Ferramenta pmt

1. Identificação

A equipe é formada pelos alunos André Luiz Pereira da Silva e Lucas Vinícius Araújo da Silva.

As tarefas foram divididas da seguinte forma: - André Luiz: Implementação da ferramenta de compressão e descompressão. - Lucas Vinicius: Implementação dos algoritmos de busca indexada.

Ambos contribuíram de forma igualitária para a CLI e testes, assim como a construção do relatório.

2. Implementação 2.1 Algoritmos de indexação e casamento

O algoritmo escolhido para indexação foi o SA-IS, que faz o uso de induced sorting,

exato

arquivo.

as seguintes informações:

e para o casamento exato o algoritmo Burrows-Wheeler Transform (BWT) foi escolhido.

Algoritmos de compressão 2.2 e descompressão

binário para cada caractere do texto, dependendo da frequência em que aparecem.

O algoritmo escolhido para o compressão e descompressão foi a codificação de Huffman. Utilizamos uma estrutura de árvore binária para determinar um código

2.3 Detalhes de implementação Relevantes Os dois algoritmos utilizados para para indexação e casamento foram as formas ingênuas que aparecem na literatura, quase nada foi feito para limitar o uso de

memória utilizada na criação do array de sufixo e das tabelas, além de mapear a quantidade de caracteres no alfabeto para um número exato que aparece no texto, em vez de utilizar os 256 caracteres do Latin 1. O algoritmo BWT não foi utilizado para comprimir o texto, o texto original está dentro do arquivo salvo.

2 tabelas foram criadas no algoritmo BWT: 1. A primeira é uma tabela de caracteres, ordenada lexicograficamente. 2. A segunda é uma tabela que guarda a quantidade de ocorrências de um carácter no texto, em cada posição, até o final, e para isso é necessário um array do tamanho do texto para cada caracter no alfabeto, o que deixa o

custo de memória muito grande para textos com alfabetos grandes.

Com essa implementação há uma escolha entre espaço utilizado e a velocidade do algoritmo, o algoritmo SA-IS é um dos mais rápidos da literatura para a construção do array de sufixo, com uma complexidade de O(n) para a sua velocidade, e o algoritmo BWT também trabalha com uma complexidade para a velocidade O(n), o que fica aparente é o uso de memória necessário para a construção da estrutura de dados do BWT, que precisa de [caracteres únicos * tamanho do array de sufixo * sizeof(uint32_t)] de memória para poder armazenar todos os detalhes relevantes para a busca exata.

Na indexação o array de sufixo e as tabelas são pré processadas e guardadas no

Para compressão e descompressão, optamos trabalhar com um arquivo que registra

1. Cada caractere que aparece no texto ao menos uma vez e sua frequência: Essas informações foram registradas de forma mais simples e objetiva: Na primeira linha do arquivo guardamos o número de caracteres e frequências que virão em sequência, para que pudéssemos iterar nas linhas. Após isso, cada par de linhas subsequentes possui um número, que é lido como o código ASCII de um caractere, e outro número inteiro que é lido como a frequência do caractere lido na linha anterior. Cada uma dessas informações custa ao menos 1 Byte para ser armazenada. 2. Uma sequência de bits que representa o texto original codificado pela codificação de Huffman gerada. Aqui, escolhemos guardar cada '0' ou '1' como um bit de fato, e não como um caractere. Obviamente, se usássemos o formato do caractere para essa informação, todos os textos comprimidos

> acabariam com um tamanho ainda maior do que o texto original. Dito isso, o C++ exige que a unidade básica de informação seja um byte, então fomos acumulando bit por bit, até termos um conjunto de 8 bits, 1 Byte, e só aí inserimos esse byte no arquivo comprimido. Pensando nos casos em que há um "resto" de bits, insuficiente de formar um conjunto de 1 Byte, resolvemos também incluir, antes da sequência de bits, um número que indica quantos bits esse "resto" possui, assim, guardamos o "resto" num Byte e lemos ele

até esse valor previamente informado. No final, o arquivo fica parecido com algo do tipo:

É possível notar que a partir da linha 35 temos a sequência de bits. Às vezes os Bytes gerados significam algo em UTF-8 e são lidos dessa forma, mas a maior parte das vezes podemos ver símbolos vermelhos e de "?", indicando que a "encoding" não conseguiu

Compressão e descompressão Para os testes de compressão e descompressão, foram usados 3 tipos de textos: DNA, Inglês e código-fonte. Dentro de cada uma dessas categorias, foram usados arquivos de 50MB, 100MB e 200MB. Realizamos os testes via Python, usando a biblioteca subprocesses para fazer

testes (tamanho do padrão, tipo de arquivo e tamanho do arquivo).

alfabeto pequeno ele foi o único que não ultrapassou a memória do computador de

chamadas a programas via linha de comando por meio do script python. Foram marcados o tempo do sistema antes de fazer a chamada ao ipmt, grep e zip, e depois de executarem. Também utilizamos funções do python para registrar o tamanho dos arquivos. Para os gráficos, foi usada a biblioteca matplotlib, relacionando tempos de execução ou tamanho de arquivos e o fator variável dos

interpretar o Byte. Mas para nós, isso não faz diferença, pois o que importa é o conjunto inteiro de bits. Para comprimir o arquivo, fazemos o cálculo das frequências dos caracteres, e usamos essa informação para gerar a árvore de Huffman. Dessa forma, atribuímos códigos menores para caracteres mais frequentes, e códigos maiores para caracteres menos frequentes. Para descomprimir, retiramos do arquivo a informação das frequências dos caracteres. Se mantermos a mesma ordem das frequências, a árvore de Huffman gerada vai ser igual aquela gerada na etapa de compressão, então evitamos de serializar a árvore inteira. Com essa tabela de frequências, geramos a mesma árvore de Huffman novamente, e agora podemos usar ela para decodificar a sequência de bits presente no arquivo. Na etapa de testes, entramos em mais detalhes sobre a descompressão e como fizemos para deixá-la mais eficiente. 3. Testes e resultados Indexação e busca exata Para os testes de Indexação e busca exata foram utilizados 3 tipos de textos: DNA, Inglês e o de Shakespeare na pasta demo do github da cadeira. Apenas no texto de DNA foi possível utilizar um arquivo acima de 50MB, indo até 100MB, por ter um

Empo de indexação

70 60 20

naive ipmt

Empo de indexação 20

Tamanho do arquivo em MBs

Eficiência de tempo de algoritmos de indexação de acordo com o tamanho do texto: english

3.2 Casamento Indexado Para o casamento exato, 3 coisas que podem influenciar: O tamanho do alfabeto do arquivo. 2. O tamanho do padrão. 3. O tamanho do texto do arquivo. Para o ponto 1 e 3, os arquivos que o BWT tem que carregar está em ordem de magnitudes maiores que os arquivos que o Grep tem que carregar, causando tempos maiores que o esperado do algoritmo, o que pode ser visto nos 2 gráficos a seguir. tempo casamento exato de acordo com o tamanho do texto e um alfabeto constante grande: english arep ipmt 12 Tamanho do arquivo em MBs ipmt 10

12 Tamanho do padrão Esse teste foi rodado 1000 vezes e finalmente foi feito uma média dos resultados, dá para ver que há uma mudança não significativa com o aumento do tamanho dos padrões. Nesses testes os resultados para o array de sufixos não está tão bem quanto esperado, o motivo que foi visto para isso é por conta do tamanho dos arquivos que foram indexados. Ao fazer um teste onde apenas pegamos o tempo de pesquisa do padrão dentro do texto, com 70 padrões diferentes e 10000 iterações de cada pesquisa, obtivemos a seguinte média: matching 70 patterns, median elapsed time is: 3 microseconds 3.3 Compressão Para os testes de compressão, analisamos a velocidade em que os programas conseguem compactar os arquivos de texto, assim como o tamanho final do arquivo compacto. Em quesito de velocidade, comparamos a eficiência do ipmt com a ferramenta "zip", presente no linux. Quanto ao espaço, além do zip, incluímos também o tamanho original dos arquivos comprimidos para melhor visualização do processo de compressão. Resultados DNA: Eficiência de tempo de ferramentas de compressão de acordo com o tamanho do texto: dna zip 30 ipmt

10 Tamanho do arquivo em MBs Eficiência de espaço de ferramentas de compressão de acordo com o tamanho do texto: dna zip ipmt famanho do arquivo comprimido em tamanho original 175 150 125 75 50 25 50 100 150 200 Tamanho do arquivo em MBs Eficiência de tempo de ferramentas de compressão de acordo com o tamanho do texto: english zip ipmt 10 Tempo de compressão 50 Tamanho do arquivo em MBs </> Eficiência de espaço de ferramentas de compressão de acordo com o tamanho do texto: english zip 200 ipmt tamanho original 175

> 150 125

> > 50 25

Resultados Sources:

50

50

ipmt

tamanho original

200

50

operações de entrada e saída.

3.4 Descompressão

14

12

10

50

Tempo de descompressão

100

100

Conseguimos resultados relativamente próximos ao do zip, em especial nos tipos de texto "DNA", que possuem um menor alfabeto, portanto menores códigos de Huffman. Acreditamos também, que, já que o zip funciona com vários tipos de arquivos diferentes, ele possui maiores overheads, o que nos permitiu alcançá-lo em algumas situações. Dito isso, a velocidade ainda deixa a desejar e, novamente, acreditamos que a maior parte do tempo excedente de execução se concentra nas

Eficiência de tempo de ferramentas de descompressão de acordo com o tamanho do texto: dna

100

Eficiência de tempo de ferramentas de compressão de acordo com o tamanho do texto: sources

150

Tamanho do arquivo em MBs

150

150

Tamanho do arquivo em MBs

Tamanho do arquivo em MBs

Eficiência de espaço de ferramentas de compressão de acordo com o tamanho do texto: sources

200

200

zip

ipmt

200

ipmt

Eficiência de tempo de ferramentas de descompressão de acordo com o tamanho do texto: english ipmt 40 Tempo de descompressão 100 150 Tamanho do arquivo em MBs ipmt

100

150

Tamanho do arquivo em MBs

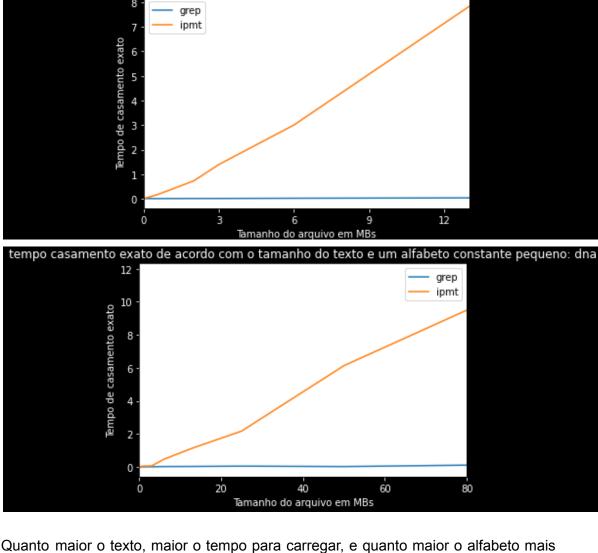
200

Para a indexação foram testados 2 códigos, o código antigo, feito a partir do código visto em aula, utilizando um algoritmo de ordenação com comparações (std::sort em vez de radix sort) contra o algoritmo SA-IS. As duas coisas que podem impactar em algo do teste é o tamanho do arquivo, para os dois algoritmos, e o tamanho do alfabeto, para o algoritmo SA-IS+BWT, portanto apenas os arquivos de DNA e o de inglês foram utilizados. Os tempos estão em segundos. Eficiência de tempo de algoritmos de indexação de acordo com o tamanho do texto: dna naive 800 ipmt 600

3.1 Indexação

teste.

10 11 Tamanho do arquivo em MBs O resultado no teste do DNA é o esperado, em um alfabeto pequeno o SAIS+BWT é bem mais eficiente que o algoritmo ingênuo. O ponto interessante de se ver é que no teste dos textos de inglês a maior parte do tempo ocorreu no algoritmo BWT, mostrando que mesmo que o algoritmo BWT tenha uma complexidade bem mais baixa que o algoritmo ingênuo, em um alfabeto com algoritmo grande as constantes do algoritmo ficam bem mais pesadas que o esperado.



tempo casamento exato de acordo com o tamanho do padrão e um alfabeto constante pequeno: dna

34

Tamanho do padrão

tempo casamento exato de acordo com o tamanho do padrão e um alfabeto grande: english

arep

74

grep ipmt

64

rápido a duração de execução aumenta.

0.0144

0.0142

0.0140

0.0138

0.0136

0.0134

0.0132

0.018

0.017

0.016

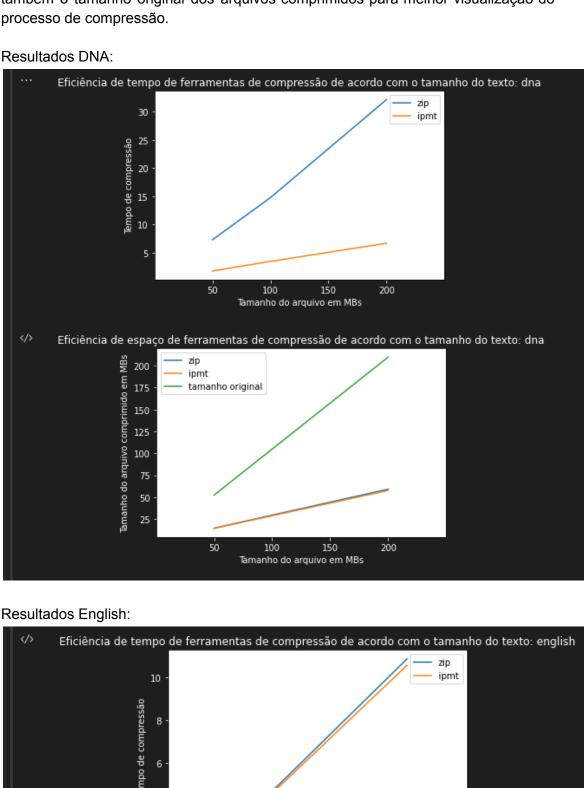
0.015

0.014

Empo de casamento exato

14

Tempo de casamento exato



Eficiência de tempo de ferramentas de descompressão de acordo com o tamanho do texto: sources Tempo de descompressão 50 100 150 200 Tamanho do arquivo em MBs Aqui, já podemos ver um resultado bem melhor para zip. Originalmente, o algoritmo de descompressão navegava pela árvore de huffman para decodificar cada caractere, mas essas operações eram muito custosas, fazendo com que uma simples descompressão de 200MB demorasse horas. Assim, resolvemos reformular a maneira com que decodificamos os códigos. Com apenas um pré-processamento

da árvore, fomos capazes de gerar um tabela de códigos que relaciona cada caractere com seu devido código, em formato de dicionário, o que tornou a execução da decodificação bem mais eficiente e possível de ser usada em tempo hábil. Ainda assim, dada a operação de varrer o texto codificado, adicionando o próximo bit ao código corrente e checando para ver se ele existe no dicionário, ainda

não conseguimos equipar a eficiência dessa etapa aquela do unzip.