# סיכום מדע הנתונים (מבוסס על קורס מדע הנתונים, Campus IL)

## שלבי עבודה:

- **השערת המחקר:** הגדרת הבעיה, תיאום ציפיות והבנה של הבעיה באופן כללי.
  - **הכנות מקדימות לפתרון:** הרכשה, אחסון וטיפול בנתונים.
  - ניתוח נתונים מתקדם: הכוונה לפתרון (EDA) והפתרון (ניתוח מתקדם).

# הרכשה ואחסון נתונים

יש כל מיני פורמטים של נתונים. המרכזיים הם CSV ו־JSON, המשמשים כל אחד לשימושים שונים. פורמט CSV הוא לרוב פורמט שיוּצא לאחר שהנתונים סודרו בתוך טבלה, לעומת זאת פורמט JSON הוא פורמט שמתקבל באמצעות הרכשת הנתונים מ־API מסוים.

#### באמצעות IPI

לכל חברה/אתר שפותח בפני הציבור גישה לנתונים שלו, יש תבנית וחוקים משלו. יש לעקוב אחר החוקים וההוראות. את התשובה נקבל בפורמט JSON, איתה נשחק קצת ונמיר ל־DataFrame.

read csv doc | to csv doc | JSON doc | JSON to DataFrame doc | JSON Guide | JSON Notebook

# באמצעות Crawling

- 1. הגדרת הבעיה והנתונים הנחוצים.
- 2. לימוד והבנה של מבנה האתר ושל מבנה העמודים הפנימיים שלו.
- 3. הרכשת דפי אינטרנט שיש בהם את ההפניות לדפי התוכן הרלוונטיים ומעבר עליהם.
  - 4. חילוץ ההפניות מדפי התוכן.
    - 5. חילוץ התוכן מדפי התוכן.

כדי להרכיש נתונים בדרך זו צריך ידע לפחות בסיסי בה־HTML.

**HTML Tutorial by W3 Schools** 

ב־Python יש ספרייה שנקראת BeautifulSoup, והיא מחקה את הדרך שבה ניגשים לאלמנטים באמצעות JavaScript (כדוגמת getElementByld).

### פונקציות מרכזיות בספרייה:

find: Finds an html element or tag, and returns the first match.

find all: Returns a list (iterable) of all html elements that match the find criteria.

**get\_text:** Returns the readable text inside the html elements contained in the BS object.

string: Convenience property of a tag to get the single string within this tag.

**<u>prettify:</u>** Will turn a BeautifulSoup object into a nicely formatted Unicode string, with a separate line for each tag and each string.

BeautifulSoup Notebook | Building a Scrapper Guide

## טיפול בסיסי בנתונים

## סוני משתנים:

תצוגה גרפית קלאסית	דוגמא	תכונות	סולם מדידה
Bar plot / Pie chart	שפת אם	זהות	שמי
Bar plot	לא טוב, טוב, טוב מאוד	זהות, סדר	סדר
Histogram	טמפרטורה	זהות, סדר, הפרש	רווח
Histogram	משקל	זהות, סדר, הפרש, יחס	מנה

נהוג לחלק גם למשתנים בדידים ומשתנים רציפים. משתנים בדידים יהיו בעלי טווח מסוים. ואילו משתנים רציפים בעלי טווח אינסופי.

במצב של משתנים בדידים, נבנה טבלת שכיחויות. במצב של משתנים רציפים נבדוק סטיית התקן ( Standard ) במצב של משתנים רציפים נבדוק סטיית התקן (Variance) ואת השונות (Deviation) – סטיית התקן בריבוע. נוכל להשתמש ב־((std) שיניב את הממוצע (mean)

# קשר בין משתנים:

נבדוק האם יש קשר בין משתנים מסוימים (בין X ל־Y). מהי עוצמת הקשר? האם המשתנים מלמדים אחד על השני? וכו'...

כדי לבדוק קשר בין משתנים משתמשים בדיאגרמת פיזור (scatter plot), כאשר נשים את המשתנים שלנו כ־X וכ־ Y. יש לראות האם הגרף יוצר צורה כלשהי.

**All Commands Notebook** 

# <u>טיפול מתקדם בנתונים</u>

לפני הטיפול המתקדם, חשוב מאוד ליצור טבלה/רשימה הכוללת את שם המשתנים ב־df ואת משמעותם.

#### נתונים חסרים:

.df.info() כדי לאתר נתונים חסרים נשתמש ב־(df.info(), או אם df.info()

dtypes doc | describe doc | info doc | isnull doc

ניתן לטפל בנתונים באמצעות מחיקת כל המופעים (השורות) בעלי NaN, באמצעות (df.dropna(inplace=True). דרך נוספת זה הכנסת ערך אחר במקום NaN (0 או מחרוזת דיפולטית, או ערך משוער באמצעות ממדי מרכוז – ממוצע, חציון, הערך הכי שכיח (נפוץ) וכד'...)

dropna doc | fillna doc | Missing Data Notebook

# רשומות כפולות (דופליקציות):

כדי לאתר דופליקציות, נשתמש ב־()df.dupliacted, אפשר להעביר רשימה של מאפיינים כדי לברר אם יש דופליקציות בהתאם למאפיינים מסוימים, ולא דופליקציות 100% (שכל מאפיינן זהים לחלוטין).

duplicated doc | Duplicates Notebook

כדי למחוק subset=[feature]. אפשר להעביר למתודה (df.drop\_duplicates) כדי למחוק דופליקציות לא 100%.

drop duplicates doc

## נתונים חריגים (קיצוניים) (Outliers):

כדי לאתר נתונים חריגים יש 3 דרכים:

- 1. **איתור ערכים חריגים בגרפים:** נצייר דיאגרמת פיזור/היסטוגרמה ונראה איפה יש נתונים ש"מתבודדים" מהאחרים.
- .Q2 מרחק מחציון (IQR): האחוזון ה־25% מסומנן ע"י Q1, 50% (חציון) מסומן ע"י Q1 ו־75% מסומן ע"י Q3. מרחק מחציון (IQR Interquartile Range). החריגים יהיו אלו שקטנים מ־Q1 ל־Q3 ל־Q1 נקרא טווח בין־רבעוני (סמרשבין Q3 + 1.5IQR (מה שמעבר לקווים השחורים).
  - 3. מרחק סטיית תקן מהממוצע: נראה כמה משתנה רחוק מהממוצע.

**Scan for Outliers Notebook** 

אם דווקא הגיוני שהנתונים החריגים מופיעים, נשאיר ככה. אם זה לא הגיוני, נטפל בהם – אפשר להפוך אותם ל־ NaN, ואז להתייחס ולטפל בהם כמו לנתונים חסרים.

hist doc | boxplot doc | percentile doc | lists doc

#### המרת נתונים מסוגים שונים:

אפשרויות לקידוד משתני בדידים:

- 1. קידוד מספרי פשוט: לתת לכל מאפיין מספר (לדוגמה, גבר 1, אישה 2).
- 2. **משתני דמה (dummy variables):** להוסיף עמודות כמספר המאפיינים ולתת 0 או 1 לכל עמודה. מימוש עם פייתון באמצעות ([pd.get\_dummies(df, columns=[feature], prefix=[something].

מין	מספר דגימה	X1	X2
זכר	1	1	0
זכר	2	1	0
נקבה	3	0	1
נקבה	4	0	1
זכר	5	1	0
נקבה	6	0	1

3. **קידוד בינארי:** מאוד דומה ל־dummy variables, רק בייצוג בינארי.

ערך קטגוריאלי	ערך טבעי	X1	X2	ХЗ
גרוע מאוד	0	0	0	0
גרוע	1	0	0	1
בסדר	2	0	1	0
טוב	3	0	1	1
טוב מאוד	4	1	0	0

אפשרויות להמרת משתנה רציף למשתנה בדיד:

יש לחלק את המשתנה לכמה חלקים (לדוגמה 1 יכול לייצג גיל 1–10, 2 לגיל 10–20 וכו'...). לאחר מכן ליצור 2 רשימות: bins, שתייצג את החלוקה הנ"ל, ו־labels שתציב את המספרים המייצגים. אחר־כך משתמשים ב־pd.cut(df[feature], bins, labels=labels)

astype doc | replace doc | cut doc | Data Type Casting Notebook

# ניתוח נתונים מתקדם

ניתוח חקרני של נתונים (או EDA – Exploratory Data Analysis, אקספלורציה) הוא השלב האחרון בטיפול בנתונים, והוא חשוב מאוד. EDA כולל התבוננות ויזואליות בנתונים (באופן אובייקטיבי), מבחנים סטטיסטיים וגיבוש תובנות לגבי הנתונים. למה ויזואליזציה? כדי להסתכל על כמות גדולה של נתונים. הוויזואליזציה עוזרת לזיהוי תבניות ומגמות, וזיהוי תבניות חריגות ויוצאות דופן.

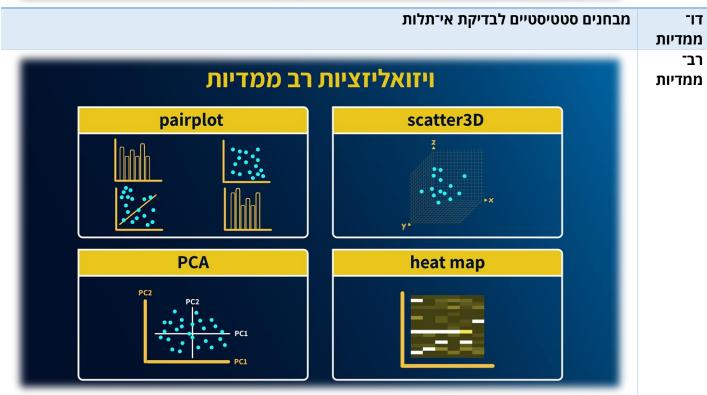
#### סוני ויזואליזציות:

- חד־ממדיות: הצגה גרפית של משתנה/מאפיין אחד.
- דו־ממדיות: הצגה גרפית של שני משתנים/מאפיינים.
- רב־ממדיות: הצגה של מספר רב של משתנים/מאפיינים.

כדי להציג cross tabulation, טבלה שמסכמת שני מאפיינים, נשתמש ב־pd.crosstab(df[f1], df[f2]. אפשר לנרמל את המאפיינים בטבלה באמצעות 'index) normalize='index.

חד־ ממדיות





# :figure אובייקט

אובייקט זה מאפשר לנו לקבוע את גודל הגרף, הרזולוציה, צבע הרקע, התנהגות הצירים, להגדיר את ה־legend ולחלק ל־subplots.

fig = plt.figure(figsize=(x_size, y_size))	figure יצירת
new_sub = fig.add_subplot(nrows=1, ncols=2, index=1)	subplot הוספת
new_sub.hist(df.age, bins=20) (דוגמה)	subplot־הגדרת הוויזואליזציה שתוצג ב
new_sub.set_title(title)	הגדרת הכותרת
new_sub.set_xlabel(feature) / new_sub.set_ylabel(feature)	y־הגדרת ה־x וה־y
new_sub.set_facecolor(color)	הגדרת צבע רקע

# מבחנים סטטיסטיים לבדיקת אי־תלות (Chi-Square Test of Independence):

מבחני חי בריבוע עוזרים לנו לבדוק האם השערה (H₀) היא נכונה או לא. אם נקבל בתוצאות המבחנים מספר קטן /שווה ל־0.05 (מוסכמה), ההשערה אינה נכונה ונצטרך לאמץ את ההשערה האלטרנטיבית (H₁). (הערה: H₀ יהיה השערה כי <u>אין</u> תלות, ואילו H₁ יהיה השערה כי <u>יש</u> תלות).

# מימוש עם פייתון:

from scipy.stats import chi2\_contingency chi2\_contingency(ctab) # ctab is a cross tabulation between the two variables.

כדי להציג גרפים רב־ממדיים, נשתמש ב־pairplot ו־heatmap. לתלת־ממד נשתמש ב־scatter3D.

# מימוש עם פייתון (3D):

From mpl\_toolkits.mplot3d import Axes3D

ax = plt.axes(projection='3d') # I want a 3D graph!

plt.x/ylabel(label) # If you want.

ax.scatter3D(xdata, ydata, c=zdata, depthshade=False)

## מימוש עם פייתון (רב־ממד):

import seaborn as sns
sns.pairplot(df[[feature1, feature2, feature3, feature4, ...]]

יש לנו מלא רכיבים? כדי לצמצם אותם לשניים או שלושה ממדים נשתמש ב־Principal Component ) PCA יש לנו מלא רכיבים? Analysis).

> מספר הממדים הראשוני = n. מספר המשתנים בדטה (לאחר צמצום) = m.

#### יש לשים לב:

- המשתנים נמדדו באותן יחידות מדידה.
- סוג המשתנים צריכים להיות משתני רווח/מנה.

