mark>G</mark> 7	'.GWEPAQ <mark>AV</mark> SA <mark>WV</mark> EE <mark>R</mark> QW	I <mark>Y</mark> NYWH <mark>NS</mark> CA	118
GmPR-1-24	LFRHNLVRAAKW	.ELP <mark>L</mark> MWDFQ <mark>L</mark> EQ	<mark>/A</mark> RW <mark>WA</mark> GQ <mark>R</mark> KAD.	.CKLEHSFPEDG.	.FKLGENIYWGSGS	S.AWTPSD <mark>AV</mark> RA <mark>W</mark> AD <mark>E</mark> EKY	YTYAT <mark>NT</mark> CV	107
consensus	* ** *! *	* *! ** *	** ** *	* * *	** * *	** ** **	* ***	
	230 240	250	260	270				

	230	240	250	260	2/0	
GmPR-1-1					DPPGNVIGEIPY	275
GmPR-1-2					NPPGNYIGESPY	172
GmPR-1-3					YPPGNYVGQRPY	165
GmPR-1-4					DPPGNFQGEQPY	160
GmPR-1-5					DPRGNIRGQRPY	170
GmPR-1-6					DPAGNYENEDPLKQHER	277
GmPR-1-7	.PGQMCGHYTQI	VWKSTRRIGO	ARVVCDDG.	.DVFMTCNY	DPVGNYVGERPY	200
GmPR-1-8	.NGQMCGHYTQ <mark>I</mark>	VWST <mark>T</mark> RK <b>IG</b> C	ASVVCSGGK	.GTFMT <mark>C</mark> NY	DPPGNYYGERPY	175
GmPR-1-9	.GG.E <mark>C</mark> LHYTQ <mark>V</mark>	VWAN <mark>S</mark> VR <b>L</b> GC	AKVTCDNG.	.GTFITCNY	DPPGNFVGERPYKL	174
GmPR-1-10	.GG.E <mark>C</mark> LHYTQ <mark>V</mark>	VWAN <mark>S</mark> VR <b>L</b> GC	AKVTCDNG.	.GTFITCNY	DPPGNFVGERPYKL	174
GmPR-1-11	.GG.E <mark>C</mark> LHYTQ <mark>V</mark>	VWAN <mark>S</mark> VR <b>L</b> GC	AKVTCDNG.	.GTFITCNY	DPPGNFVGERPYKL	174
GmPR-1-12	.GG.E <mark>C</mark> LHYTQ <mark>V</mark>	VWAN <mark>S</mark> VR <b>L</b> GC	AKVTCDNG.	.GTFITCNY	DPPGNFVGERPYKL	174
GmPR-1-13	.GG.E <mark>C</mark> LHYTQ <mark>V</mark>	VWAN <mark>S</mark> VR <b>L</b> GC	AKVTCDNG.	.GTFITCNY	DPPGNFVGERPYKL	174
GmPR-1-14						79
GmPR-1-15	.HD.ECLHYTQI	VWRDSVHLGC	ARAKCNND.	.WVFVICSY	SPPGNIEGERPY	161
GmPR-1-16	.HD.ECLHYTQ <mark>I</mark>	VWRDSVHLGC	ARAKCNNG.	.WVFVICSY	SPPGNIEGERPY	161
GmPR-1-17	.GG.E <mark>C</mark> LHYTQ <mark>V</mark>	VWRD <mark>S</mark> VR <b>L</b> GC	AKVACDNG.	.GTFITCNY	APPGNYVGQRPY	164
GmPR-1-18	.GG.ECLHYTQ <mark>V</mark>	VWRN <mark>S</mark> LR <b>L</b> GC	AKVRCNNG.	.GTFIGCNY	APPGNYIGQRPY	164
GmPR-1-19	.GG.ECRHYTQ <mark>V</mark>	VWKN <mark>S</mark> VR <b>L</b> GC	GKVRCDNG.	.GTFITCNY	APPGNYVGQRPY	165
GmPR-1-20					DPPGNLVGESPYEL	174
GmPR-1-21	.GG.ECLHYTQ <mark>V</mark>	VWRDSVRLGC	AKVTCDNG.	.GTFITCNY	DP L	126
GmPR-1-22	.PNHRCGVYTQ <mark>V</mark>	VWRK <mark>S</mark> VE <b>L</b> GC	AQATCVKEQ	.ASLTICFY	NPPGNYVGESPY	174
GmPR-1-23	.NGQMCGHYTQ <mark>I</mark>	VWST <mark>T</mark> RKVGC	ASVVCSAGK	.GTFMT <mark>C</mark> NY	DPPGNYYGERPY	168
GmPR-1-24						123
consensus	* ****	** * ***	* *	* *	* * * * * *	

X non conserved
X similar

X ≥80% conserved