RESULTADOS

En este informe haremos una comparación de clasificadores para un conjunto de datos sobre diagnósticos de cáncer de mama del" Repository of Machine Learning Databases" de UC Irvine.

Hemos utilizado el conjunto de datos "Breast Cancer Wisconsin (Diagnostic)" donado en 1995 y por supuesto sujeto al área de Salud y Medicina. Este conjunto de datos incluye características calculadas a partir de una imagen digitalizada de una aspiración con aguja fina de masa mamaria.

-Número de muestras: 569

-Número de características: 30

-Número de clases: 2, clasificadas como "B" o "M" (Benigno - 357, Maligno - 212)

Entre las características calculadas, para cada núcleo celular se incluyen medidas como radio (media de distancias desde el centro a puntos en el perímetro), textura (desviación estándar de los valores de escala de grises), perímetro, área, suavidad (variación local en longitudes de radio), compacidad (perímetro^2 / área - 1,0), concavidad (severidad de las porciones cóncavas del contorno), puntos cóncavos (número de porciones cóncavas del contorno), simetría, dimensión fractal ("aproximación de la línea costera" - 1).

En cuanto a las métricas de rendimiento utilizadas para comparar los distintos modelos de clasificación se encuentran exactitud, precisión, recall y f1-score.

MÉTODOS Y MODELOS UTILIZADOS

Se han implementado y evaluado a los siguientes clasificadores utilizando validación cruzada 10-fold para asegurar robustez en nuestros resultados:

-Clasificador Naive Bayes

Clasificador Nearest Neighbors

- -Clasificador árbol de decisión
- -Clasificador Support Vector Machine

CLASIFICADOR NAIVE BAYES

```
estimador_gnb = GaussianNB()
y_pred_train = estimador_gnb.fit(X_train, y_train).predict(X_train)
y_pred_test = estimador_gnb.predict(X_test)
```

```
accuracy train = accuracy score(y train, y pred train)
accuracy test = accuracy score(y test, y pred test)
precision train = precision score(y train, y pred train)
precision test = precision score(y test, y pred test)
recall train = recall score(y train, y pred train)
recall test = recall score(y test, y pred test)
f1 train = f1 score(y train, y pred train)
f1 test = f1 score(y test, y pred test)
metrics dict['GaussianNB'] = {'Train Accuracy': accuracy train,
'Test Accuracy': accuracy test, 'Train Precision': precision train,
'Test Precision': precision test, 'Train Recall': recall train,
'Test Recall': recall test, 'Train F1-Score': f1 train, 'Test F1-
Score': f1 test}
print("\nClasificador Naive Bayes")
print("Exactitud(train): ", accuracy train)
print("Exactitud(test): ", accuracy_test)
print("Precision(train): ", precision train)
print("Precision(test): ", precision test)
print("Recall(train): ", recall train)
print("Recall(test): ", recall test)
print("F1-Score(train): ", f1 train)
print("F1-Score(test): ", f1 test)
```

En cuanto a los parámetros escogidos para este clasificador, el modelo GaussianNB no necesita ajuste.

Como resultados obtenemos:

```
Clasificador Naive Bayes
Exactitud(train): 0.9507042253521126
Exactitud(test): 0.9368421052631579
Precision(train): 0.9801980198019802
Precision(test): 0.9191919191919192
Recall(train): 0.8918918918918919
Recall(test): 0.900990099009901
F1-Score(train): 0.9339622641509434
F1-Score(test): 0.91
```

CLASIFICADOR NEAREST NEIGHBORS

```
estimador_neigh = KNeighborsClassifier(n_neighbors=5)
estimador_neigh.fit(X_train,y_train)
predict_proba_df = pd.DataFrame(X_test,
columns=caracteristicas_columnas)

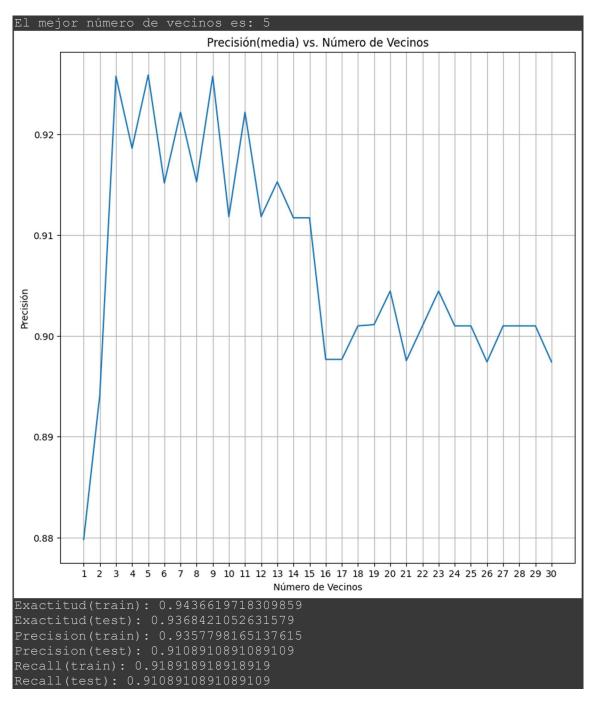
# Definimos lista de números de vecinos a probar
neighbors_list = range(1, 31)
cv_NN = []
```

```
stratified kfold = StratifiedKFold(n splits=10, shuffle=True,
random state=30)
for k in neighbors list:
    kn = KNeighborsClassifier(n neighbors=k)
    res = cross val score(kn, X train, y train,
cv=stratified kfold, scoring='accuracy')
    cv NN.append(res.mean())
bestK = neighbors list[np.argmax(cv NN)]
print("\nClasificador Nearest Neighbors")
print("El mejor número de vecinos es:", bestK)
plt.figure(figsize=(10, 10))
plt.plot(neighbors list, cv NN)
plt.title('Precisión(media) vs. Número de Vecinos')
plt.xlabel('Número de Vecinos')
plt.ylabel('Precisión')
plt.xticks(neighbors list)
plt.grid(True)
plt.show()
y pred train = estimador neigh.predict(X train)
y pred test = estimador neigh.predict(X test)
accuracy train = accuracy score(y train, y pred train)
accuracy test = accuracy score(y test, y pred test)
precision train = precision score(y train, y pred train)
precision test = precision score(y test, y pred test)
recall train = recall score(y train, y pred train)
recall test = recall score(y test, y pred test)
f1 train = f1 score(y train, y pred train)
f1_test = f1_score(y_test, y_pred_test)
print("Exactitud(train):", accuracy train)
print("Exactitud(test):", accuracy test)
print("Precision(train):", precision_train)
print("Precision(test):", precision test)
print("Recall(train):", recall train)
print("Recall(test):", recall test)
print("F1-Score(train):", f1 train)
print("F1-Score(test):", f1 test)
```

```
metrics_dict['KNeighborsClassifier'] = {'Train Accuracy':
accuracy_train, 'Test Accuracy': accuracy_test, 'Train Precision':
precision_train, 'Test Precision': precision_test, 'Train Recall':
recall_train, 'Test Recall': recall_test, 'Train F1-Score':
f1_train, 'Test F1-Score': f1_test}
```

En cuanto a los parámetros escogidos para este clasificador, hemos asignado el número de vecinos a 5, ya que realizamos una búsqueda del mejor número de vecinos y se observó que el modelo alcanzaba su mejor rendimiento con este valor.

Como resultados obtenemos:



```
F1-Score(train): 0.92727272727272
F1-Score(test): 0.910891089109
```

CLASIFICADOR DE ÁRBOL DE DECISIÓN

```
estimador arbol = DecisionTreeClassifier(max depth=2,
min samples leaf=1, min samples split=2, random state=30)
estimador arbol.fit(X train, y train)
y pred train = estimador arbol.predict(X train)
y pred test = estimador arbol.predict(X test)
accuracy train = accuracy score(y train, y pred train)
accuracy test = accuracy score(y test, y pred test)
precision train = precision score(y train, y pred train)
precision test = precision score(y test, y pred test)
recall train = recall score(y train, y pred train)
recall test = recall score(y test, y pred test)
f1 train = f1 score(y train, y pred train)
f1 test = f1 score(y test, y pred test)
print("\nClasificador de árbol de decisión")
print("Exactitud(train): ", accuracy train)
print("Exactitud(test): ", accuracy_test)
print("Precision(train): ", precision train)
print("Precision(test): ", precision test)
print("Recall(train): ", recall train)
print("Recall(test): ", recall test)
print("F1-Score(train): ", f1_train)
print("F1-Score(test): ", f1 test, "\n")
param grid = {'max depth': range(1, 10),
              'min samples split': range(2, 10),
              'min samples leaf': range(1, 10)}
```

```
grid_searchcv = GridSearchCV(estimador_arbol, param_grid, cv=10)
grid_searchcv.fit(X, y)

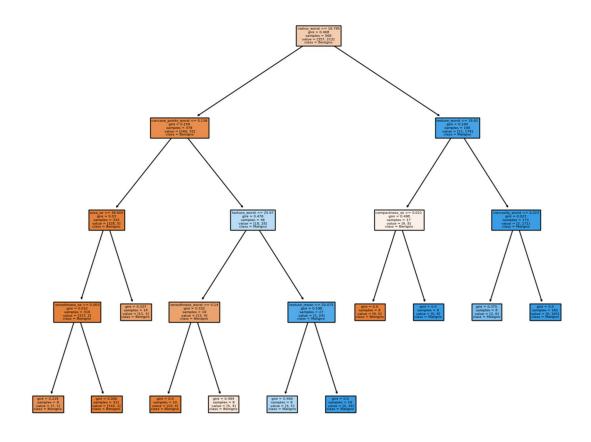
# Imprimir los mejores hiperparámetros
print("Parámetros ideales para árbol: ",
grid_searchcv.best_params_)

# Obtener el mejor modelo de GridSearchCV y hacer gráfica
best_decision_tree = grid_searchcv.best_estimator_
plt.figure(figsize=(12, 10))
plot_tree(best_decision_tree,
feature_names=caracteristicas_columnas, class_names=['Benigno',
'Maligno'], filled=True)
plt.show()

# Guardar las métricas en el diccionario
metrics_dict['DecisionTreeClassifier'] = {'Train Accuracy':
accuracy_train, 'Test Accuracy': accuracy_test, 'Train Precision':
precision_train, 'Test Precision': precision_test, 'Train Recall':
recall_train, 'Test Fl-Score': fl_test}
```

En cuanto a los parámetros escogidos para este clasificador, hemos asignado la profundidad máxima del árbol a 2, el número mínimo de muestras por hojas a 1 y el número mínimo de muestras requeridas para dividir un nodo interno a 2.

Como resultados obtenemos:



CLASIFICADOR SUPPORT VECTOR MACHINE

```
# Clasificador Support Vector Machine
estimador_svc = SVC()

# Entrenar el clasificador
estimador_svc.fit(X_train, y_train)

# Predecir las etiquetas de los datos de entrenamiento y prueba
y_pred_train = estimador_svc.predict(X_train)
y_pred_test = estimador_svc.predict(X_test)

# Calcular la precisión para los datos de entrenamiento y prueba
accuracy_train = accuracy_score(y_train, y_pred_train)
accuracy_test = accuracy_score(y_test, y_pred_test)

# Calcular las métricas adicionales para los datos de entrenamiento
y prueba
precision_train = precision_score(y_train, y_pred_train)
precision_test = precision_score(y_test, y_pred_test)
```

```
recall train = recall score(y train, y pred train)
recall test = recall score(y test, y pred test)
f1 train = f1 score(y train, y pred train)
f1 test = f1 score(y test, y pred test)
print("\nClasificador Support Vector Machine")
print("Exactitud(train): ", accuracy_train)
print("Exactitud(test): ", accuracy test)
print("Precision(train): ", precision train)
print("Precision(test): ", precision test)
print("Recall(train): ", recall train)
print("Recall(test): ", recall test)
print("F1-Score(train): ", f1 train)
print("F1-Score(test): ", f1 test)
param grid = \{'C': [0.1, 1],
grid search = GridSearchCV(SVC(), param grid,
cv=StratifiedKFold(n splits=10, shuffle=True, random state=30))
grid search.fit(X train, y train)
print("Mejores parámetros para SVM: ", grid search.best params )
metrics dict['SVC'] = {'Train Accuracy': accuracy train, 'Test
Accuracy: accuracy_test, 'Train Precision': precision train, 'Test
Precision': precision test, 'Train Recall': recall train, 'Test
Recall': recall test, 'Train F1-Score': f1 train, 'Test F1-Score':
f1 test}
```

En cuanto a los parámetros escogidos para este clasificador, hemos utilizado el modelo por defecto sin especificar ningún hiperparámetro en particular, después de ello, obtenemos que los mejores son: 'C':0.1, 'gamma':1,'kernel':linear.

Los resultados obtenidos han sido:

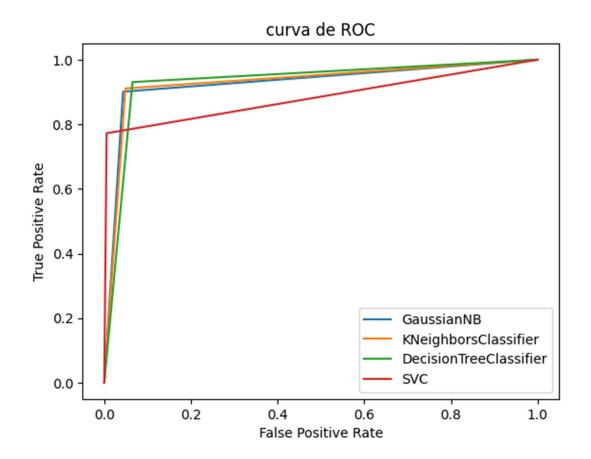
```
Clasificador Support Vector Machine exactitud(train): 0.897887323943662 Exactitud(test): 0.9157894736842105 Precision(train): 0.9767441860465116 Precision(test): 0.9873417721518988
```

CURVAS DE ROC

Ahora se presentan las curvas ROC para los clasificadores evaluados, las curvas ROC permiten visualizar el rendimiento de cada clasificador en términos de su capacidad para distinguir entre casos malignos y benignos

```
names = ['Naive Bayes', 'K-Nearest Neighbors', 'Decision Tree',
classifiers = [GaussianNB(),
               KNeighborsClassifier(n neighbors=5),
               DecisionTreeClassifier(max depth=6,
min_samples_leaf=10, min_samples_split=3, random_state=30),
               SVC (probability=True) ]
plt.figure()
for name, classifier in zip(names, classifiers):
    classifier.fit(X train, y train)
    y pred = classifier.predict(X test)
    fpr, tpr, _ = roc curve(y test, y pred)
    roc auc = roc auc score(y test, y pred)
    plt.plot(fpr, tpr, label=f'{name} (AUC = {roc auc:.2f})')
plt.xlabel('False Positive Rate')
plt.ylabel('True Positive Rate')
```

```
plt.title('Curva ROC')
plt.legend()
plt.show()
```



EVALUACIÓN FINAL

En este caso hemos considerado diversas medidas de rendimiento y aunque todas son relevantes, en el caso del cáncer, hay algunas que son especialmente importantes como el "recall", ya que es fundamental detectar correctamente los casos malignos aunque esto signifique que algunos casos benignos se clasifiquen de manera errónea y también es importante considerar de más a "precisión" para asegurarnos de que los casos positivos realmente sean malignos. Por lo que, podríamos calcular una combinación de ambas a través de "F1-SCORE".

MODELO	EXACTITUD	F1-SCORE
Naive Bayes	0.9368	0.91

Álvaro González Plaza

Nearest Neighbors	0.9368	0.9108
Árbol De Decisión	0.9333	0.9082
Support Vector Machine	0.9157	0.8666

Basándonos en estas puntuaciones, vemos que el modelo "KNeighborsClassifier" tiene la puntuación más alta en los datos, lo que indica un buen equilibrio entre precisión y recall. Por lo tanto, el "KNeighborsClassifier" es efectivo para este conjunto de datos en particular.

REFERENCIAS

Enlace a Colab.

Enlace extra a mi primer proyecto personal sobre IA.

Repositorio.